次元核内配置について、3D-FISH 法により種間比較を 通じて相対核内配置を明らかにするとともに、 系統関 係の詳細が未知な一部の種においてミトコンドリア DNA の分子系統解析を並行して行い、両者を統合した 視点から霊長類の核型進化・系統進化を考察すること を目的としている. 特に近縁種間で進化的な染色体転 座が生じている場合、対応する染色体領域の 3 次元核 内配置からみた転座染色体の生成機構は興味深い、本 年度は各種末梢血リンパ球より 3 次元核構造を維持し た細胞核 3D スライドを作成し、ヒト2番染色体の短腕 および長腕特異的ペインティングプローブを使用した 3D-FISH 法により、蛍光シグナルの検出条件、共焦点 レーザースキャン顕微鏡による画像取得条件の検討を 行った. FITC, Cy3 を2種類のプローブ, Cy5 を DNA 対比染色 (TOPRO-3) に対応させ、ニホンザル細胞核 においても十分検出可能な蛍光強度を得る条件を確立 した. 現在、この条件で解析対象を各種へ拡大してい

(2) 施設利用

1 シセンキンシコウの社会構造の仮説

和田一雄

2001 年から 2004 年まで秦嶺山系で、キンシコウ西 梁群を餌付けして, 個体識別に基づき社会行動を観察 し、社会構造の推定を行った。観察時期は主に 10-12 月と 3-4 月であった。前者には交尾期が含まれ、後者 は出産期であった. 毎日餌場に出てきた群れ内の社会 単位、One Male Unit(OMU)はそれぞれの観察期間中は 安定して同じ個体からなるものであった. それぞれの OMUは1頭の♂, 複数♀, アカンボ・1~4 才の♂・♀ を含む. 交尾と grooming の大部分は OMU 内で行われ ていた. 時期によって 5~9 個の OMU. 個体数として 60-90 頭が餌場に出現した. これらの OMU は相対的に 独立しているが、移動・採食・休息は同時に行うので1 つの単位であり、band と呼ぶ、 ðは4才になると OMU から消える。 みだけの集まりを見ているので、これを all male group とした. 西梁群と初めによんだ集団はこ の様に one male unit, band, all male group からなり、 これらを含む全体を herd と呼ぶことにした.

4年間で OMU の δ の交代が 2回行われたが、 φ は そのままであった。band から φ は成獣 5 頭、亜成獣 2 頭消え、新しい成獣 φ が 5 頭入ってきた。また 9 つの OMU が消え、7 つの OMU が新しく入ってきた。同じ OMU の出入りは 3 回観察された。この様な OMU の移動はもう一つの band の存在を暗示するのであるが、まだ直接的な証拠を持っていない。 $\delta \cdot \varphi$ の出入りから band は双系である可能性が高い。

2 サル肝ミクロソームのアルコール酸化酵素遺伝子 cDNA クローニング及び機能解析

渡辺和人, 舟橋達也, 山折大 (北陸大・薬・ 衛生化学)

我々はニホンザル肝臓より大麻成分 Δ^8 -tetrahydrocannabinol(Δ^8 -THC)の主代謝物の 1 つである 7-hydroxy- Δ^8 -THC から活性代謝物である 7-oxo- Δ^8 -THC への酸化を触媒するミクロソーム酵素 (Microsomal Alcohol Oxygenase, MALCO)を精製し、その MALCO本体が CYP3A 分子種であることを明らかにしてきた.さらに、精製酵素の N 末端アミノ酸配列はカニクイザル CYP3A8 と同一であった.本年度の研究ではニホンザル(雄・3 才)肝臓より mRNA を抽出し、CYP3A8 cDNA 等の非翻訳領域を基に設定したプライマーを用いて RT-PCR 法により cDNA をクローニングした.その塩基配列を決定したところ、カニクイザル