

因子分析における 問題点

東京理科大 津村 善郎

§ 1. はしがき

因子分析で普通に用いられるモデル

$$\underline{z} = \Lambda \underline{f} + \underline{\epsilon} \quad (1)$$

を考える、ただし test battery \underline{z} は p 次の, common factor \underline{f} は m ($< p$) 次のベクターとし, Λ , \underline{f} , $\underline{\epsilon}$ は独立,

$$\Sigma \equiv E(\underline{z}\underline{z}') \quad (E(\underline{\epsilon})=0)$$

$$\Psi \equiv E(\underline{\epsilon}\underline{\epsilon}') \cdots \text{diagonal}.$$

因子分析は (特に exploratory) 相関行列 (または共分散行列) から因子数 m , Ψ および loading Λ を推定することである。この方法として, セントロイド法, 最尤法, principal F.A., alpha F.A. などがある。最後の 3 つの方法はよく似ており, 最尤法で述べることが多くは成立すると考えられる。そこで理論的考察が比較的多くされている最尤法に限定しよう (セントロイドについては麻生氏の項参照)。exploratory F.A. は論理的には次の通りなる。

(1) 因子数 m と unique variance Ψ の推定 --- これだけ

(1)

何学的には因子空間の決定である。

(2) 実態的に意味のある形での推定——幾何学的には因子空間内で座標軸の決定 = 座標軸の回転。

(2) は論理的には問題ないので(1)に限定して論ずる。座標軸はどのようにとっても空間そのものには変わりないから、

$$E(f') = I$$

と假定してよい。

因子分析はよく知られているように実験心理学における方法論として発達し多くの分野に広っているが、心理学者の中から、しかも因子分析の創始者たち Thurstone などの直系の弟子 Guttman [3], Guilford [4] などから批判の声が上っている。これは心理学の発達につれ、人間の abilities は多数の因子よりなることが知られてきたこと、因子分析の結果が互に矛盾することが多いことなどによるのである。

因子分析で扱う関数は非常に複雑で数学的に追求できない場合が多い。そこで、モデルの明確な場合にシミュレーションでやらねばならぬ。方法としては Lawley [5], Lawley-Joreskog [4] の方法による。

§ 2 Uniquenessについて

これは最も基本的なもので、 uniqueness の保証なしには何 (2)

を計算しているのかわからぬ). uniqueness について 2 種のものがある. (i) 代数的 (sampling よび解法を考えず), なものと (ii) 解法における iteration の収束の一意性である. 前者については, Albert の結果を改善した Anderson-Rubin [1] の定理と Tumura-Fukutomi [7] の定理がある. Anderson-Rubin の保証する uniqueness を弱い意味の uniqueness とよぶ. Tumura-Fukutomi の保証するものを強い意味の uniqueness とよぼう. 後者については,これまで全く論じられていない.

Uniqueness については福富氏の項をみられたい. 次節から述べる各種の問題は uniqueness との関連が深いので, その理解の上で読んで頂きたい.

§ 3 Factor invariance について

全てのデータで test の数を増減して因子抽出を行ったり, 全様の実験を繰返したとき, 著しく違った因子がえられることがある. これでは因子分析を信頼し難いので, その原因を明らかにする必要がある. factor invariance には次の各種のものが考えられる.

(a) test の数を増減する場合

$$\text{モデル (1) で } \tilde{x} = \begin{pmatrix} \tilde{x}_1 \\ \tilde{x}_2 \end{pmatrix}, \quad \Sigma = \begin{pmatrix} \Sigma_{11} & \Sigma_{12} \\ \Sigma'_{12} & \Sigma_{22} \end{pmatrix}, \quad \Lambda = \begin{pmatrix} \Lambda_1 \\ \Lambda_2 \end{pmatrix} \quad \begin{matrix} \uparrow p_1 \\ \downarrow p_2 \end{matrix}$$

(3)

に分割しよう。いま Σ と Σ_{\parallel} より因子抽出を行い、 (m, Λ, Ψ) , (m^*, Λ^*, Ψ^*) とする。

もし Σ , Σ_{\parallel} ともに uniqueness の条件を満足しているならば $m \geq m^*$ であり、

$$\Lambda T = (\Lambda^*, \Lambda^{**}) \quad (2)$$

となる直交行列 T が存在する、すなわち

$$\text{diag } \Psi_{\parallel} \geq \text{diag } \Psi^* \quad (3)$$

でなければならぬ。 (2) の場合に、factor invariant であるといふ、しかしさういふ invariant でないといふ。

上記のことば uniqueness の実験（福富氏参照）より明らかであろうが、実験してみていらる（略）。しかし、uniqueness のなりたぬ場合、特に因子数が大きな場合は現れてくる。

次の実験は $p=20$, $m=8$ の factor loading をえて Σ を作り、この最初の $p=6, 8, 10, 12, \dots$ に対応する行列 Σ_{\parallel} から、 $m=2, 3, 4, 5, \dots$ で因子抽出を行つた場合の communalities を掲げてある。

test	1	2	3	4	5	6	7	8	---
$p=6, m=2$.51717	.51685	.26839	.70524	.64606	.06193			
$p=8, m=3$.58851	.55245	.29290	.59356	.68850	.46728	.24319	.57780	
$p=10, m=4$.88731	.69728	.63037	.66150	.48308	.12006	.43899	.54828	---

---のある部分は (3) に反し、明らかに factor invariant が (4)

なりたたなことを示している。

(b) 抽出する因子数について

因子分析では、因子数 $m=k$ で因子を抽出して有意性検定を行ひ、有意でなければ止め、有意の場合には $m=k+1$ として全様のことを繰返す。この場合に後述のように有意性検定の役割についても疑問があるし、有意水準を 5% にするか 10% にするかも問題である。これに対して Tukey [6] は、有意でなくなつてからなお若干個増加すればといつている。これに対して今まで経験上反論がある。第 1 は、抽出する因子数を変えれば結果が相当に変わるのが普通である。第 2 に、極端な場合 $m=k$ で抽出して有意でなかつたのに、 $m=k+1$ で抽出すると有意であるという矛盾した結果がえられることがある（特に initial のとり方により）。

これらの事実が起るのは殆んど uniqueness の成立しないときである。強い意味の uniqueness のなりたつてゐる場合には、標本においても殆どの場合に、眞の因子数がえられ乍後、因子数を 1, 2 増加して抽出しても、specific に近い因子がえられるだけである。

(c) 多数の標本について

Bechtoldt [2] は Thurston-Thurston のデータをランダムに 2 分し、標本 1, 2 を作り、別個に解析した。兩者の平

均値および共分散行列の有意性検定を行ったが、当然のこととして有意ではなかった。しかるに因子抽出を行った結果では下表のように著しく異っていた（ただし下表の数字は Becktoldt の計算したものではなく、Mattsson et al. [] の結果を掲げてある）。

test no.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	---
標本 1.	.674	<u>.005</u>	.170	.135	.228	.395	.316	.567	.365	---
標本 2.	<u>.005</u>	.697	.178	.160	.256	.262	.358	.499	.412	---

すなわち、共に improper を解であるが、標本1ではオ2 test が、標本2ではオ1 test が communality 1となっている。ランダムに2分割した2組の標本がこのように異なる結果を示すのでは全く解釈に苦しい。

このようなことは実際に再々起っている。あるいは全様の測定を繰返したとき、似寄って test を行ったときなどである。ところが、これも後來の uniqueness と関連のあることがわかる。上記は Jöreskog-Lawley の方法により Jöreskog の initial で行つたものである。しかるに、上記標本2の結果に近い initial をえて、標本1で抽出すれば、下記のように標本2の結果に近い結果がえられる。

test no.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	---
標本 1	.005	.746	.160	.131	.230	.380	.330	.561	.370	---

福富氏の所で述べられたように、このように oper ,
 non unic な解がえられるのは、structure + unic でな
く、したがって因子分析に向かない場合である。

§4 有意性検定について

因子数 m と unic variance Σ を同時に推定することはでき
ないので、 $m=k$ と假定して Σ (および Λ) を推定し、有意
性検定により假説 $m=k$ を認めるか $m>k$ とするかを決定し
ようとするものである。すなわち、因子分析(特に最尤法)
はいわゆる minimal rank の思想と假説検定の機械的適用
によりなっている。minimal rank の概念で正しく結果が
えられるのは、眞の構造が uniqueness の条件を満足している
ときであることを知った。しかも心理学の発達は人間の abilities
は多くの因子よりなり、したがってこの条件を一般に満足し
ていないことを示している。それでは假説検定の因子分析に
おける役割について考えよう。

有意性検定により決定を行う場合、その場によって態度は
変わるべきである。2つの極端な場合をあげよう。商行為に
おいて保留が許されず即時に決定を要求される。この場合には
1回の取引でなしに多數回の繰返しにおいて全体として利
潤があればよいのである。これに対して科学研究の場合に

は、それまでの問題で誤りは許されない。しかし保留は許され、気のすきまで追試し研究を進めてゆかなければならぬ。Fisher の強く主張するのはこの立場である。この立場に立てば、有意でないとは、有効な情報が殆んどえられなかつことを意味し、実験方法を変えたり一層の努力を要するのであって、即座に假説を反証するなどとんでもないことである。因子分析は、特に心理学で用ひるのは、この科学研究の場にあつてである。

たとえば農事試験で、新品種が在来品種に比し有意に収量が高いとの結果を1年えただけで決定はしない。さらに追試し、条件を変えても行い、その上で農家段階の実験も繰返して決定するのである。この慎重さが望ましい。

また、單純假説 $\theta = \theta_0$ 、または $\mu_1 = \mu_2$ の検定においては、追試を繰返して有意でなければ、たとえ假説が正しくなくとも（独立その他他の假定が正しいとして）、当らずとも遠からずの程度には大体保証されるのである。ところが、因子分析で $m=k$ （これによって H_A が推定される）をとった場合と $m=k+1$ をとった場合とで、必要と H_A の推定が著しく異ってくるのである。このように重大な相違を来たすのでは、余程慎重を要する。

§ 5 Improper solutionについて

Mattsson et al. [5] は 12 例中 3 例を除いて improper sol. (Heywood's case) をえた。これは 2 例を除き、心理その他でえられた実際上のデータである。これは驚くべき結果であって、もしこれが事実とすれば因子分析は使用しうるかの疑問がもたれよう。

因子分析の解法は、これまでのものは収束が遅く、特に communality が 1 に近付けば極端に遅く、improper solution は気がつかなかつた。Jöreskog-Lawley の方法は非常に収束が早く優秀な方法であるため、この率值が表に出てきたのである。

もっとも、Jöreskog [4] はこれに対し、conditional の方法をとり、解を求めている。Jöreskog 自身は improper とよんではいるが、母集団では proper な構造をもち、ただ communality が 1 に近いものの推定と考えているのではないかろうか。

われわれの実験では、標準で improper sol. が推定される場合は 3 通りの場合であった。

- (1) 上記の comm. 1 に近い構造のとき
- (2) 因子数 m の大きな場合 ($m > p/2$)
- (3) 抽出する因子数が実の因子数より大きい場合 (specific といへり)

しかも、(1)の場合には initial によらず収束は unique (もちろん

構造は unique の条件を満足する)である。この場合は抽出する因子数を漸時増加していくとさちに判定しうる。

しかるに Matteson et al. の実例で、improper solution がえられたものは、収束が unique ではなく、すべて別の解に収束する initial が存在する。これは恐らく(2)の場合であろう。これは心理学で因子数が多いという事実にも合致する。この場合に因子分析が通用不能なることは既に論じてお通りである。

References

1. Anderson-Rubin (1956) Statistical inference in factor analysis
Proc. 3rd Berkeley Symp.
2. Bechtoldt, H.P. (1961) An empirical study of the factor analysis stability hypothesis. Psychometrika 26.
3. Guttman, L (1958) What lies ahead for factor analysis.
Educ. and Psychol. Measurement 18.
4. Jöreskog, K.G. (1967) Some contribution to maximum likelihood factor analysis. Psychometrika 32.
5. Matteson, Olson and Rosen (1966) The maximum likelihood method in factor analysis --- . Research Report, Univ. of Uppsala.
6. Tukey, J.W. () The future of Data analysis
7. Tumura and Fukutomi in press (Rep. Stat. Appl. Res. JUSE, and TRIVMath.)
(10)