ペプタイボール、Trichosporin-B類の電圧依存性 イオンチャンネル形成機構に関する研究

1996

長岡康夫

ペプタイボール、Trichosporin-B類の電圧依存性

イオンチャンネル形成機構に関する研究

目次

理論の部

第1	章 緒言·	
第2	章 ペプタ	マイボールに関する従来の研究概要・・・・・・・・・・ 3
	第1節	ペプタイボールの一次構造・・・・・ 3
	第2節	ペプタイボールの二次構造・・・・・ 9
	第3節	ペプタイボールのイオンチャンネル形成特性・・・・・ 11
	第4節	ペプタイボールのチャンネル形成におけるPro残基の役割 · 12
	第5節	ペプタイボールの残基数とチャンネル形成活性・・・・・ 13
	第6節	ペプタイボールの合成誘導体・・・・・ 14
	第7節	ペプタイボールの生物活性・・・・・ 14
第3	章 Trich	nosporin-B-VIa,-VIbとその誘導体の合成 ・・・・・・・・・・・
16		
	第1節	Trichosporin-B-VIaとtrichosporin-B-VIbの合成・・・・・
16		
	第2節	[Aib ¹⁴] trichosporin-B-VIaの合成 ······22
	第3節	残基数の異なるtrichosporin-B-VIa誘導体の合成・・・・・24
第4	章 Trich	nosporin-B-VIaとその誘導体の2次構造・・・・・・・・・・・・・・・ 28
	第1節	Trichosporin-B-VIaおよび[Aib ¹⁴]trichosporin-B-VIaの
		2次構造
	第2節	残基数の異なるtrichosporin-B-VIa誘導体の2次構造 ·····45
第5	5章 Trich	nosporin-B-VIaとその誘導体のイオンチャンネル
	形成集	寺性 · · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
	第1節	Trichosporin-B-VIaのイオンチャンネル形成特性・・・・・46
	第2節	[Aib ¹⁴]trichosporin-B-VIaのイオンチャンネル形成特性 ・・52
	第3節	残基数の異なる誘導体のイオンチャンネル形成特性・・・・・ 54
	第4節	Trichosporin-B-VIaとその誘導体の構造とイオンチャンネル
	2.00 Stoff (12)	活性との相関・・・・・ 55

第6章 Tric	chosporin-Bの生物活性 ・・・・・ 58	Ĕ.
第1節	Trichosporin-Bのウシ副腎随質細胞に対するカテコールアミング	3
	泌活性・・・・・ 58	K.
第2節	Trichosporin-Bのミトコンドリアに対する脱共役活性・・・・・64	-
第7章 要約	および結語・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・ 68	ĺ
謝辞		ŀ.
実験の部		
第3章に関	する実験・・・・・ 71	e
第4章に関	する実験・・・・・ 89	i
第5章に関	する実験・・・・・ 90	È
第6章に関	する実験・・・・・ 91	
論文目録		10111
引用文献	····· 95	-

理論の部

イオンチャンネルは神経細胞の興奮の発生と伝達、細胞間の情報伝達など細胞 内イオン濃度の変化に伴う生体機能の発現において本質的な役割を果たしている。 近年、遺伝子工学的手法により電圧依存性のNaチャンネル¹)、Kチャンネル²)、Ca チャンネル³のアミノ酸配列が解明された。これらの結果、いずれのチャンネルも きわめて類似した6本の膜貫通へリックス部位が存在し、この6本のへリックス が束状に集まった時に形成される穴がチャンネルのイオン透過孔であると推定さ れている。しかしながら、生体のイオンチャンネルは分子量200,000以上の巨大な タンパク質であり、その詳細な高次構造の解析が困難であることなどから、チャ ンネルのゲイティングの仕組みやイオン選択性の仕組み等のチャンネル機構の解 明は未だなされていない。

生体膜にイオンチャンネルを形成するペプチドが動物や菌類から多数得られて いる⁴⁾。これらのペプチドは生体チャンネルの単純化されたモデルとしてチャンネ ル機構の解明に寄与することが期待されている。特に土壌菌の代謝産物として得 られるペプタイボール⁵⁾は、ヘリックス状の分子が生体チャンネルと同様に膜を貫 通し、集合し、チャンネルを形成すると考えられている。ペプタイボールは分子 量が約2000までのペプチドであり、その高次構造はX線結晶解析やNMRを用いて 明らかにすることができる。さらに、誘導体を合成し、構造と活性との相関を調べる こともでき、生体チャンネルのモデルとしてチャンネルメカニズムの研究やペプチ ドと脂質との相互作用の研究等に寄与すると考えられる。また、ペプタイボール は細胞膜のイオン透過性を変化させるため、イオノフォアとして、細胞のイオン 流入による細胞応答を調べる研究に用いることができ、薬理学分野への応用が期 待される。細菌学の面からは、菌類がペプタイボールを生産することが菌類の防 御作用や代謝作用と関連すると考えられ興味が持たれる。

Tricosporin (TS)-Bはシイタケ栽培に大きな被害を与えたことで知られる木材腐朽 菌、Trichoderma polysporum (TMI 60146)が生産する20残基のペプタイボールであ る⁶⁾。著者はTS-Bのイオンチャンネルの形成機構の解明を目的として、TS-Bおよび その誘導体の合成を行い、これら化合物の詳細な二次構造とチャンネル形成特性 を調べた。また、TS-Bの生体細胞に対する作用として、牛副腎髄質細胞に対する カテコールアミン分泌活性とラット肝ミトコンドリアに対する脱共役活性を検討 した。さらに、TS-Bとその誘導体の構造とイオンチャンネル形成特性ならびに、

(注)本論文で使用したアミノ酸の略号は, IUPAC-IUBの生化学命名委員会勧告に従い三 文字表記または一文字表記で示した⁷⁾。

Gly (G)	: glycine	Ser (S)	: serine	Gln (Q)	: glutamine
Ala (A)	: alanine	Thr (T)	: threonine	Phe (F)	: phenylalanin
Val (V)	: valine	Pro (P)	: proline	Trp (W)	: tryptophan
Leu (L)	: leucine	Asn (N)	: asparagine	Ile (I)	: isoleucine

Glu (E) : glutamic acid

異常アミノ酸、アミノアルコール、試薬、官能基、物理化学的手法は下記の略号を用いた。 〈異常アミノ酸、アミノアルコール〉

Aib (U)	: α -aminoisobutyric acid	Hyp (O)	: hydroxyprolin
Iol	: isoleucinol	Iva (J)	: isovaline
Lol	: leucinol	Pheol (Fol)	: phenylalanino
Wol	: tryptophanol	Vol	: valinol

〈試薬、官能基〉

Boc	: t-butyloxycarbonyl
DCC	: dicyclohexylcarbodiimide
EtOAc	: ethyl acetate
HOBt	: 1-hydroxybenzotriazole
HOSu	: N-hydroxysuccinimide
MeOH	: methanol
Z	: benzyloxycarbonyl

〈物理化学的手法〉

CD	: circular dichroism
CID	: collision induced-dissociation
EI-MS	: electron impact mass spectrometry
ESI-MS	: electrospray ionization mass spectrometry
FAB-MS	: fast atom bomberdment mass spectrometry
MS/MS	: mass spectrometry / mass spectrometry
COSY	: correlated spectroscopy
DQF-COSY	: double quantum filtered correlated spectroscopy
NOESY	: nuclear Overhauser enhancement spectroscopy
HPLC	: high performance liquid chromatography

そのほかの略号については,随時ことわった上で省略する。

第2章 ペプタイボールに関する従来の研究概要

藤多らは徳島市周辺で、シイタケ栽培の害菌として採取したオオボタンタケ (Hypocrea peltata)の子座より、抗シイタケ菌活性を有するペプチド、hypelcin-A およ び-Bを分離した⁸⁾。さらに藤多らは同様にシイタケ栽培に被害を与えた不完全菌 Trichoderma polysporumの培養濾液から抗生ペプチド、trichosporin-A, -Bのおよび trichopolyn類²⁹⁾を分離した。これらのペプチドはN-末端をアシル基、C-末端をアミ ノアルコールで保護され、異常アミノ酸α-アミノイソ酪酸(Aib)を高率に含むとい う特徴がある。同様の特徴をもつペプチドが子嚢菌類、あるいはその不完全世代菌 類から数多く得られてきた。Brüknerらはこれら一連のペプチドをペプタイボール (peptaibol) と総称することを提唱した⁵⁾。本章においてはペプタイボール全般に ついて、その構造と活性について概説する。

第1節 ペプタイボールの一次構造

現在までに、構造決定または構造推定されているペプタイボールは150種あまり にも達している(Table 1)。ペプタイボールは全て直鎖状のペプチドでありその残基 数が20,19,18,16,15,14,そして11 残基のものに分類される。hypelcin類や trichosporin類は20残基のペプタイボールの一つである。20, 19, 18残基のペプタイボ ールの一次構造を比べてみると、14位にPro残基、7、18位に極性のGln残基が保存 され(19および18残基の者についても残基番号は20残基を基準にしている)、常に 7位GlnとProとの間に6残基の隔たりがあることがわかる。16残基のペプタイボール、 zervamicinも3位にGln、10位にHyp (hydroxyproline)が存在し、18残基以上のペプタイ ボールと同様に、このGlnとHypの間に6残基の隔たりがある。ただし、16残基のペ プタイボールのC-末端部分は18残基以上のペプタイボールとは異なり、1残基おき にHvpまたはProが存在するという特徴的な構造を有する。さらにそのN-末端は芳 香性のTrpかPhe残基である。15残基のemerimicinは16残基のantiamoebinのC-末端部分 のProが1残基欠損した構造を有する。最近報告された14残基のharzianinと11残基の trichorozinおよびtrichorovinはN-末端部分に極性のGlnまたはAsnを持ち、その後4残 基おきにProをもつという点で共通している。一方、同じ11残基のペプタイボール であるtrichoginやtrichoninginは極性残基やProを持たない。これらは、Glyを高率で 含有し、N-末端が高級脂肪酸のoctyl基で保護されている。

このようにペプタイボールの残基の配列には統一性や規則性が存在する。このよ

うな特徴的な残基の配置はペプタイボールの活性を発現する上で重要な要素である と考えられる。特にProやHypはhelixの折れ曲がり構造を形成する点で重要と考え られる。また、ペプタイボールを構成するアミノ酸のほとんどが疎水性である中で、 極性残基の存在は分子に極性部位を形成するという点で重要と考えられる。そこで Table 1においてはProと極性残基を強調して示した。さらに、Table 1にはAibを含む リポペプチド、trichopolyn, leucinostatinとC-末端にポリアミン構造をもつAib含有ペ プチド、efrapeptin, aibellin, MS-681の構造も示した。

Table 1. Sequences of Peptaibols and Aib Containing Peptides.

Aib Containing Peptide			Sequence			
20 residue analogues						
	Position	1	7	14	18 19 20	
Alamethicin ⁹⁾	I	Ac-U-P-U-	A-U-A-Q-U-V-U-	G-L-U-P-V-L	J-U-E-Q-Fol	
(Trichoderma viride)	П	Ac-U-P-U-	A-U-U-Q-U-V-U-	G-L-U-P-V-L	J-U-Q-Q-Fol	
Suzukacillin ¹⁰⁾		Ac-U-A-U-	A-U-A-O-U-U-U-	-G-L-U-P-V-U	J-U-0-0-Fol	
(Trichoderma viride)		Ac-U-A-U-A	4-U-U-Q-U-L-U-	G-L-U-P-V-U	J-J-Q-Q-Fol	
Paracelsin ⁵⁾	A	Ac-U-A-U-	A-U-A-O-U-V-U-	G-U-U-P-V-U	I-U-O-O-Fol	
(Trichoderma viride)	В	Ac-U-A-U-	A-U-A-O-U-L-U-	G-U-U-P-V-U	J-U-O-O-Fol	
	C	Ac-U-A-U-	A-U-U-O-U-V-U-	G-U-U-P-V-U	J-U-O-O-Fol	
	D	Ac-U-A-U-	A-U-U-Q-U-L-U-	G-U-U-P-V-U	J-U-Q-Q-Fol	
Hypelcin ⁸⁾	A-I	Ac-U-P-U-	A-U-U-O-U-L-U-	G-U-U-P-V-I	I-U-O-O-Lol	
(Hypocrea peltata)	A-II	Ac-U-P-U-	A-U-A-O-U-L-U-	G-U-U-P-V-L	J-U-O-O-Lol	
() specific prime,	A-III	Ac-U-P-U-	A-U-U-O-U-L-U-	G-U-U-P-V-I	J- J-0-0-Lol	
	A-IV	Ac-U-P-U-	A-U-U-O-U- I-U-	G-U-U-P-V-U	J-U-0-0-Lol	
	A-V	Ac-U-P-U-	A-U-U-O-U-L-U-	G-U-U-P-V-U	J-U-Q-Q- Iol	
	A-VI	Ac-U-P-U-	A-U-A-Q-U-L-U-	G-U-U-P-V-U	J-U-Q-Q- Iol	
	A-VII	Ac-U-P-U-	A-U-A-Q-U-L-U-	G-U-U-P-V-U	J-J-Q-Q-Lol	
	A-VIII	Ac-U-P-U-	A-U-A-Q-U-I-U-	G-U-U-P-V-U	J-U-Q-Q-Lol	
	A-IX	Ac-U-P-U-	A-U-U-Q-U- I-U-	G-U-U-P-V-U	J-J-Q-Q-Lol	
	B-I	Ac-U-P-U-	A-U-U-Q-U-L-U-	G-U-U-P-V-U	J-U-E-Q-Lol	
	В-П	Ac-U-P-U-	A-U-A-Q-U-L-U-	G-U-U-P-V-U	U-U-E-Q-Lol	
	B-III	Ac-U-P-U-	A-U-U-Q-U-L-U-	G-U-U-P-V-I	U-J-E-Q-Lol	
	B-IV	Ac-U-P-U-	A-U-U-Q-U-I-U-	-G-U-U-P-V-U	U-U-E-Q-Lol	
	B-V	Ac-U-P-U-	A-U-U-Q-U-L-U-	G-U-U-P-V-U	U-U-E-Q- Iol	
Trichosporin ⁶⁾	B-Ia	Ac-U-A-S-	A-U-U-Q-U-L-U-	G-L-U-P-V-U	J-U-Q-Q-Fol	
(Trichoderma polysporum)	B-IIIa	Ac-U-A-A-	A-U-U-Q-U-L-U-	-G-L-U-P-V-U	J-U-Q-Q-Fol	
	B-IIIb	Ac-U-A-A-	A-U-U-Q-U-I-U-	-G-L-U-P-V-U	J-A-Q-Q-Fol	
	B-IIIc	Ac-U-A-A-	A-A-U-Q-U-I-U-	-G-L-U-P-V-U	J-U-Q-Q-Fol	
	B-IIId	Ac-U-A-A-	A-U-U-Q-U-V-U-	-G-L-U-P-V-U	J-U-Q-Q-Fol	
	B-IVb	Ac-U-A-A-	A-U-U-Q-U-L-U-	-G-L-U-P-V-U	J-J-Q-Q-Fol	
	B-IVc	Ac-U-A-U-	A-U-U-Q-U-V-U-	-G-L-U-P-V-U	J-U-Q-Q-Fol	
	B-IVd	Ac-U-A-A-	A-U-U-Q-U-V-U	-G-L-U-P-V-U	J- J-Q-Q-Fol	
	B-V	Ac-U-A-A-	A-U-U-Q-U- I-U-	-G-L-U-P-V-U	J-U-Q-Q-Fol	
	B-VIa	Ac-U-A-U-	A-U-U-Q-U-1-U	-G-L-U-P-V-U	J-U-Q-Q-Fol	
				-		

	B-VIb	Ac-U-A-A-A-U-U-Q-U- I-U-G-L-U-P-V-U- J-Q-Q-Fol
	B-a-1	Ac-U-A-G-U-A-U-Q-U-X-A-A-Z-A-P-V-U-Z-Q-Q-Fol
	B-a-2	Ac-U-A-G-A-U-U-Q-U-X-A-A-Z-A-P-V-U-Z-Q-Q-Fol
	B-b	Ac-U-A-G-A-U-U-Q-U-X-U-G-X-A-P-V-U-A-Q-Q-Fol
	B-d	Ac-U-A-S-A-U-U-Q-U-X-A-G-X-A-P-V-U-U-Q-Q-Fol
	B-e	Ac-U-A-G-A-U-U-Q-U-X-U-G-X-U-P-V-U-U-Q-Q-Fol
	B-g	Ac-U-A-G-A-U-U-Q-U-X-U-G-X-A-P-V-U-U-Q-Q-Fol
	B-h	Ac-U-A-G-A-U-U-Q-U-X-U-G-X-U-P-V-U-Z-Q-Q-Fol
Saturnisporin ¹¹⁾	SAI	Ac-U-A-U-A-U-A-O-U-L-U-G-U-U-P-V-U-U-O-O-Fol
(Trichoderma saturnisporum)	SA II	Ac-U-A-U-A-U-A-O-U-L-U-G-U-U-P-V-U- J-O-O-Fol
(ereal and the second sec	SA III	Ac-U-A-U-A-U-U-O-U-L-U-G-U-U-P-V-U-U-O-O-Fol
	SA IV	Ac-U-A-U-A-U-U-Q-U-L-U-G-U-U-P-V-U-J-Q-Q-Fol
Trichobrachin ¹²⁾		Ac-U-A-U-A-U-A-O-U-V-U-G-L-U-P-V-U- V-O-O-Fol
(Trichoderma longibrachiatum)		in our our que to ober to tqqtd
Gliodeliquescin A ¹³)		ACHAHAHAOHVUGI UPVUUOO Fol
(Gliocladium deliquescens)		AC-0-A-0-A-Q-0-V-0-0-L-0-F-V-0-0-Q-Q-F0I
Trichogallin 14)	A.T.	A-UAUAUA OULUCUURVUUOODA
(Trichodomia virido)	A-I A II	Ac-U-A-U-A-U-A-Q-U-L-U-G-U-U-P-V-U-U-Q-Q-F0I
(Trichoderma Virue)	A-11	ACUAUAUA O U UUGUUP VUUO O Fol
	A IV	
	A-IV	Active and a second sec
	AVI	AcUAUAUA OULUGUUP VULOOF
	A-VII	Ac-U-A-U-A-Q-Q-U-LU-G-L-U-P-V-U-U-Q-Q-Fol
	A-VIII	Ac-U-A-U-A-Q-C-I-U-G-L-U-P-V-U-LQ-Q-Fol
	B-I	Ac-U-A-U-A-O-U-L-U-G-U-U-P-V-U-U-E-O-Fol
	B-II	Ac-U-A-U-A-U-A-O-U-L-U-G-U-U-P-V-U- J-E-O-Fol
Trichokonin ¹⁵⁾	VI	Gliodeliquescin
(Trichoderma koningii)	VII	Ac-U-A-U-A-O-U-V-U-G-L-U-P-V-U-LO-O-Fol
(Inchoachna koningii)	VIII	Tricosporin-B-VIc
19 residue analogues		
Trichorzianine ¹⁶⁾	A- IIa	Ac-U-A-A-U-U-Q-U-U-U-S-L-U-P-L-U- 1-Q-Q-Wo
(Trichoderma harzianum)	A- IIIa	Ac-U-A-A-U- J-Q-U-U-U-S-L-U-P-L-U- I-Q-Q-Wo
	A-IIIb	Ac-U-A-A-U-U-Q-U-U-U-S-L-U-P-V-U-L-Q-Q-Wo
	A-IIIc	Ac-U-A-A-U-U-Q-U-U-U-S-L-U-P-V-U- I-Q-Q-Wo
	A-IVb	Ac-U-A-A-U- J-Q-U-U-U-S-L-U-P-V-U- I-Q-Q-Wo
	A-Vb	Ac-U-A-A-U-U-Q-U-U-U-S-L-U-P-L-U-I-Q-Q-Fol
	A-VIa	Ac-U-A-A-U- J-Q-U-U-U-S-L-U-P-L-U- I-Q-Q-Fol
	A-VIb	Ac-U-A-A-U-U-Q-U-U-U-S-L-U-P-V-U-I-Q-Q-Fol
	A-VII	Ac-U-A-A-U- J-Q-U-U-U-S-L-U-P-V-U- I-Q-Q-Fol
	B-IIa	Ac-U-A-A-U-U-Q-U-U-U-S-L-U-P-L-U-I-Q-E-Wo
	B-IIIc	Ac-U-A-A-U-U-Q-U-U-U-S-L-U-P-V-U-I-Q-E-Wol
	B-IVb	Ac-U-A-A-U- J-Q-U-U-U-S-L-U-P-V-U- I-Q-E-Wo
	B-Vb	Ac-U-A-A-U-U-Q-U-U-U-S-L-U-P-L-U-I-Q-E-Fol
	B-VIa	Ac-U-A-A-U- J-Q-U-U-U-S-L-U-P-L-U- I-Q-E-Fol
	B-VIb	Ac-U-A-A-U-U-Q-U-U-U-S-L-U-P-V-U-I-Q-E-Fol
	B-VII	Ac-U-A-A-U- J-Q-U-U-U-S-L-U-P-V-U- I-Q-E-Fol
Tricholongin ¹⁷⁾	B-I	Ac-U-G-F-U-U-Q-U-U-U-S-L-U-P-V-U-U-Q-Q-Lol
(Trichoderma longibrachiatum)	B-II	Ac-U-G-E-U-U-O-U-U-U-S-L-U-P-V-U- I-O-O-Lol

Table 1 (continued)

Table 1. (continued)

Trikoningin ¹⁸⁾	KA V	Ac-U-G	-A-U-I-Q-U-U-U-S-L-U-P-V-U-I-Q-Q-Lol
(Trichoderma koningit)		1	UAROUNDOL UNVERSO PA
Trichokonin ^{**}	V	AC-U-A-	·U-A-U-Q-U-V-U-G-L-U- <i>K</i> -V-U-U-Q-Q-K0I
(Irichoderma koningii)			
Chrysospermin ¹⁹⁾	A	Ac-F-U-	S-U-U-L-Q-G-U-U-A-A-U-P-U-U-U-Q-Wol
(Apiocrea chrysosperma)	В	Ac-F-U-	S-U-U-L-Q-G-U-U-A-A-U-P- J-U-U-Q-Wol
	С	Ac-F-U-	S-U-J-L-Q-G-U-U-A-A-U-P-U-U-U-Q-Wol
	D	Ac-F-U-	S-U- J-L-Q-G-U-U-A-A-U-P- J-U-U-Q-Wol
18 residue analogues			
Trichotoxin ²⁰⁾	A-50	Ac-U	-G-U-L-U-Q-U-U-U-A-A-U-P-L-U-U-Q-Vol
(Trichoderma viride)		Ac-L	-G-U-L-U-Q-U-U-A-A-A-U-P-L-U-J-Q-Vol
Contraction of the second s		Ac-L	-G-U-L-U-Q-U-U-U-A-A-U-P-L-U- J-Q-Vol
		Ac-L	-A-U-L-U-Q-U-U-U-A-A-U-P-L-U- J-Q-Vol
		Ac-L	-G-U-L-U-Q-U-U-U-A-U-U-P-L-U- J-Q-Vol
		Ac-L	-A-U-L-U-Q-U-U-U-A-U-U-P-L-U- J-Q-Vol
	A-40	Ac-L	-G-U-L-U-Q-U-U-A-A-U-U-P-L-U- J-E-Vol
		Ac-L	-G-U-L-U-Q-U-U-U-A-U-U-P-L-U-U-E-Vol
		Ac-L	I-A-U-L-U-Q-U-U-U-A-U-U-P-L-U-U-E-Vol
Trichokindin ²¹⁾	Ia	Ac-I	-S-A-U-U-O- J-L-U-A-U-U-P-L-U-U-O- Iol
(Trichoderma harzianum)	Ib	Ac-L	-S-A-U- J-O-U-L-U-A-U-U-P-L-U-U-O- Iol
	Па	Ac-L	-S-A-U-U-O-U-L-U-A- J-U-P-L-U-U-O- Iol
	ПЬ	Ac-L	-S-A-U- J-Q- J-L-U-A-U-U-P-L-U-U-Q-Lol
	Ша	Ac-L	J-S-A-U-U-Q- J-L-U-A- J-U-P-L-U-U-Q-Lol
	IIIb	Ac-L	-S-A-U-J-Q-U-L-U-A-J-U-P-L-U-U-Q-Lol
	IV	Ac-L	I-S-A-U-J-Q-J-L-U-A-U-U-P-L-U-U-Q-Iol
	Va	Ac-U	J-S-A-U-U-Q- J-L-U-A- J-U-P-L-U-U-Q- Iol
	Vb	Ac-L	J-S-A-U-J-Q-U-L-U-A-J-U-P-L-U-U-Q-Iol
	VI	Ac-L	J-S-A-U- J-Q- J-L-U-A- J-U-P-L-U-U-Q-Lol
	VII	Ac-L	J-S-A-U-J-Q-J-L-U-A-J-U-P-L-U-U-Q-Iol
16 residue analogues			
Zervamicin ²²⁾		IA	Ac-W- I-E- J-V-T-U-L-U-O-Q-U-O-U-P-Fol
(Emericellopsis salmosynnemata)	IB	Ac-W-V-E- J- I-T-U-L-U-O-Q-U-O-U-P-Fol
		IB'	Ac-W- I-E-U- I-T-U-L-U-O-Q-U-O-U-P-Fol
		IC	Ac-W- I-E- J- I-T-U-L-U-O-Q-U-O-U-P-Fol
		IIA	Ac-W- I-Q-U- I-T-U-L-U-O-Q-U-O-U-P-Fol
		IIB	Ac-W- I-Q- J- I-T-U-L-U-O-Q-U-O-U-P-Fol
		П-1	Ac-W- I-Q-U-V-T-U-L-U-O-Q-U-O-U-P-Fol
		II-2	Ac-W- I-Q-U- I-T-U-V-U-O-Q-U-O-U-P-Fol
		II-3	Ac-W-V-Q-U-I-T-U-L-U-O-Q-U-O-U-P-Fol
		П-4	Ac-W-I-Q-J-V-T-U-L-U-O-Q-U-O-U-P-Fol
		II-5	Ac-W- I-Q- J-V-T-U- I-U-O-Q-U-O-U-P-Fol
Antiamoebin ²³⁾		1	Ac-F-U-U-U-J-G-L-U-U-O-Q-J-O-U-P-Fol
(Emericellonis poonensis E syn	nematicola)	П	Ac-F-U-U-U-J-G-L-U-U-P-O-J-P-U-P-Fol

Table 1. (continued)		
15 residue analogues		
Emerimicin ²⁴⁾	ш	Ac-F-U-U-U-V-G-L-U-U-0-0- J-0-A-Fol
(Emericellopsis microspora)	IV	Ac-F-U-U-U-V-G-L-U-U-Q-Q-J-O-U-Fol
14 residue analogues		
Harrianin25)	T	ACTINITESVILLUTI
(Trichodorma harrianum)	III	ACTUNITUP SVILP II UP IN
(Inchoderma narzianum)	III VI	ACUNIUP AVIPULUUPIO
	VIII	ACTEN LUP A VILP LUP LO
	VIII IV	ACTINITIE A THE THEFT
	IA V	ACUOLUPAVUP UPUPU
	A VI	ACUNIUPS INPULUPIO
	VII	ACUNTURS INP ILIPIO
	VIII	Action UDS IND IL UDIA
	XIII	AC-U-Q-L-U-F-S-I-U-F-J-L-U-F-LOI
	XIV	ACTOLUDA INDA IND INDIA
	AV	AC-0-Q-L-0-F-A-1-0-F- J-L-0-F-L01
11 residue analogues		
Trichorozin ²⁶⁾	I	Ac-U-N- I-L-U-P- I-L-U-P-Vol
(Trichoderma harzianum)	П	Ac-U-O- I-L-U-P- I-L-U-P-Vol
	Ш	Ac-U-N- I-L-U-P- I-L-U-P-Lol
	IV	Ac-U-Q- I-L-U-P- I-L-U-P-Lol
Trichorovin ²⁷⁾	Ia	Ac-U-N-V-X-U-P-X-X-U-P-Vol
(Trichoderma viride)	Ib	Ac-U-N-V-V-U-P-X-X-U-P-Xol
(considering (constraint)	Па	Ac-U-N-V-V-U-P-X-X-U-P-Xol
	IIb	Ac-U-N-X-V-U-P-X-X-U-P-Vol
	Ша	Ac-U-O-V-V-U-P-X-X-U-P-Xol
	IIIb	Ac-U-Q-V-X-U-P-X-X-U-P-Vol
	IVa	Ac-U-Q-V-V-U-P-X-X-U-P-Xol
	IVb	Ac-U-Q-X-V-U-P-X-X-U-P-Vol
	IVc	Ac-U-N-V-X-U-P-X-X-U-P-Xol
	Va	Ac-U-N-V-X-U-P-X-X-U-P-Xol
	Vb	Ac-U-N-X-X-U-P-X-X-U-P-Vol
	VIa	Ac-U-N-V-X-U-P-X-U-P-Xol
	VIb	Ac-U-N-X-X-U-P-X-X-U-P-Vol
	VIIa	Ac-U-N-X-V-U-P-X-X-U-P-Xol
	VIIb	Ac-U-Q-V-X-U-P-X-X-U-P-Vol
	VIII	Ac-U-Q-V-X-U-P-X-U-P-Xol
	IXa	Ac-U-Q-V-X-U-P-X-U-P-Xol
	IXb	Ac-U-Q-X-X-U-P-X-X-U-P-Vol
	Xa	Ac-U-Q-X-V-U-P-X-X-U-P-Xol
	Xb	Ac-U-N-X-X-U-P-X-U-P-Xol
	XI	Ac-U-N-X-X-U-P-X-U-P-Xol
	XIIa	Ac-U-N-I-I-U-P-L-L-U-P-Iol
	XIIb	Ac-U-N-X-X-U-P-X-X-U-P-Lol
	XIII	Ac-U-Q-X-X-U-P-X-X-U-P-Xol
	XIV	Ac-U-Q-X-X-U-P-X-X-U-P-Xol

Table 1	I . ((continued)	
---------	--------------	-------------	--

and the second second second second second second		
Trichogin ²⁸⁾	A-IV	Oc-U-G-L-U-G-G-L-U-G-I-Lol
(Trichoderma longibrachiatum)		
Trikoningin ¹⁸⁾	KB I	Oc-U-G-V-U-G-G-V-U-G-I-Lol
(Trichoderma koningii)	KB II	Oc- J-G-V-U-G-G-V-U-G-I-Lol

Others

Trichopolyn²⁹ (*Trichoderma polysporum*)

I	R1-P-R3-A	-U-U-	I-A-U-U-R4
---	-----------	-------	------------

- II R1-P-R3-A-U-U-V-A-U-U-R4
- III R1-P-R3-A-U-U-I-A-U-A-R4
- IV R1-P-R3-A-U-U-V-A-U-A-R4
- V R2-P-R3-A-U-U-V-A-U-A-R4





 $R_4 = -NHCH(CH_3)CH_2N(CH_3)CH_2CH_2OH$

Leucinostatin³⁰ (Paecilomyces lilacinus)

- A R5-(γ Me)P-R3-(β OH)L-U-L-L-U-U- β A-R6
- B R5-(γ Me)P-R3-(β OH)L-U-L-L-U-U- β A-R6

 $R_6 = -NHCH(CH_3)CH_2N(CH_3)_2$

Efrapeptin³¹⁾ (*Tolypocladium niveum*)

- D Ac-Pip-U-Pip-U-U-L- β A-G-U-U-Pip-U-G-L-J-R7
- F Ac-Pip-U-Pip-U-L-βA-G-U-U-Pip-U-A-L-J-R7

Aibellin³²⁾ (Verticimonosporium ellipticum) Ac-U-A-U-A-U-A-Q-U-F-U-G-U-U-P-V-U-U-E-Q-R8

 $R_{8} = -NHCHCH_{2}NH(CH_{2})_{2}OH$

Table]	L. (con	<i>itinued</i>)

MS-681³³ (Myrothecium sp.)

1		1 .
	a	Ac-F-U-U-A-J-G-W-J-R9
	b	Ac-F-U-U-A-J-G-F- J-R9
	с	Ac-F-J-U-A- J-G-W-J-R9
	d	Ac-F-J-U-A- J-G-F- J-R9
		CH2-C6H5
	R ₉ =	-NHCHRCH ₂ NH(CH ₂) ₃ NH(CH ₂) ₄ NH ₂

The fungus which produces each peptaibol is indicated in the parenthesis. Sequences are indicated using the one letter code of amino acids, with the following additions: J = D-isovaline; O = hydroxyproline; Pip = pipecolic acid; <math>U = a -amino-isobutyric acid; X = leucine or isoleucine; Z = valine or isovaline. C-terminal amino alcohols, phenylalaninol, isoleucinol, leucinol, valinol, and tryptophanol are indicated by Fol, Iol, Lol, Vol and Wol, respectively. Xol represents leucinol or isoleucinol, not determined. Polar residues (E, N, Q, and S) are indicated by bold type. Proline (*P*) and hydroxyproline (*O*) are indicated by bold-italic type.

第2節 ペプタイボールの二次構造

ペプチドの主鎖のコンフォメーションはFig. 1.に示したNi- α Ciと α Ci-C'i軸の回転角(二面角) ϕ , ψ で決定される。Aib残基は二つの β メチル基と隣接残基の元素との間の立体障害が大きいため、 β 位の炭素を一つしか持たない通常のアミノ酸(Fig. 1にはAlaのモデルを示した。Aibの場合は図の α Ciに結合したHがCH3に置換された形になる。)と比べて、二面角 ϕ , ϕ の自由度が小さくなる。原子間



Fig. 1. Dihedral Angles of Polypeptide (IUPAC-IUB Commition of Biochemical Nomenclature, 1970)⁷)

エネルギー計算からAib残基の二面角はヘリックス構造を取りやすい角度[(φ, ψ)=

±(57°, 47°)]に限定されることが、示されている³⁴⁾。したがって、Aibを高率に含む ペプタイボールはヘリックス構造をとりやすいと考えられる。実際にAibを高率に 含む合成ペプチドはα-ヘリックス構造や310-ヘリックス構造をとることがX線結晶 解析により明らかにされている³⁵⁾。

Foxら(1982年)³⁰はalamethicinのX線結晶解析の結果から、alamethicinは主に α -ヘ リックス構造をとり、14位Pro付近にヘリックスの折れ曲がり構造をもつことを明 らかにした。この折れ曲がり構造はLeu¹²COとVal¹⁵NH間の1←4水素結合により安 定化されていることが示された(Fig. 2a)。14位ProよりC-末端側には α -ヘリックス 構造と310-ヘリックス構造で形成される3通りの構造が示された。さらに、このPro の影響で、alamethicinには水素結合を介さないAib¹⁰CO, Gly¹¹CO (Fig. 2a)が存在する。 これらのCOと極性のGln残基はともにヘリックスの折れ曲がりの凸面に位置し、凹 面には疎水性の残基が位置することにより弱い両親媒性のヘリックス構造を形成す ると考えられている(Fig. 3a)。

Espositoら(1987年)³⁷⁾はalamethicinについて詳細な¹H-NMR研究を行い、alamethicinのMeOH溶液中での構造がFoxらが示した結晶構造と基本的に同じであることを 示した。飯田ら(1993年)³⁸⁾は¹H-NMRを用いてtrichosporin-B-VのMeOH中での構造 を解析し、trichosporin-B-Vもalamethicinと同様の二次構造をとることを示した。

(a) alamethicin or trichosporin-B-V



Fig. 2. Hydrogen Bond Schemes Around Pro^{1 4} **supposed for Alamethicin, Trichosporin,(a) and Satunisporin (b).** Pro kinked structure was stabilized by 1⁴–4 hydrogen bonds. Alamethicin and trichosporin-B-VIa has single 1⁴–4 bond between Leu¹²CO and Val¹⁵NH. Satunisporin has double 1⁴–4 bonds between Leu¹²CO and Val¹⁵NH and between Aib¹⁸CO and Aib¹⁶NH. Since CO of Aib¹⁰ and Gly¹¹ is not participate in the H-bonding, these COs can be regarded as polar groups.

1993年、Rebuffat³⁹⁾らにより、同様の実験がsaturnisporin II, IVについて行われ、 その結果、このペプチドはalamethicinやtrichosporin-B-Vとは異なり、Pro¹⁴付近の折 れ曲がり構造が、Aib¹²CO-Val¹⁵NHとAib¹³CO-Val¹⁵NHの2つの1←4水素結合により安定化されていることが示されている(Fig. 2b)。19残基のtrichorzianineや16残基のzervamicineの誘導体についてもX線結晶解析が行われ、trichorzianinはalamethicinと同様の構造を取り⁴⁰、zervamicineの誘導体はProよりN-末端側は α -ヘリックス構造、C-末端側は β -bend ribbon構造をとることが示されている⁴¹。



Fig. 3. Kinked Helical Structure of Alamethicin Molecule (a) and a Bundle of the Helices (b). Alamethicin has a helical structure with a kink around Pro¹⁴. Polar side chain of Gln and CO of Aib¹⁰ and Gly¹¹ are lying one side of the helix. A bundle of the helices, which is the most probable form of alamethicin ion-channel, was stabilized by polar interaction between water and these polar side chains.

脂質中におけるペプタイボールの構造解析の試みが幾つかなされている。 Schwarzら(1983年)⁴²はalamethicinのCDスペクトルをdioxane / octanol系の溶媒で 測定した場合、octanolの割合を増加させると α -ヘリックス含量が増加することを 示した。Franklinら(1994年)⁴³はsodium dodecyl sulfate (SDS)ミセル中における alamethicinの構造を解析し、その結果、分子の12位LeuよりN-末端側は規則的な α -ヘリックス構造であるが、C-末端側はより不規則な構造であることが示されている。

第3節 ペプタイボールのイオンチャンネル形成特性

1968年にMuellerとRudinが初めて、脂質二分子膜にalamethicinを作用させると電 圧依存性の電流を誘導することを見出した⁴⁴⁾。それ以来alamethicinやその他のペプ タイボールの電気的な特性について多くの研究がなされてきた⁴⁵⁾。これらの研究か ら、ペプタイボールが誘導する巨視的な膜電流はペプタイボールの濃度の累乗根に 比例することが示された。この結果は、ペプタイボールが形成するチャンネルがペ プタイボール分子の複合体であることを強く示唆するものであった。さらに、ペプ タイボールが形成する単チャンネル電流の解析によりこのチャンネルはペプタイボール分子のhelix bundle型の複合体であり(Fig. 3b)、分子の取り込みと、脱離により チャンネル孔の直径が変化すると考えられている(Fig. 4)⁴⁶⁾。



Fig. 4. Helix-Bundle Model of Peptaibol Ion-Channels. Channel diameter was changed by uptake and release of peptaibol monomer.

第4節 ペプタイボールのチャンネル形成におけるPro残基の役割

第2節で述べたようにヘリックス中のProはヘリックスに折れ曲がり構造を形成す る。このこのような折れ曲がりをもつヘリックスが平行(N-末端とC-末端が同じ 向き)に集まり、bundleを形成するとチャンネル孔がろう斗状の形になる(Fig. 3b)。 また、Proは水素結合に関与できるアミドプロトンを持たないため、Proの3ないし4 残基N-末端側に水素結合を介さないカルボニル酸素を出現させる(Fig. 2a)。このカ ルボニル酸素はヘリックス上における極性領域としての働きをもつ。この極性領域 はチャンネル孔の内側面に位置するため、孔内の水との親水性相互作用によるチャ ンネルbundleの安定化に寄与すると考えられる(Fig. 3b)。このようにProはチャンネ ル構造を規定するとともに、チャンネルの安定化にも関与すると考えられている。 さらにこのProがチャンネル形成の電圧依存性発現に重要な役割を果たしていると 言う考えがあるのでそれらについて以下に概説する。

FoxやRichardsらはalamethicinのX線構造解析の結果をもとに、脂質二分子膜中に おいてalamethicinのC-末端が、電圧の付加により、ランダムな構造からヘリックス 構造へ変化する可能性があると考えた。そして、このPro残基の影響による構造変 化がチャンネルの電圧依存性発現の原因ではないかと推測している³⁶⁾。また、最 近、分子動力学計算の結果(alamethicin, melittin, bacteriorhodopsinに関する研究) から、この折れ曲がりの角度にかなりの幅があることが示された⁴⁷⁾。 alamethicinに ついては、分子と電界との相互作用によるこの角度の変化と、alamethicinチャンネ ルの電圧依存性発現の機構との関連が示唆されている⁴⁸⁾。 一般にPro残基はペプチドやタンパク中のヘリックス構成単位になりにくい49)。 それにもかかわらず、Proは生体膜タンパク(チャンネルや受容体)の膜貫通ヘリ ックス部位と予想されるフラグメントに、高い割合で存在することが知られている 50)。さらに、蜂毒の主成分で膜貫通チャンネル形成ペプチドとしてしられる melittin ^{4a)}, pardaxin^{4e)} やcecropin^{4f)} にもProが含まれる。このような事実からも、ペ プタイボールを含む膜貫通ペプチドの構造と機能にProが果たす役割は大きいと考 えられる。

第5節 ペプタイボールの残基数とチャンネル形成活性

ペプタイボールによる膜電流特性を最もよく説明しているチャンネルモデルとし てhelix bundle modelが提唱されていることはすでに述べた (Fig. 3 and 4)46)。このチ ャンネルをイオンが通過するためには、チャンネルを構成するペプチド分子が膜を 貫通できる長さ以上でなければならない。20残基のペプチドがα-ヘリックス構造 をとると、分子の長さがちょうど3 nmになる。脂質二分子膜の疎水性部位の厚さは 約3nmなので、ヘリックス状のペプチドは20残基以上であれば膜を貫通できること になる。したがって、20残基のペプタイボールは主にヘリックス構造をとるので、 膜を貫通するために丁度よい長さであるということになる。しかしながら、ペプタ イボール類の中には19残基以下のもの、例えば、trichorzianine (19残基)¹⁶⁾、 trichotoxin (18残基)²⁰⁾、zervamicin (16残基)²²⁾ (Table 1)などがあり、これらも 脂質二分子膜に対してイオンチャンネルを形成する。また、ペプタイボール類以外 にも残基数19以下のチャンネル形成ペプチド51)が報告されている。しかし、これら のペプチドの詳細なイオン透過機構は報告されていない。また、もしも21残基以上 のペプタイボールが存在するならば、それは膜を貫通できるので20残基の者と同様 にイオン透過性をもつはずである。しかしながら、現在のところ21残基以上の天然 のペプタイボール類は発見されていない。何故、菌類は膜を貫通できないはずの19 残基以下のペプタイボールは生産するのに21残基以上のペプタイボールを生産しな いのか興味が持たれる。

第6節 ペプタイボールの合成誘導体

Hallらはalamethicinの合成中間体を膜に作用させて、巨視的な電流ー電圧特性を 調べている⁵²⁾。その結果、電圧に対する電流の対称性が誘導体の電荷の位置で変

化することを明らかにしている。MolleらはalamethicinのAibを全てLeuに置換した誘 導体を合成し、この誘導体がalamethicinと同様に脂質2分子膜に対しイオンチャン ネルを形成することを示した⁵³⁾。彼らは同様に21残基の誘導体⁵⁴⁾、C-末端がアミ ドの誘導体⁵⁵⁾、2位、14位のProをそれぞれAlaに置換した誘導体⁵⁶⁾を合成しこれら のチャンネル形成特性を調べている。

第7節 ペプタイボールの生物活性

(1) 溶血作用: Irmscherら(1977年)は alamethicin, suzukacillin そして trichotoxin がい ずれもヒト赤血球に対し溶血活性を有することを明らかにしている⁵⁷⁾。この活性は ペプチド濃度に依存して増加する。

(2) ATPaseの活性化作用: Jonesら(1980年)はalamethicinが膜結合酵素であるCa²⁺およびNa⁺/K⁺-ATPaseを活性化することを報告している^{58a)}。そしてこの作用を利用して心筋繊維のNa⁺/K⁺-ATPaseとadenylate cyclaseの酵素活性の測定法を確立している。
 Ritovら(1993年)^{58b)}やSethiら(1993年)^{58c)}はこの測定法を種々の組織のCa²⁺-ATPaseの酵素活性の測定に応用している。

(3)脱共役作用:Takaishiらはhypelcinをラット肝ミトコンドリアに作用させると、 第4ステイトの呼吸を刺激し、酸化的リン酸化の脱共役作用を示すことを明らかに している^{59a)}。Mathewらはalamethicinとその誘導体の脱共役活性を調べており、活性 発現には13残基以上の長さが必要であること、カルボン酸をもつ誘導体よりもカル ボン酸をエステル化した誘導体のほうが活性が強いこと等を明らかにしている^{59b)}。

(4)カテコールアミンの分泌促進作用: Altalejo (1990年)らは灌流牛副腎随質に alamethicinを与えるとカテコールアミンの分泌が促進されることを報告している⁶⁰⁾。 同時期にTachikawaと著者ら(1991年)は培養した牛副腎随質細胞に対するtrichosporin-B-IIIのカテコールアミン分泌作用についての詳細な研究を報告した⁶¹⁾(第6章参照)。

(5) Ca²⁺チャンネルアゴニストとしての作用: Tachikawaと著者らはペプタイボー ルが副腎随質細胞のCa²⁺チャンネルアゴニストとして働く可能性を指摘した⁶¹⁾。ま た、最近、Huangらはtrichokonin VIが心筋のCa²⁺チャンネルアゴニストとして作用 することを報告している⁶²⁾。

(6) 抗植物病原体作用: T. harzianumが生産するペプタイボールは同じく同菌が生産する chitinase等の加水分解酵素と相乗作用し、真菌性の植物病原体の胞子の発芽や菌糸の伸長を抑制することが報告されている⁶³⁾。

(1)から(4)の活性はペプタイボールが生体膜のイオン透過性を亢進させることが 直接の原因と考えられる。しかしながら、(5)と(6)のように、ペプタイボールの細 胞に対する作用については単に細胞膜へのチャンネル形成だけでは説明されない部 分もあり今後、ペプタイボールの新たな生体作用メカニズムの解明が期待される。

第3章 Trichosporin-B-VIa, -VIbとその誘導体の合成

第1節 Trichosporin-B-VIa とTrichosporin-B-VIbの合成

3-1-1 目的と概略

生物活性試験や物理化学的実験を行うために、純粋なTS-B類を天然から必要十 分量得ることは非常に困難である。そこで、これらの実験に供する目的と同時に構 造確認のために、すでに構造決定されている11種のTS-B類中、牛副腎髄質細胞に 対するカテコールアミン分泌活性が強い⁶⁴⁾ TS-B-VIaとTS-B-VIbの合成を試みた。

合成は飯田らによる方法に準じた⁶⁵⁾。すなわち、Fig.2に示すように、TS-B-VIa とTS-B-VIbを5つのフラグメント[1]~[5]に分けて合成し、これらのフラグメント を順次縮合した。この方法には以下の特徴がある。

- 1.フラグメント [2]~[5]のC-末端はアルカリ加水分解およびC-末端活性化による ラセミ化を防ぐために、α-プロトンを持たないAibを配置させた。
- 2. TS-B-VIaとTS-B-VIbは3位と17位の残基のみ異なっている(Fig.2)。従って、3位 と17位を含まないフラグメント[1], [3], [4]は両ペプチドに共通に用いることがで きる。

3. これらのフラグメントは後節に述べる誘導体合成にも用いることができる。

3-1-2 Trichosporin-B-VIaの合成

TS-B-VIaの合成フラグメント[1]~[5]はFig.5に示すルートに従って合成した。縮 合は原則としてDCC-HOBt法⁶⁶⁾を用いた。ただし、以下に各フラグメント合成あ るいはフラグメント縮合における問題とその解決について述べる。フラグメント[1] の合成にDCC-HOBt法を用いると、反応成績体からのDCUとHOBtの除去が困難 であり目的物の精製が十分に行えなかった。そこで、フラグメント[1]におけるN-保護 Glnの縮合には活性エステル法(HOSu)法⁶⁷⁾を用いた。この場合、生成物を 5%NaHCO₃に懸濁し濾過することでほぼ完全にHOSuを除くことができた。目的 物は再結晶により、精製した。アミノ酸のN-末端保護基には原則として、Z基を 用いた。しかし、フラグメント[1]のZ保護体は溶剤への溶解性が低いため、接触 還元によるZ基の脱保護が困難であった。また、Z保護体の30%HBr-CH3COOH 処理による脱保護を試みたところ、副生成物としてC-末端アミノアルコールのアセ チル体を生じた。そこでフラグメント[1]の合成ではN-末端保護基として、Boc基を

用いた。Boc基はアニソール存在下TFA処理により容易に除去することができた。



Ac-Aib-Ala-Aib-Ala-Aib-Aib-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Pro-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol TS-B-VIb:

Ac-Aib-Ala-Ala-Aib-Aib-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Pro-Val-Aib-Iva-Gln-Gln-Pheol [Aib¹⁴]TS-B-VIa:

Ac-Aib-Ala-Aib-Ala-Aib-Aib-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Aib-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol

Fig. 5. Synthetic Route to TS-B-VIa, TS-B-VIb and [Aib14]TS-B-VIa.

[2'] and [5'] are the fragments for TS-B-VIb. [2"] is a fragment for $[Aib^{14}]TS$ -B-VIa.

7位から13位に対応するフラグメントのメチルエステル体のアルカリ加水分解は 副反応が伴うことが知られている⁶⁵⁾。そこで、フラグメント[3]のC-末端保護基は メチルエステルから、穏和な条件下、還元的に脱保護できるphenacyl (Pac) エステ ルへ変換した (Fig. 6)。

以上の方法により合成したフラグメント[1]~[5]をFig. 2に示すルートに従って順 次縮合した。フラグメント縮合は全てDMF中DCC-HOBt法により行った。フラグメ ント[1]のBoc基を脱保護して得られたアミン成分とフラグメント[2]のC-末端メチル エステルのアルカリ加水分解により得られた酸成分を縮合し、14位から20位に相当 するヘプタペプチド[Z-14-20]を80%の収率で得た。[Z-14-20]は接触還元して、アミ ン成分[H-14-20]にした。[3]と[4]も同様に脱保護後、縮合し7位から13位に相当する 保護ヘプタペプチド[Z-7-13-OPac]を60%の収率で得た。[Z-7-13-OPac]のPac基を10% 酢酸中Znにより還元的に脱保護することにより、対応する酸成分[Z-7-13-OH]を得 た。[Z-7-13-OH]とアミン成分[H-14-20]を縮合させ、7位から20位に相当するテトラ デカペプチド[Z-7-20]を40%の収率で得た。最後にフラグメント[5]のアルカリ加水 分解により得られた酸成分と[Z-7-20]の接触還元により得たアミン成分とを縮合さ

せた。生成物をセファデックスLH-20と逆相HPLCにより精製し、TS-B-VIaを30%の 収率で得た。合成TS-B-VIaは逆相HPLCにおいて単一のピークを示し、その保持時 間は天然物のそれと一致した(実験の部)。合成TS-B-VIaの融点、旋光度NMR及 びCDのデータも天然物のそれと一致した(実験の部およびFig. 7a)。



Fig. 6. Synthetic Scheme for Fragments [1]-[5]. a, TFA-anisole; b, DCC-HOBt; c, H₂ / Pd-C; d, NaOHaq; e, phenacyl bromide.



Fig. 7. Parts of ¹H-NMR Spectra Compared between Synthetic and Natural products for TS-B-VIa (a) and TS-B-VIb (b) with Their Melting Points.

3-1-3 Trichosporin-B-VIbの合成

TS-B-VIbもTS-B-VIaの合成と同様の方法で合成した。ただし、TS-B-VIbとTS-B-VIaは3位と17位の残基のみ異なる(TS-B-VIb:Ala³, Iva¹⁷; TS-B-VIa:Aib³, Aib¹⁷)た め、TS-B-VIaの合成フラグメント[1], [3], [4] はそのまま用い、[2],[5]に対応するフ ラグメントは新たに合成した。新たに合成したフラグメントを[2'],[5']とした(Fig. 5)。TS-B-VIbの17位に含まれるIvaはD-体であるが、D-Ivaを大量に入手すること が困難であるため、松浦らのhypelcin-A-IIIの合成と同様に、本合成においても Streckerの方法により合成したラセミ体のIvaを用いた^{8e)}。合成した [DL-Iva¹⁷]TS-B-VIbは逆相のHPLCにおいて近接した2本のピークを与えた(Fig.8a)。それぞれのピー クの成分を分取HPLCにより単離し、保持時間が短いものをFr. 1長いものをFr. 2と した。Fr. 1の保持時間は天然物のそれと一致した。(Fig.8b) しかし、Fr. 2のマスス ペクトルは分子イオンピークの質量数とフラグメントイオンのパターンはともに



Fig. 8. Separation of TS-B-VIb and [L-Iva17] TS-B-VIb from Synthetic Mixture by HPLC. (a) HPLC chromatograms compared between natural TS-B-VIb (standard) and the synthetic mixture. The retention time of Fr. 1 in the synthetic mixture is identical to that of TS-B-VIb. (b) and (c) The chromatograms of the separated fractions of the synthetic mixture. HPLC conditions: mobile phase, $CH_3CN / H_2O = 6 / 4$; column, YMC-ODS (6 mm i.d. $\times 250$ mm); flow rate, 0.8 ml / min.

TS-B-VIbのそれと区別が付かなかった。そこで、光学活性なカラムを用いたHPLC 分析により両成分のアミノ酸の絶対構造を決定した。その結果、Fr. 1が天然型の [D-Iva¹⁷]TS-B-VIbをFr. 2が非天然型の[L-Iva¹⁷]TS-B-VIbを含むことが明らかになっ た(Fig. 9)。合成TS-B-VIbの融点、旋光度、¹H-NMR及びCDのデータは天然物のそ れと一致した(実験の部およびFig. 7b)。



Fig. 9. Determination of the Absolute Configuration of Isovaline in Two Synthetic Fractions (Fr. 1 and Fr. 2) of TS-B-VIb by Chiral Phase HPLC. Analysis of synthetic DL-Iva gives two peaks (a), one of which has the same retention time as the synthetic D-Iva⁶⁷ (which contains L-Val as a synthetic mixture) (b). A mixture of DL-Iva and acid hydrolysate of Fr. 1 (c) or Fr. 2 (d) increase the intensity of D-Iva or L-Iva, respectively, indicating that Fr. 1 contains D-Iva and Fr. 2 contains L-Iva. HPLC conditions: mobile phase, hexane / (CH₂Cl)₂/ethanol = 94/5/1; column, Sumipax OA-4100 (4.6 mm i.d. ×250 mm); flow rate, 0.8 ml/min; column temperature, 35°C; detection, 254nm.

3-2-1 目的と概略

第2章で述べたように、Pro残基はペプタイボールのみならず、チャンネルタン パクやトランスポーターの膜貫通へリックスに比較的高率に存在し、へリックスに 折れ曲がり構造を形成するとともに、Pro周辺に極性の環境を形成する。このよう なProの性質は膜貫通へリックスの機能に重要な役割を果たしていると考えられる。 特に、TS-B-VIaを含め、20残基のペプタイボールは、全て14位にProを持ち(第2 章、Table 1)、このProがペプタイボールチャンネルの構造と機能にどのような役 割を果たしているか興味が持たれる。そこで、TS-B-VIaの14位Proの役割を明らか にすることを目的に、ProをAibに置換することにより、Proでの折れ曲がりをなく した誘導体、[Aib¹⁴]TS-B-VIa、を合成した。

3-2-2 [Aib¹⁴]trichosporin-B-VIaの合成

[Aib¹⁴]TS-B-VIaの合成はTS-B-VIaの合成に用いたフラグメントを用た。ただしフ ラグメント[2]のProはAibに置換したもの(フラグメント[2"])を用いた。このAib 置換フラグメント[2"]のメチルエステルのアルカリ加水分解は副生成物を与えた。 そこでこのフラグメントのC-末端保護基をFig 10 に示す合成経路に従い、phenacyl エステルに変換した。対応するテトラペプチドのC-末端保護基は収率良く脱保護さ れた。以上の方法により合成したAib置換フラグメント[2"]およびTS-B-VIaの合成 に用いたフラグメント[1],[3]~[5]をFig. 5 に示すルートに従って順次縮合した。生 成物の高分解能FABマススペクトルの分子イオンピークの質量数([M+H]⁺; 1953.152)は[Aib¹⁴]TS-B-VIaの計算値(calcd for C91H154N23O24; 1953.154)を示した。ま た、主なフラグメントイオンピークは[Aib¹⁴]TS-B-VIaのacylium ion由来のものであ り、ペプチドシークエンスに間違いがないことが確認された(Fig. 11)。







Fig. 11.

FAB-MS

Spectrum of [Aib¹⁴]TS-B-VIa



第3節 残基数が異なるtrichosporin-B-VIa誘導体の合成

3-3-1 目的と概略

第2章で述べたように、ヘリックスバンドルモデル(Fig. 12)で説明されるペプタ イボールチャンネルはその構造上、チャンネル活性を発現させるためには、膜を 貫通する長さが必要がある。第2章で述べたように、ヘリックス状のペプチドが 膜を貫通するためには20残基以上でなければならない。しかしながら、19残基以 下のチャンネル形成ペプタイボールやチャンネルペプチドが報告されている。ま た、現在までにかなり多くのペプタイボール類が発見されてきたが(Table 1)、 21残基以上のペプタイボールは未だ見出されていない。以上の事柄を考え合わせ ると、ペプタイボールがチャンネルを形成するには本当に20残基以上の長さ(残 基数)が必要なのか、21残基以上のペプタイボールはどのようなチャンネル活性 を示すのか興味が持たれる。そこで、著者は残基数とチャンネル形成能との相関 を調べるために、TS-B-VIaをN-末端から1残基ずつ減らした誘導体及び1残基ずつ Aibを縮合し、長さを延長したFig. 13に示す誘導体を合成した。



Fig. 12. Helix Bundle Model of Peptaibol Ion-Channel.

Ac-Aib-Aib-Aib-Aib-Ala-Aib-Ala-Aib-Gln-Aib-Gln-Aib-Gly-Leu-Aib-Pro-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol (+3)Ac-Aib-Aib-Ala-Aib-Ala-Aib-Aib-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Pro-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol (+2)Ac-Aib-Aib-Ala-Aib-Ala-Aib-Aib-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Pro-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol (+1) Ac-Aib-Ala-Aib-Ala-Aib-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Pro-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol TS-B-VIa (-1) Ac-Ala-Aib-Ala-Aib-Aib-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Pro-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol Ac-Aib-Ala-Aib-Aib-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Pro-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol (-2) (-3) Ac-Ala-Aib-Aib-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Pro-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol Ac-Aib-Aib-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Pro-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol (-4)

Fig. 13. Primary Structure of TS-B-VIa and Its Derivatives with Elongation and Truncation.

3-2-4 残基数が異なるTS-B-VIa誘導体の合成

TS-B-VIa合成に用いたC-末端テトラデカペプチド[H-7-20]に9残基~2残基のN-末端オリゴペプチドを縮合することにより、残基数23~16のTS-B-VIa誘導体 ([+3], [+2], [+1], [-1], [-2], [-3], および[-4])(Fig. 13)を合成した。残基数の異なるN-末端オリゴペプチドはTS-B-VIa合成に用いたフラグメント⑤の合成中間体を有効 に用いて合成した。合成された誘導体はすべて逆相のHPLCにおいて、単一のピー クを与え、その組成は高分解能FAB-MS測定により確認された。各誘導体のESI-MSMSにおける主なフラグメントイオンピークは、目的物のアシリウムイオンピー クであった(Fig. 14 に例として[-1]誘導体のESI-MSおよびMSMSスペクトルを示す、 そして、Table 2 にその他の誘導体について得られた結果を要約する)。



24

	Multiple ch	arged ions			ŀ	Acyliu	m ion	series	assig	nable	as the	amino	acid	seque	nce of	N-ter	minal	oligop	peptid	es ^{a)}
	[M+2H] ²⁺	[M+3H] ³⁺	М		+3	+2	+1	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13
[+3]	1111.1	741.5	2220	Ac 43	Aib 128	Aib 213	Aib 298	Aib 383	Ala 454	Aib 539	Ala 610	Aib 695	Aib 780	Gln 908	Aib 993	Ile 1106	Aib 1191	GIy 1248	Leu 1361	Aib 1446
[+2]	1068	712	2134		Ac 43	Aib 128	Aib 213	Aib 298	Ala 369	Aib 454	Ala 525	Aib 610	Aib 695	Gln 823	Aib 908	Ile 1021	Aib 1106	Gly 1163	Leu 1276	Aib 1361
[+1]	1025	684	2049			Ac 43	Aib 128	Aib 213	Ala 284	Aib 369	Ala 440	Aib 525	Aib 610	Gin 738	Aib 823	Ile 936	Aib 1021	Gly 1078	Leu 1191	Aib 1276
[-1]	940.9	627.7	1880					Ac 43	Ala 114	Aib 199	Ala 270	Aib 355	Aib 440	Gln 568	Aib 653	Ile 766	Aib 851	Gly 908	Leu 1021	Aib 1106
[-2]	905.4	603.8	1808						Ac 43	Aib 128	Ala 199	Aib 284	Aib 369	Gln 497	Aib 582	lle 695	Aib 780	Gly 837	Leu 950	Aib 1035
[-3]	862.6	575.4	1723							Ac 43	Ala 114	Aib 199	Aib 284	Gln 412	Aib 497	Ile 610	Aib 695	Gly 752	Leu 865	Aib 950
[-4]	827.1	551.8	1652								Ac 43	Aib 128	Aib 213	Gln 341	Aib 426	Ile 539	Aib 624	Gly 681	Leu 794	Aib 879

Table 2. Molecular Ions and Fragment Ions Observed for Added and Truncated Derivatives of TS-B-VIa.

a) These ions are product ions of N-terminal fragment ions result from a cleavage at an Aib-Pro bond in each analoges. The product ions of the C-terminal fragments (m/z 774) was observed at m/z 196, 281, 367, 495 and 622, in common for evry analogues, which are assignable as Pro-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol.



Fig. 14. ESI-MS and MS/MS of [-1] TS-B-VIa. (a) Two- and three- fold charged molecular ions were observed at m/z 940.9 and m/z 627.7 when the orifice (OR) voltage was set at 50 V. The monoisotopic mass, 1880, estimated from these ions was in agreement with that of the desired product. (b) Cluster buster fragmentation at OR=90V caused by a cleavage at Aib-Pro bond; (c) and (d), MS/MS spectra of m/z 1106.5 and 774.3 give sequence specific acylium ions.

第4章 Trichosporin-B-VIaとその誘導体の2次構造

第1節 Trichosporin-B-VIaおよび[Aib¹⁴] trichosporin-B-VIaの2次構造

4-1-1 目的と概略

TS-B-VIaおよび[Aib¹⁴] TS-B-VIaの構造と活性との相関性を明らかにするために、 これらの化合物の詳細な2次構造をCDとNMRを用いて検討した。ペプタイボール は主に脂質中で作用するので、溶媒は脂質に疑似し得るメタノールを用いた³⁷⁾。 NMRを用いたペプチドの高次構造の推定には、正確なシグナルの帰属が不可欠で ある。そこで、まず、TS-B-VIaおよびその誘導体の¹H-NMRシグナルを帰属した後 に2次構造解析をした。

4-1-1 円二色性(CD)スペクトル

TS-B-VIaと[Aib¹⁴]TS-B-VIaのMeOH中におけるCDスペクトルは全て、208と 222nm付近に極小値をもつ負のCotton効果による吸収を示した(Fig. 15)。この結果 はこれらのペプチドがMeOH中では主に右旋性のヘリックス構造をとることを示し ている。[Aib¹⁴]TS-B-VIaの楕円率はTS-B-VIaのそれに比べてかなり増大している。



Fig. 15 CD Spectra of TS-B-VIa and Its Derivatives in MeOH (25 °C)

この結果は[Aib¹⁴]TS-B-VIaのヘリックス含量がTS-B-VIaよりも大きいことを示している。それぞれのヘリックス含量を208と222nmにおける一残基当たりのモル楕円

率の値から計算すると⁶⁸⁾、TS-B-VIaが46%、[Aib¹⁴]TS-B-VIaが60%となる。

4-1-2 ¹H-NMRシグナルの帰属

TS-B-VIaと[Aib¹⁴]TS-B-VIaの¹H-NMRシグナルはDQF-COSY⁶⁹) およびNOESY⁷⁰) の2次元NMRを用いて帰属した。構成アミノ酸およびPheolのスピンシステムは DQF-COSYを用いて帰属した。しかし、Aibには α プロトンが存在しないため、 DQF-COSYによるAibのC^β-H₃プロトンシグナルの帰属は困難である。そこで、こ れらのシグナルはNOESYを用いてNHとC^β-H₃間のNOEから帰属した。分子中に複 数存在するAib, Ala, Glnの位置の特定はWagnerとWüthrichにより提出された方法⁷¹) を用いた。すなわち、隣接した残基間で観測されるdnN(i, i+1)型とdaN(i, i+1)型の NOE (前者はi番目とi+1番目の残基のNH間のNOEを、後者はi番目の α プロトンと i+1番目の残基のNH間のNOEを意味する) (Fig. 16)から、各 α プロトンとNHシグナ ルについて連続帰属を行った。



Fig. 16. Inter Residue H-H Connectivities of NOE in a Peptide Fragment.

Fig. 17にTS-B-VIa、そしてFig. 18 に[Aib¹⁴]TS-B-VIaのNOESYスペクトルの一部 を示す。両図中、低磁場に認められるAibNHシグナルの一つは、アセチル基の C^β-H₃とクロスピークを示した。よって、このシグナルはAib¹NHであると帰属さ れる。Fig. 17に示すように、TS-B-VIaのNH-NH領域には、隣接したアミノ酸残基 間のNH-NHクロスピークが、Aib¹~Aib³、Ala⁴~Aib⁵、Aib⁶~Aib¹³、およびGln¹⁸ ~Pheol²⁰の間で連続して観測された。Fig. 18に示すように、[Aib¹⁴]TS-B-VIaについ ては、Aib¹~Aib³、Ala⁴~Aib⁵、Aib⁶~Leu¹²、Aib¹³~Aib¹⁷、およびGln¹⁸~Pheol²⁰ の間で連続して観測された。[Aib¹⁴]TS-B-VIaについてはすべてのNHシグナルを連 続帰属することができた。一方、TS-B-VIaのVal¹⁵~Gln¹⁸の間には連続したNH-NH クロスピークが認められなかったために、 δ H, 7.602と7.829のNHシグナルを Aib¹⁶NHかAib¹⁷NHのシグナルとして区別することができなかった。しかし、 δ H= 7.829のNHシグナルをもつ Aib のC^β-H₃とGln¹⁸NHとの間にクロスピークを示した ことから、このNH(δ H=7.829)を17位に、もう一方(δ H=7.602)を16位と帰属する ことができた。以上のようにして、DQF-COSYとNOESYを用いて帰属したTS-B-VIaおよび[Aib¹⁴]TS-B-VIaのプロトンの化学シフト値ならびに結合定数をそれぞれ Table 3とTable 4に示す。







Fig. 18. Parts of the 600 MHz NOESY Spectra of $[Aib^{14}]TS$ -B-VIa at 20 °C in CD₃OH (20 mM). Sequential NH-NH and acetyl C α H-NH cross-peaks $[d_{NN}$ (i, i+1) and $d_{\alpha N}$ (i, i+1)] are shown. The NH proton which has a cross peak with the acetyl C $^{\beta}$ H₃ proton was assigned as the Aib¹ NH proton. The other NH protons were assigned from the NH-NH connectivities $[d_{NN}$ (i, i+1)] extended from the Aib¹ NH proton.

Table 3. Proton Chemical Shifts and Coupling Constant Values of TS-B-VIa in CD3OH at 20 °C (20 mM)

Trichospo	orin B-VIa	
Residue	NH ^{a)}	Others ^a)
Ac		$\alpha = 2.020 \text{ s}$
Aib ¹	8.461 s	
Ala ²	8.302 d (4.1)	$\alpha = 4.01 \text{ m}, \beta = 1.425 \text{ d} (7.3)$
Aib ³	7.629 s	$\beta = 1.524s$
Ala ⁴	7.624 d (5.7)	$\alpha = 4.061 \text{ dq} (5.7, 7.1), \beta = 1.463 \text{ d} (7.1)$
Aib ⁵	8.013 s	$\beta = 1.535 \text{ s}, 1.462 \text{ s}$
Aib ⁶	7.991 s	$\beta = 1.571 \text{ s}, 1.520 \text{ s}$
Gln ⁷	7.812 d (5.5)	$\alpha = 3.87 \text{ m}, \beta = 2.26 \text{ m}, 2.16 \text{ m},$
		$\gamma = 2.562 \text{ ddd} (5.6, 9.3, 15.2), 2.40 \text{ m}$
Aib ⁸	8.192 s	$\beta = 1.585 \text{ s}, 1.52 \text{ s}$
Ile ⁹	7.556 d (6.0)	$\alpha = 3.71 \text{ m}, \beta = 2.08 \text{ m}, \gamma = 1.75 \text{ m}, 1.35 \text{ m},$
		$\gamma^2 = 0.959 \text{ d} (7.2), \delta = 0.870 \text{ t} (7.3)$
Aib ¹⁰	8.254 s	$\beta = 1.550 \text{ s}$
Gly ¹¹	8.412 dd (5.0, 6.5)	$\alpha = 3.934 \text{ dd} (5.0, 16.5), 3.675 \text{ dd} (6.5, 16.5)$
Leu ¹²	8.070 d (7.7)	$\alpha = 4.45 \text{ m}, \beta = 1.95 \text{ m}, 1.60 \text{ m}, \gamma = 1.95 \text{ m}$
		$\delta = 0.959 \text{ d} (6.7), 0.918 \text{ d} (6.5)$
Aib ¹³	8.397 s	$\beta = 1.620 \text{ s}, 1.545 \text{ s}$
Pro ¹⁴		$\alpha = 4.388 \text{ dd} (6.3, 8.7), \beta = 2.32 \text{ m}, 1.81 \text{ m},$
		$\gamma = 2.07 \text{ m}, 1.97 \text{ m}, \delta = 3.88 \text{ m}, 3.76 \text{ m}$
Val ¹⁵	7.631 d (8.2)	$\alpha = 3.73 \text{ m}, \beta = 2.33 \text{ m}, \gamma = 1.978 \text{ d} (6.8),$ 1.071 d (6.5)
Aib ¹⁶	7.602 s	$\beta = 1.545 \text{ s}$
Aib ¹⁷	7.829 s	$\beta = 1.535 \text{ s}$
Gln ¹⁸	7.802 d (6.2)	$\alpha = 4.00 \text{ m}, \beta = 2.24 \text{ m},$
		$\gamma = 2.62 \text{ ddd} (6.4, 8.8, 15.2), 2.44 \text{ m}$
Gln ¹⁹	7.890 d (7.4)	$\alpha = 4.16 \text{ m}, \beta = 2.03 \text{ m}, \gamma = 2.31 \text{ m}, 2.19 \text{ m}$
Pheol ²⁰	7.331 d (9.2)	$\alpha = 4.14 \text{ m}, \beta = 2.939 \text{ dd} (5.5, 13.7),$
		2.729 dd (8.9, 13.7), β^2 =3.617 d (5.1)

a) Chemical shifts (ppm) were measured either from the one-dimensional spectra ($\Delta \delta = \pm 0.001$ ppm) or from the two-dimensional spectra ($\Delta \delta = \pm 0.01$ ppm). Coupling constant values (Hz) in parentheses were measured from the one-dimensional

spectra.

Table 4. Proton Chemical Shifts and Coupling Constant Values of [Aib14]TS-B-VIa in CD3OH

at 20 °C (20 mM)

Residue	NH ^{a)}	Others ^{a)}
Ac		$\alpha = 2.026 \text{ s}$
Aib ¹	8.460 s	$\beta = 1.47 \text{ s}$
Ala ²	8.321 d (4.2)	$\alpha = 4.01 \text{ m}, \beta = 1.430 \text{ d} (7.3)$
Aib ³	7.646s	$\beta = 1.526 \text{ s}$
Ala ⁴	7.652 d (5.7)	$\alpha = 4.04 \text{ m}, \beta = 1.463 \text{ d} (7.5)$
Aib ⁵	8.030 s	$\beta = 1.546 \text{ s}$
Aib ⁶	8.018 s	$\beta = 1.58 \text{ s}, 1.511 \text{ s}$
Gln ⁷	7.802 d (4.7)	$\alpha = 3.88$ m, $\beta = 2.25$ m, 2.15 m,
		γ=2.576 ddd (5.5, 9.4, 15.1), 2.381 ddd (6.6, 9.2, 15.1)
Aib ⁸	8.229 s	$\beta = 1.605 \text{ s}, 1.546 \text{ s}$
Ile ⁹	7.604 d (5.5)	$\alpha = 3.677 \text{ dd} (5.5, 10.6), \beta = 2.13 \text{ m}, \gamma = 1.76 \text{ m}, 1.38 \text{ m},$
		$\gamma^2 = 0.967 \text{ d} (6.8), \delta = 0.869 \text{ t} (7.4)$
Aib ¹⁰	8.254 s	$\beta = 1.58 \text{ s}, 1.533 \text{ s}$
Gly ¹¹	8.546 dd (4.5, 6.6)	$\alpha = 3.801$ dd (4.5, 15.7), 3.691 dd (6.6, 15.7)
Leu ¹²	8.247 d (5.6)	$\alpha = 4.06 \text{ m}, \beta = 1.91 \text{ m}, 1.66 \text{ m}, \gamma = 1.89 \text{ m}$
		$\delta = 0.952 \text{ d} (6.1), 0.942 \text{ d} (5.7)$
Aib ¹³	8.211 s	$\beta = 1.58s, 1.494s$
Aib ¹⁴	7.679 s	$\beta = 1.633 \text{ s}$
Val ¹⁵	7.878 d (5.1)	$\alpha = 3.615 \text{ dd} (5.1, 9.6), \beta = 2.22 \text{ m},$
		$\gamma = 1.138 \text{ d} (6.5), 0.992 \text{ d} (6.7)$
Aib ¹⁶	8.219 s	$\beta = 1.502 \text{ s}$
Aib ¹⁷	7.936 s	$\beta = 1.608 \text{ s}$
Gln ¹⁸	7.918 d (5.5)	$\alpha = 4.02 \text{ m}, \beta = 2.28 \text{ m},$
		$\gamma = 2.673 \text{ ddd} (5.5, 9.6, 14.8), 2.465 \text{ dt} (8.4, 14.8)$
Gln ¹⁹	8.024 d (7.0)	$\alpha = 4.16 \text{ m}, \beta = 2.03 \text{ m}, \gamma = 2.338 \text{ dt} (15.0, 7.2), 2.24 \text{ m}$
Pheol ²⁰	7.385 d (8.8)	$\alpha = 4.15 \text{ m}, \beta = 2.942 \text{ dd} (5.5, 13.8),$
		$\beta = 2.750 \text{ dd} (9.0, 13.8), \beta^2 = 3.63$

a) Chemical shifts (ppm) were measured either from the one-dimensional spectra ($\Delta \delta = \pm 0.001$ ppm) or from the two-dimensional spectra ($\Delta \delta = \pm 0.01$ ppm). Coupling constant values (Hz) in parentheses were measured from the one-dimensional spectra.

4-1-3 3 JNH-a H值

CDスペクトルからは、TS-B-VIaおよび[Aib¹⁴]TS-B-VIaはそれぞれヘリックス含量が異なる右旋性ヘリックス構造をとることが示された。さらに、より詳細な2次構造の情報を得るため、各種NMR実験を試みた。

ペプチドやタンパクの主鎖のコンフォメーションが二面角 φ と ψで決まること は第2章で述べた(Fig. 1)。アミドプロトンとα位のプロトン間のビシナルスピン 結合定数である³ AH-αH値は介在する結合の二面角 φ を決定する。 それゆえ、 ³ AH-αH値はペプチドやタンパクの2次構造に関する有用な情報源となる。Pardiらは ウシ膵臓トリプシンインヒビターの結晶構造と³ JAH-αH値との関係付けをしている。 その結果、³ AH-αH値が7 Hz 以下の連続した残基が存在するとき、そこがへリック ス構造である可能性が高く、7 Hz 以上である場合はβ構造である可能性が高いと いう経験則を導いている⁷²⁾。

TS-B-VIaのGly¹¹までのN-末端部の³J_{NH-α}H値は 6 Hz 以下であり(Table 3)、Pardiらの経験則から判断すると、この部分が規則的なヘリックス構造をとることが示唆される。一方、12位以降のC-末端部分において、Leu¹²、Val¹⁵、Gln¹⁹およびPheol²⁰の³J_{NH-α}H値は 7~9 Hzであり、この部分がβ構造である可能性がある。しかしながら、計算上は二面角φが-45°から-180°までの広い範囲でペプチドはヘリックス構造をとることが可能である。この角度に対応する³J_{NH-α}H値は 2~9 Hz であり、 ³J_{NH-α}H値が 7 Hz以上であってもヘリックス構造である可能性は否定できない。実際に、タンパク質の構造中にヘリックス構造で³J_{NH-α}H値が 7 Hz以上の部分がいくつか見出されている⁷²⁾。そこで、TS-B-VIaのC-末端部分の詳細な構造については、後に述べるNOESY スペクトルの結果に基づいてさらに考察する。

[Aib¹⁴]TS-B-VIaはGln¹⁹、Pheol²⁰以外は 7Hz 以下であり、TS-B-VIaに見られたC-末端部分での³JNH-aH値の増大が見られなかった。[Aib¹⁴]TS-B-VIaは分子全体が規則 的なヘリックス構造をとると考えられる。

4-1-4 残基間NOE

³ **J**_{NH-0}H値の比較から、[Aib¹⁴]TS-B-VIaは12位からC-末端側の構造がTS-B-VIaのそ れと異なることが示唆された。そこで、TS-B-VIaと[Aib¹⁴]TS-B-VIaについてさらに 詳細な構造を求めるために、これら二つの化合物の残基間NOEを検討した。 TS-B-VIaと[Aib¹⁴]TS-B-VIaの分子量は約2000であり、CD₃OH中、常温ではNOEが 出にくかった。そこで、今回の実験は、低温(-5°C)で行った。低温においては溶 液中の分子運動が抑制され相関時間が大きくなるため、負のNOEの増大が期待できる。

この実験を行うのに先立ち、濃度変化、温度変化によるペプチドの構造変化や 会合の有無を調べるため5 mMから40 mM、-5℃から34℃迄のスペクトルを検討し た。その結果、極端なケミカルシフトの値の変化やピーク幅の増大は観察されず、 ³ JNH a H値の変化もきわめて少なかったことから、この濃度範囲、温度範囲でのペ プチド構造の変化や会合は無いものと考えられる。したがって、以下に述べる構 造は-5℃に於けるものであるが、室温(20 ℃)での構造も同様であると考えられる。





NOESYスペクトルで観察される残基間NOEのパターンからペプチドの2次構造 を推定する方法はWüthrichらにより確立されている⁷³⁾。この方法を用いた構造推定 の基準を示すと以下の様になる。以下に用いる、残基間NOEの表現方法は (Fig.16) に示した通りである。

- dNN(i, i+1)-, daN(i, i+1)-, daN(i, i+2)-, daN(i, i+3)-, daN(i, i+4)- そして daβ(i, i+3)-タイプのNOEクロスピークが連続して観測されるときポリペプチドはヘリック ス構造をとる。
- ポリペプチド鎖がβ構造をとるとき、daN(i, i+1)-タイプのNOEクロスピークは 観測されるがdaN(i, i+2), daN(i, i+3), daN(i, i+4) そして daβ(i, i+3)-タイプの NOEはH-H間距離が4.5 A以上離れており、観測されない(Fig. 19)。
 α-ヘリックス構造と310-ヘリックスはdaN(i, i+2)とdaN(i, i+4)-タイプのNOEを

用いて区別できる。すなわち、 α -ヘリックス構造では強いd $_{\alpha N}$ (i, i+4)-タイプの NOEが観測されるがd $_{\alpha N}$ (i, i+2)-タイプのNOEは観測されにくい。逆に、310-ヘリ ックスではd $_{\alpha N}$ (i, i+2)-タイプのNOEが観測され、d $_{\alpha N}$ (i, i+4)-タイプのNOEが観 測されない(Fig. 19)。

Fig. 20とFig. 21にそれぞれTS-B-VIaと[Aib¹⁴]TS-B-VIaの低温で測定したNOESY スペクトルの一部を示す、そして Fig. 23 に観測された残基間NOEを要約する。このデータを基に、上記の方法を使い、TS-B-VIaと[Aib¹⁴]TS-B-VIaの2次構造を推定した。

《TS-B-VIaの2次構造》

(1) Ac-Aib¹~Gly¹¹の構造: TS-B-VIaのAc-Aib^{1~}Aib¹³の領域には隣接したアミノ 酸残基間のNH-NHクロスピーク[d_{NN}(i, i+1)-タイプ]が全ての残基に連続して観察さ れた(Fig.22)。また、αプロトンをもつアミノ酸残基の大部分が[d_aN(i, i+1)-タイプ, i=0,2,7,9,11], [d_aN(i, i+3)-タイプ, i=0,4,7,9], [d_a β (i, i+3)-タイプ, i=4,9]を有 した。これらのNOEの存在はこの領域がヘリックス構造をとることを示唆してい る。TS-B-VIaのN-末端においては、強いd_aN(i, i+2)タイプのNOEがアセチルCH₃と Ala²NHとの間に観測されると同時に、強いd_aN(i, i+4)タイプのNOEがアセチルCH₃ とAla⁴NHとの間に観測される。よって、TS-B-VIaのN-末端は α -ヘリックス構造と 310-ヘリックス構造との中間的な構造であると考えられる。TS-B-VIaの4位から11 位の領域では強い[d_aN(i, i+4)タイプ, i=4,9]のNOEが観察されることから、この領 域は α -ヘリックス構造であると考えられる。しかし、d_aN(i, i+4)タイプのNOEが Gly¹¹ α HとVal¹⁵NHとの間やLeu¹² α HとAib¹⁶NHとの間に認められないことから α -ヘリックス構造は11位で終わっていると考えられる。

(2) Leu¹²~Pheol²⁰の構造: TS-B-VIaのLeu¹²以降のC-末端領域は³ JNH-aH値の結果からは β 構造である可能性が示唆されていた。しかしながら、この領域で、 β 構造では観測されないdaN(i, i+2), daN(i, i+3), daN(i, i+4) そして da β (i, i+3)のNOEが観測されたことから、この部分が明らかにヘリックス構造であることが示された。 TS-B-VIaのPro¹⁴以降のC-末端領域では強い[daN(i, i+2)タイプ, i = 14, 15]のNOEが観観測されるので、この領域は主に310-ヘリックス構造であると考えられる。しかし、弱いながらも[daN(i, i+4)タイプ, i = 14, 15]のNOEも同時に観測されることから、この領域の310-ヘリックス構造は α -ヘリックス構造に近いものである可能性がある。 典型的な310-ヘリックス構造の ϕ は約-60°であるのに対して、この領域の残基の二面角 ϕ は³ JNH-aH値から-80°から-120°と計算される。この結果からもこの領域 が特殊な310-ヘリックス構造である可能性が示されている。



Fig. 20. Parts of The 600 MHz NOESY Spectra of 40 mM TS-B-VIa in CD₃OH at 268 K, with a Mixing Time of 300 ms.

NOE cross-peaks $[d_{\alpha N}(i, i+2) \text{ or } d_{\alpha N}(i, i+4)]$ are labeled with the numbers of two residues involving acetyl CH₃ (0). In order to enhance the NOEs, NOESY spectra were recorded at low temperature (268K) and the signals have been assigned by means of the same procedures as described in section 1.



counter levels (represented by the thickness of the lines). Residue 0 represents the acetyl and [Aib14]TS-B-VIa (b). The observed NOEs are classified based on the cross-peak Fig. 22. Inter-Residual NOEs Observed in CD3OH at 268 K for TS-B-VIa (a) group.





NOE cross-peaks $[d_{\alpha N}(i, i+2) \text{ or } d_{\alpha N}(i, i+4)]$ are labeled with the numbers of two residues involving acetyl CH₃ (0). In order to enhance the NOEs, NOESY spectra were recorded at low temperature (268K) and the signals have been assigned by means of the same procedures as described in section 1.

《[Aib¹⁴]TS-B-VIaの2次構造》

[Aib¹⁴]TS-B-VIaは全ての残基にdNN(i, i+1)-タイプのNOEが観察された(Fig.18)。 また、αプロトンとアミドプロトン間のNOE、[d α N(i, i+1)-タイプ, i = 0, 2, 4, 7, 9, 11, 12, 15, 18], [d α N(i, i+3)-タイプ, i = 0, 2, 4, 7, 9, 11, 12, 15], [d α β (i, i+3)-タイプ, i = 4, 7, 9, 11, 15]を有した。これらのNOEの存在はこのペプチド全体がヘリックス 構造をとることを示唆している。[Aib¹⁴]TS-B-VIaのN-末端においては、TS-B-VIaと 同様に、強いd α N(i, i+2)タイプのNOEと強いd α N(i, i+4)タイプのNOEが観測された。 しかしながら、その他の領域では、強い[d α N(i, i+4)タイプ, i = 7, 9, 11, 12, 15]の NOEが観測された。よって、[Aib¹⁴]TS-B-VIaはN-末端は α -ヘリックス構造と310-ヘリックス構造との中間的な構造をとり、その他の領域は主に α -ヘリックス構造 であると考えられる。

以上の残基間NOE情報から、TS-B-VIaはN-末端領域の α -ヘリックス構造とC-末 端領域の310-ヘリックス構造の2つのヘリックスで構成されるのに対し、 [Aib¹⁴]TS-B-VIaは主に α -ヘリックス構造であることが明らかになった(Fig. 25)。

4-1-5 H-D交換速度

測定溶媒にCD3ODを用いると交換可能なNHプロトンと重水素(D)との交換が生 じ、経時的なNHプロトンシグナルの減少が観測される。この減少率から、ペプチ ドの2次構造の基本骨格を形成するNHプロトンとカルボニル酸素との間の分子内 水素結合の強さを推測することができる⁷⁴⁾。 Fig. 23にTS-B-VIaと[Aib¹⁴]TS-B-VIaのH-D交換速度のグラフを示す。1位から12位は両ペプチド共に同様の交換速度 を示した。Aib¹NHとAla²NHは非常に早い交換を示した。これは、この2つのNHが 分子内水素結合に関与せず、常に溶媒にさらされていることを示唆している。N-末端がα-ヘリックス構造をとると仮定すると、Aib³NHは水素結合に関与せず、 Aib¹NHやAla²NHと同様に早い交換速度を示すはずである。また、N-末端が310-ヘ リックス構造をとると仮定すると、Aib³NHとAla⁴NHの交換速度はAib¹NHやAla²NH のそれに比較してかなり遅い。これは、両ペプチドのN-末端がα-ヘリックス構造 と310-ヘリックス構造との中間的な構造をとるという残基間NOEから得られた結果 を支持するものである。

両ペプチドの5位から20位の交換速度は小さく、この領域のNHは全て分子内水素 結合に関与していると考えられる。ここで、NOESYから得られた結果からVal¹⁵NH とAib¹⁶ NHは1←5 H-結合(Gly11 COとVal¹⁵ NHまたはLeu¹² COとAib¹⁶ NH間のH-結 合)への関与が否定されている。しかしながら、H-D交換速度の測定の結果からは Val¹⁵ NHとAib¹⁶ NHは何らかの分子内H-結合への関与が示されている。したがって、 TS-B-VIaのVal¹⁵ NHとAib¹⁶ NHはそれぞれLeu¹² COとAib¹³ CO,との間に1←4 H-結合 をもつことが示唆される。TS-B-VIaのPro周辺での折れ曲がり構造はVal¹⁵ NHと Leu¹² COとの間の水素結合で安定していると考えられる。

TS-B-VIaのAib¹⁶ NHの交換速度は[Aib¹⁴]TS-B-VIaのそれに比べて速い。これは、 TS-B-VIaのAib¹⁶ NHとAib¹³ CO,の間の結合距離がPro残基の影響で長くなっている ためだと考えられる。

4-1-6 NH化学シフトの温度依存性

温度変化による、主鎖NHの化学シフトの移動率はNHの分子内水素結合の強さや、 NHと溶媒との相互作用の強さに影響されるため、ペプチドのコンフォメーション についての情報を与えてくれる。

Fig. 19 に TS-B-VIaと[Aib¹⁴]TS-B-VIaの温度変化による NH ケミカルシフトの移 動率を示した。 TS-B-VIaも[Aib¹⁴]TS-B-VIaもともに、Aib⁴ NHからC-末端側の値は いずれも非常に小さい負の値(温度上昇により、高磁場シフト)であり、これら のNHが分子内水素結合に関与していることを示唆している。両ペプチドの N-末端 領域(Aib¹ NHからAib¹⁰ NH)の値は近似している。この結果は、両ペプチドがこの 領域で同様の構造をとるという、今までに得られた結果を支持するものである。 両ペプチドのAib¹ NH と Ala² NH は非常に高い移動率をしめした。それゆえ、これ らの NH は分子内 H-結合に関与せずに、常に溶媒にさらされた状態にあると考え られる。一方、両ペプチドの Aib³ NH、およびTS-B-VIaの Val¹⁵ NH と Aib¹⁶ NH の移 動率は非常に低かった。これらの NHは310-helix から α -helix、または α -helix から 310-helixへと構造が移行する領域において1+-4 H-結合に関与しているとvう共通点 がある。この移動率の低さはこのような位置特異的な効果に起因すると考えられ る(Fig. 25)。

以上、NOESY、H-D交換速度、温度変化によるNHケミカルシフトの移動率の結 果に基づき、TS-B-VIaと[Aib¹⁴]TS-B-VIaの分子内水素結合の様式をFig.25に示すよ うに推測した。



Fig. 24. Temperature Coefficients of NH Chemical Shifts for TS-B-VIa and [Aib¹⁴]TS-B-VIa Obtained Over the Range of 286-307 K in CD₃OH.

Positive -d\delta/dT (ppb/K) values represent upfield shift of the NH signals with increasing temperature.





Exchanging rates (k_{ex}) are defined as the slope of semilogarithmic plots of the decay of amide signal intensity versus the time (h) after dissolving the peptides in CD₃OD. Because of an overlap of the signals, the rate of Ala⁴NH for TS-B-VIa was not detected. Note that the scales of k_{ex} for positions 1 to 3 (a) and for positions 4 to 20 (b) are different.



第2節 残基数の異なるtrichosporin-B-VIa誘導体の2次構造

残基数を変化させた誘導体のMeOH中におけるCDスペクトルは全て、TS-B-VIa と同様に、208と222 nm付近に極小値をもつ負のCotton効果による吸収を示した (Fig. 15)。この結果はこれらのペプチドがMeOH中では主に右旋性のヘリックス構 造をとることを示している。残基数を増加させた誘導体のヘリックス含量はTS-B-VIaのそれと比較して減少した。残基数を減少させた誘導体のヘリックス含量も TS-B-VIaのそれと比較して減少した。特に、Aib残基が減少したとき(TS-B-VIaか ら[-1]、[-2]から[-3])にヘリックス含量の減少が顕著であることがわかる。

Aibがヘリックス指向性の非常に強いアミノ酸であることを考えると、Aib残基の減少によりヘリックス含量が減少することは理にかなっている。TS-B-VIaを100%としたときの、残基数を変化させた誘導体のヘリックス含量は以下のようになる: [+3], 93%; [+2], 89%; [+1], 93%; [-1], 90%, [-2], 90%; [-3], 70%; [-4], 65%。

第5章 Trichosporin-B-VIa とその誘導体のイオンチャンネル形成特性

ペプタイボールの多くは脂質二分子膜に対して、電圧依存性の膜電流を誘導す ることが知られている。この現象は、ペプタイボールが膜中で束状の複合体 (Fig. 12)を形成し、その中心のポアをイオンが透過する、イオンチャンネルモデ ルによって説明されている⁴⁰。しかし、このチャンネル複合体の形成機構や膜中 での安定化の機構については、未だ詳細には明らかになっていない。本章におい ては、これらの機構を解明することを目的として、TS-B-VIaとその誘導体のイオ ンチャンネル形成特性を調べ、構造と活性との相関について考察する。

第1節 Trichosporin-B-VIa のイオンチャンネル形成特性

5-1-1 TS-B-VIaが誘導する巨視的な膜電流-電圧(I-V)特性

TS-B-VIaが誘導する膜電流は Fig. 26に示す装置を用いて測定した。この装置は 電解質が満たされた、2つのコンパートメントをテフロン膜で隔てている。この テフロン膜には小孔が開いており、そこにMontalらが考案した方法を用いて、脂質 二分子膜を形成した⁷⁵⁾。

TS-B-VIaのEtOH溶液をこの装置の一方のコンパートメント(*cis*面)のみに最終 濃度が50 nM~400 nMになるように加えた。脂質はlecithin : cholesterol (4:1)の1% decane 溶液を用いて形成した。膜間に0.01 Hz (±120 mV)の三角波の交流を加えた ところ、Fig. 27 に示す電流-電圧曲線が得られた。この測定では*cis*面が正の時の み電圧依存性の電流が観測された。同様の方法で、50, 100, 200 nM のTS-B-VIaが 誘導する膜コンダクタンスを求めそのlog値を電圧に対してプロットした (Fig. 28)。

Roy らがalamethicinを用いた同様の実験⁷⁶⁾で指摘するように、TS-B-VIaに誘導さ れる膜コンダクタンスも電圧依存性のコンダクタンス部分(Fig. 28グラフ中、傾き のある直線部分)と電圧非依存性のコンダクタンス部分(Fig. 28グラフ中、傾きの ない直線部分)があることが明らかになった。電圧依存性のコンダクタンスは電 圧に対し指数関数的な増加を示したが、その増加率は濃度に依存しなかった。50 nM~400 nMの範囲において、ほぼ同様の値を示した。

46

電圧依存性のコンダクタンス(G)は下記の式(1)により表される77)。



Fig. 26. Measurement of Trans-membrane-Current Induced by TS-B-VIa. Membranes were formed on a 120 μ m hole in a Teflon film sandwiched between two half cells. The ethanolic solutions of peptides were added to one side (cis side) of the aqueous compartments which consisted of 1M KCl, unbuffered. The contents of cis compartment was stirred with a magnetic stirrer. After allowing for partitioning equilibrium, the membrane was submitted to a voltage and current-voltage curves were recorded.



Fig. 27. Current-Voltage Curves of Lipid Bilayer Membranes Exposed to 50 nM TS-B-VIa and [Aib¹⁴]TS-B-VIa in 1M KCl. Membranes were formed from lecithin with cholesterol in 1M KCl unbuffered. Peptides were added to the *cis* side of the membrane.

 $G = \Gamma C p^n \exp(V/Ve),$

(1)

式(1)において、Cpはペプチド濃度、Veは一定濃度においてコンダクタンスを e-倍 するのに必要な電圧変化、nは一つのイオンチャンネルを構成するペプチド分子 の数、そして Γ は実験条件に依存する定数である。Veはlog G-V プロットの傾き から10.0 mVと求められる(Table 5)。式(1)から一定の電圧におけるコンダクタンス 値はペプチド濃度の n-乗に比例することがわかる。nは一定電圧におけるコンダ クタンスのペプチド濃度依存性から導くことができる。

Fig. 28からTS-B-VIaの濃度を2倍すると一定電圧におけるコンダクタンスは約 116倍増加することがわかる。したがって、 $G \ge C_p$ の関係は $G \propto [C_p]^{6.8}$ と表わすこ とができるので、 $n = 7 \ge coorcontent coorc$

ヘリックス状のペプチドダイポールは膜中で電圧がかかると、電場と同じ向き に配向すると考えられる。このようなdipole rearrangementモデル^{46,78)}を仮定すると、 Veは次式により表せられる⁷⁷⁾。

$$Ve = kT / en\alpha, \tag{2}$$

(k: Boltzman係数、T: 温度、e: 電荷、 α : ペプチド1分子当たりの電荷とゲイティングに伴う電荷の移動距離)

電場が存在しない状態では、ヘリックス状のペプチドが膜面に平行に存在する と仮定する。ある一定電圧以上の電圧を膜に加えたときにこのペプチドが膜面に 垂直に配向したとすると、このペプチドのダイポールモーメントµは次式により 表すことができる⁷⁷⁾。

 $\mu = e \, \alpha d$,

(3)

(d:膜の疎水性部)

 α から求めたダイポールモーメントの値を Table 5に示す。この計算では d=3 nm. とした。TS-B-VIaのダイポールモーメント μ は53Dであった。



Fig. 28. Effect of Peptide Concentration on Conductance (Logarithmic Units)-Voltage Characteristics of TS-B-VIa (a) and [Aib^{1 4}]TS-B-VIa (b) Doped Membranes. Membranes were formed from lecithin with cholesterol in 1M KCl containing TS-B-VIa (a) or [Aib¹⁴]TS-B-VIa (b) of the concentrations indicated.

Table 5. Macroscopic Conductance Parameters for TS-B-VIa and [Aib¹⁴]TS-B-VIa

	Ve (mV)	п	α	μ (D)
TS-B-VIa	10.0±1.2	6.8±0.4	0.37	53
[Aib ¹⁴]TS-B-VIa	9.4±0.2	4.3±0.3	0.62	92

For the calculation of Ve and n, log G - V curves induced by 50, 100 and 200 nM TS-B-VIa or 20, 40 and 50 nM [Aib¹⁴]TS-B-VIa were used. Data are mean \pm S.D. from four experiments for the each concentration. α and μ were calculated from Eqn. (2) and (3), respectively.

5-1-2 TS-B-VIaの単イオンチャンネル特性

5-1-1ではTS-B-VIaを作用させた膜の巨視的な電流一電圧特性を観測した。この 巨視的な電流は脂質二分子膜中に多数形成されたTS-B-VIaの単チャンネル電流の 総和と考えられる。膜に作用させるTS-B-VIaの濃度を巨視的な電流測定の時の1/10 以下にし、検出感度を10倍にして膜電流を測定すると、TS-B-VIaの単チャンネル 電流が観測された。脂質にdiphytanoylphosphatidylcholine (diphy PC)を用いたとこ ろ、より高い分解能を持つ単チャンネル電流を測定する事ができたので、この実 験にはdiphy PCを使った。

Fig. 29aに示すようにTS-B-VIa はマルチレベルのシングルチャンネル電流を誘導



Fig. 29. Single-Channel Current Fluctuations Induced by TS-B-VIa (a) and [Aib¹⁴]TS-B-VIa (b) at 270 mV. Each sublevel conductance is in good agreement with theoretical conductance estimated from the resistance of a pore in a peptide bundle models (Fig. 12). The pore diameter increase or decrease by uptake or release of the monomers. The results suggest that the TS-B-VIa-channel consist of 4 to 9 monomers and the [Aib¹⁴]TS-B-VIa-channel consist of 4 to 6 monomers (c).



Fig. 30. Comparison of Observed TS-B-VIa Channel Conductance (G_{obs}) and Theoretical Channel Conductance (G_{theol}) .⁸⁰⁾ G_{obs} was in good agreement with G_{theol} which was estimated from the bundle of ideal α -helical peptides, suggesting that the TS-B-VIa-channel was a bundle of 4 to 9 monomers. G_{theol} was obtained from the equations on the right.



TS-B-VIa [Aib14]TS-B-VIa

Fig. 31. Molecular Dipol Moment of TS-B-VIa and [Aib¹⁴]TS-B-VIa.

The arrows indicate the magnitude and direction of the molecular dipole moment. Since TS-B-VIa has a helical-bent around Pro¹⁴, mean dipol moment should be lower than that of [Aib¹⁴]TS-B-VIa.

した。このように電流が各レベル間で転移するのは、チャンネル複合体へのペプ チド分子の取込みと放出が繰り返されることにより、チャンネルポアの大きさが 変わることが原因と考えられている(Fig. 29c)⁷⁹⁾。

理想的なチャンネルのコンダクタンス値とTS-B-VIaチャンネルコンダクタンス値 とを比較するとTS-B-VIaチャンネルはTS-B-VIa分子が4から9分子会合することに より形成されると考えられる(Fig. 30)。Fig. 29aに示したコンダクタンスのヒストグ ラムを見ると5から7分子の頻度が高いことがわかる。この結果は、巨視的な電流 -電圧特性から導いたnの値7とよい一致を示す。

 Table 6
 Single-Channel Parameters Compared Between TS-B-VIa and

 [Aib¹⁴]TS-B-VIa.

	Substate	Conductance (nS)	п	Probability of opening*	Mean life time (ms)
	1	0.41	4	0.271	0.89
	2	0.75	5	0.306	1.11
TS-B-VIa	3	1.85	6	0.233	1.14
	4	3.17	7	0.146	1.42
	5	4.66	8	0.037	0.79
	6	6.33	9	0.007	0.61
	1	0.05	4	0.848	0.69
Aib ¹⁴ -TS-B-VIa	2	0.60	5	0.145	0.40
	3	1.64	6	0.007	0.29

*Open probability of each level within bursts. (Closed state was excluded.)

第2節 [Aib¹⁴] trichosporin-B-VIaのイオンチャンネル形成特性

5-2-1 [Aib¹⁴]TS-B-VIaが誘導する巨視的な膜電流-電圧(I-V)特性

[Aib¹⁴]TS-B-VIaを膜に作用させると、TS-B-VIaと同様に電圧依存性の膜電流を誘 導した(Fig. 27)。この事実は膜電流の電圧依存性や非対称性の発現にはProは必須ではな いことを示唆している。しかし、同濃度のTS-B-VIaと[Aib¹⁴]TS-B-VIaのI-V曲線を比較 すると、[Aib¹⁴]TS-B-VIaのI-V曲線のほうが、低電圧側(左側)にシフトしている (Fig. 27)。この結果は、[Aib¹⁴]TS-B-VIaのほうが、TS-B-VIaより同濃度において大き い膜電流を誘導することを示している。すなわち、[Aib¹⁴]TS-B-VIaはTS-B-VIaより 強いチャンネル形成能があることを示している。

[Aib¹⁴]TS-B-VIaについても、10 nM, 20 nM, 50 nMにおける log G - V プロットを用いて、5-1-1で述べたのと同様の方法で Veとnを求めた。その結果、Ve = 9.4 mV, n = 4.3 になった。[Aib¹⁴]TS-B-VIaの Veの値(9.4 mV)はTS-B-VIaのそれ(10.0 mV)とほぼ同等の値となったが、[Aib¹⁴]TS-B-VIaのn (4.3)はTS-B-VIaのそれ(6.8)に比べて減少した(Table 5)。この結果は、[Aib¹⁴]TS-B-VIaはTS-B-VIaよりも小さなチャンネルを形成することを示唆している。

さらに、5-1-1で述べたのと同様の方法で[Aib¹⁴]TS-B-VIaのダイポールモーメント µを求めると、TS-B-VIaのそれよりかなり大きい値になった(Table 5)。TS-B-VIa はヘリックスに折れ曲がり構造が存在するため、そのダイポールモーメントは真 直なヘリックス構造を持つ[Aib¹⁴]TS-B-VIaに比べて小さくなるはずである(Fig. 31)。 両ペプチドのI-V特性から求めたダイポールモーメントの値はこの予測を支持する ものである。

5-2-2 [Aib¹⁴]TS-B-VIaの単イオンチャンネル特性

[Aib¹⁴]TS-B-VIaについても、TS-B-VIaと同様の方法で単イオンチャンネル電流を 測定した。[Aib¹⁴]TS-B-VIaもマルチレベルのシングルチャンネル電流を誘導した。 しかしながら、そのチャンネル寿命はTS-B-VIaのそれに比較して、かなり短くサブ レベル数も著しく減少していることがわかった(Fig. 29b, Table 6)。各コンダク タンスレベルの頻度を表すヒストグラム(Fig. 29b)を比較すると、TS-B-VIaチャ ンネルが4~9分子の広い範囲で分子数が変化する会合体であるのに対して、 [Aib¹⁴]TS-B-VIaチャンネルはほとんどが4分子の会合体である。この結果は巨視的 なI-V特性から求めたそれぞれのnの値とよい対応を示すものである。Table 6にTS-B-VIaと[Aib¹⁴]TS-B-VIaの各コンダクタンス値の比較を示す。[Aib¹⁴]TS-B-VIaの各コ ンダクタンス値はTS-B-VIaのそれに比べて小さいことがわかる。これは[Aib¹⁴]TS-B-VIaにはC-末端側での折れ曲がり構造がないため、チャンネル複合体を形成した ときに、立体障害が大きいC-末端Gln側鎖がイオンの透過を阻害するためだと考え られる。

以上の巨視的なI-V特性の結果と単チャンネル電流の測定の結果から、TS-B-VIa のProをAibに置換した場合、基本的にチャンネルの電圧依存性、電圧に対する非 対称性は変化しないものの、チャンネルの安定性、チャンネル複合体を形成する 分子の数、および、イオン透過性が減少することがわかった。 第3節 残基数の異なる誘導体のイオンチャンネル形成特性

残基数の異なる誘導体7種(Fig. 13)についても、シングルチャンネル電流を測 定した。

N-末端残基を延長した誘導体([+1], [+2], [+3])のシングルチャンネル電流の記録をFig. 32に示す。N-末端にAibを1残基加えた誘導体([+1])はTS-B-VIaと同様にマルチレベルのチャンネル電流を誘導した。[+2], [+3]もチャンネル電流を誘導したがその寿命は極めて短くなった。また、各レベルのコンダクタンス値は、残基数が多くなるほど減少した。これはチャンネルのイオン透過孔が長くなることによる、抵抗の増大に起因すると考えられる。

N-末端残基を減少した誘導体([-1],[-2],[-3],[-4])はいずれも特徴的な電流 を示したものの(Fig. 33)、それはTS-B-VIaや残基数を延長した誘導体で観測さ れるような矩形波状のチャンネル電流ではなかった。ここで、この短い誘導体が 誘導する膜電流がTS-B-VIaチャンネルと同様にヘリックスバンドルモデルで説明 される機構に基づいて誘導されているのか、全く異なる機構により誘導されてい るのかを、現在までに得られている結果から推察するのは困難である。



Fig. 32. Current Fluctuations Induced by Elongated Derivatives. (+1)TS-B-VIa doped membranes exhibited multilevel fluctuations which are almost identical in single-channel parameters to the TS-B-VIa-channel. (+2)TS-B-VIa and (+3)TS-B-VIa formed unstable channels and the conductance value of each level was smaller than that of TS-B-VIa-channel. しかしながら、誘導体[-3],[-4]はヘリックス部分の長さが膜の疎水性部分の厚 さ3 nmよりも短いにも関わらず、膜電流を誘導した。このことから、膜電流の誘導 にはヘリックスの長さが膜の厚さよりも必ずしも長い必要はないことが示された。

以上、残基数の異なる誘導体に誘導されるイオンチャンネル電流の測定結果より、 安定なチャンネルを形成するには残基数が20または21に厳密に限定されることが明 らかになった。しかしながら、23残基から16残基までの全ての誘導体が膜電流を誘 導することから、安定性を無視した膜電流の誘導には残基数はあまり厳密には限定 されないことも示された。



Fig. 33. Current Fluctuations Induced by Truncated Derivatives. In the membrane doped with truncated derivatives{(-1),(-2),(-3),(-4)TS-B-VIa}, residence time of bursts were so short that the conductance states could no longer be resolved.

第4節 Trichosporin-B-VIaとその誘導体の構造とイオンチャンネル活性との相関

膜電流測定の実験からTS-B-VIaは平均して7分子が束状に会合したチャンネル複 合体を形成することが示唆された。この複合体の安定性は(1)ペプチドーペプチド 間、(2)ペプチドー脂質間、(3)ペプチドダイポールー膜電場間の各相互作用により 決定されると考えられる。TS-B-VIaがチャンネル複合体を形成したときの高次次構 造を考慮すると、Gln⁷の極性のある側鎖アミド基と水素結合に関与しないカルボニ ル酸素(Aib¹⁰CO, Gly¹¹CO)がチャンネルポアの方向に向くことにより、複合体は ポア内の水と親水性相互作用するので、安定化すると考えられる(Fig. 34b)。 他方、C-末端に存在する極性のGln¹⁸およびGln¹⁹の側鎖アミド基は、ポアとは逆の 方向に向いており、膜表面の親水性部位と極性相互作用をすることができる。また、 N-末端の水素結合を介さないアミドカルボニル(Aib¹CONH, Ala²CONH)も反対側の膜の親水性部位と極性相互作用をしていると考えられる。これらの相互作用により、TS-B-VIa複合体は膜中で安定した状態で存在すると考えられる。

一方、[Aib¹⁴]TS-B-VIaへリックスには水素結合に関与しないカルボニル酸素 (Aib¹⁰CO, Gly¹¹CO)が存在しない(Fig. 25b)。したがって、[Aib¹⁴]TS-B-VIa複合体は TS-B-VIa複合体に比べてポア内の親水的相互作用が弱くなると考えられる(Fig. 34a)。 これはチャンネル不安定化の一つの要因と考えられる。また、[Aib¹⁴]TS-B-VIaはへ リックスの折れ曲がり構造が存在しないため、チャンネル複合体を形成したとき、 TS-B-VIa複合体に見られるようなC-末端でのポアの漏斗状の広がりは無くなると考 えられる (Fig. 34a)。また、C-末端での広がりが無いため、C-末端側の嵩高い残基 が立体障害をもたらす。この立体障害もチャンネル不安定化の一つの要因と考えら れる。さらに、ポアの内径が狭くなるため各レベルのコンダクタンス値が減少した ものと考えられる。

[Aib¹⁴]TS-B-VIaのチャンネルは不安定でunit conductanceもTS-B-VIaのそれに比べ て小さいにも関わらず、巨視的な電流が同濃度のTS-B-VIaに比べて大きくなった。 この理由として、[Aib¹⁴]TS-B-VIaの脂溶性が高いこと、そして、ダイポールモーメ ントが大きいことが挙げられる。脂溶性が高いと、膜へ分配されるペプチド数が増 加すると考えられる。また、ダイポールモーメントが大きいと電場から膜の垂直方 向に受ける力が強くなるため、膜面に対し垂直に位置するペプチドの数が増加する。 その結果、全体的にチャンネル数が増加し、巨視的な電流が増加すると考えられる。

残基数を変化させた誘導体を作用させた膜の膜電流の測定から、安定なチャンネ ルの形成には残基数が20か21に厳密に限定されていることが示された。このことか ら、チャンネル複合体の安定にはヘリックスの長さと膜の厚さとの一致が重要であ ることがわかった(Fig. 34c,d)。この結果から、ヘリックスのN-末端とC-末端の極性 部位と脂質膜の極性部位との相互作用がチャンネルの安定性の大きな要因であるこ とが示唆される。

残基数を減少した誘導体のヘリックス部位は脂質膜を貫通することができないは ずである。しかしながら、いずれの誘導体も膜電流を誘導することから、これらの 誘導体は残基数20のペプタイボールによるチャンネル形成とは異なるメカニズムで 膜電流を誘導していると考えられる。



Fig. 34. Ion Channel Models Proposed for TS-B-VIa (b),
[Aib¹⁴]TS-B-VIa (a), Elongated-TS-B-VIa (c), and Truncated-TS-B-VIa (d). Polar parts (NHs of Aib¹ and Ala²; δCONHs of Gln⁷, Gln¹⁸, and Gln¹⁹; OH of Pheol²⁰; COs of Aib¹⁰ and Gly¹¹) of the peptide monomers are shown by oblique lines.

第6章 Trichosporin-Bの生物活性

第1節 Trichosporin-Bのウシ副腎随質細胞に対するカテコールアミン分泌活性

副腎髄質クロマフィン細胞は生理的には、交感神経節前繊維末端のシナプスか ら分泌されたアセチルコリンの働きによりカテコールアミン(ドパミン、ノルア ドレナリン、アドレナリン)を開口分泌する。この分泌は、アセチルコリンの受 容体への結合に始まる一連の反応にもとづく、電位依存性Ca²⁺イオンチャンネルの 開口によるCa²⁺の細胞内流入が直接の引き金となっている。

我々はすでに数種のTS-B類の混合物であるTS-B-IIIが培養した牛副腎随質細胞に 対してカテコールアミン分泌活性を持つことを近年明らかにした⁶¹⁾。この分泌は 細胞内へのCa²⁺流入と並行して引き起こされていることを、⁴⁵Ca²⁺を用いた実験に より示した。しかし、このカテコールアミン分泌は下記の2相性を示した。 (1) 一つは低濃度のTS-B-III (<10 μ M)による分泌で、完全に細胞外Ca²⁺に依存した。 (2) 他方は高濃度のTS-B-III (>10 μ M)による分泌で、一部、細胞外Ca²⁺に非依存的 であった。

高濃度のTS-B-III (>10 µ M)は細胞内のマーカー酵素である乳酸脱水素酵素の遊離を引き起こした。したがって、高濃度のTS-B-IIIは一部、細胞膜を破壊することに伴うカテコールアミンの漏出をもたらすと考えている。

本章においては、さらに詳しくTS-Bとその誘導体のカテコールアミン分泌活性 を調べ、それらのイオンチャンネル形成活性との相関について考察する。

6-1-1 TS-B-VIaと[Aib¹⁴]TS-B-VIaのカテコールアミン分泌活性

TS-B-VIaを牛副腎随質細胞とインキュベートするとTS-B-VIaの濃度に依存して 細胞からのカテコールアミンの分泌が増加した。低濃度(2~10 μ M)のTS-B-VIaに よる分泌は完全に細胞外のCa²⁺に依存していたが (Ca²⁺が含まれる normal medium 中ではカテコールアミン分泌活性を示すが、Ca²⁺が含まれないmedium中では活性 を示さない)、高濃度(20 μ M)による分泌は一部Ca²⁺に非依存性であった (Ca²⁺が 含まれないmedium中でも分泌活性を示す) (Fig. 35a)。これと同様の結果が本章の 始めに述べたようにTS-B-IIIを用いた実験においてすでに得られている⁶¹⁾。

[Aib¹⁴]TS-B-VIaを牛副腎随質細胞とインキュベートすると、10 µMまでは濃度

依存的に細胞からのカテコールアミンの分泌が増加した。しかしながら、10 μ M 以上の濃度においては活性の増加がほとんどみられなかった。さらに、高濃度(10 -40 μ M)において、Ca²⁺非依存性の分泌が見られなかった(Fig. 35b)。先に述べた ように、Ca²⁺に非依存性の分泌は、TSの細胞膜破壊によるカテコールアミンの細 胞外への漏出と考えられているので、高濃度においても[Aib¹⁴]TS-B-VIaによるCa²⁺ 非依存性の分泌が認められないことは、[Aib¹⁴]TS-B-VIaが細胞膜を破壊する作用が 小さいことを示唆している。

[Aib¹⁴]TS-B-VIaによるCa²⁺依存性の分泌もTS-B-VIaのそれに比べて小さくなって いる。これは脂質2分子膜の実験において[Aib¹⁴]TS-B-VIaの方がTS-B-VIaより大き な電流を誘導するという結果と矛盾する。さらに、[Aib¹⁴]TS-B-VIaはTS-B-VIaに比 べ、逆相のHPLCの保持時間が長く、脂溶性が高いと考えられる。それにも関わら ず、[Aib¹⁴]TS-B-VIaの活性がTS-B-VIaの活性より小さいという結果は、第1節で得 られた脂溶性と活性とが相関するという結果と矛盾している。このように、TSに おいて得られた膜電流ーカテコールアミン分泌活性一脂溶性間の相関性がTS-B-VIaと[Aib¹⁴]TS-B-VIaとの間には適応することができなかった。よって、Pro¹⁴が存 在するTS-Bと、存在しない[Aib¹⁴]TS-B-VIaとでは副腎随質細胞に対する作用機序 が異なる可能性がある。



Fig. 35. Effect of TS-B-VIa (a) and $[Aib^{14}]TS$ -B-VIa (b) on Catecholamine Secretion from Adrenal Chromaffin Cells. The cells were incubated for 10 min at 37°C with various concentrations of peptides, in 2.6 mM Ca²⁺-containing (**()**) or Ca²⁺-free (plus 0.2 mM EGTA) medium (O). Catecholamine secretion is shown as a percentage of total catecholamine content. Data are means \pm S.D. from three experiments. *, p < 0.001, significantly different from control. 6-1-2 残基数が異なる誘導体のカテコールアミン分泌活性

残基数を増やした誘導体はいずれも5 μ MにおいてTS-B-VIaと同程度のカテコー ルアミン分泌活性を示した (Fig. 36)。一方、残基数を減少した誘導体は5 μ Mにお いては活性を全く示さなかった。しかしながら、それより高濃度(20 μ M)にすると、 活性を示した。活性は[-1]がTS-B-VIaの約50%、[-2]は15%、[-3]と[-4]は1.6%であっ た。残基数を減らすと活性が著しく減少することがわかった(Fig. 37)。

5章で述べたように、脂質2分子膜に対するチャンネル実験において、残基数を 延長した誘導体はTS-B-VIaと同程度の濃度で膜電流を誘導したが、残基数を減少し た誘導体は、濃度を5~18倍にしないと膜電流を誘導しなかった。カテコールア ミン分泌活性も残基数を延長した誘導体はTS-B-VIaと同程度の濃度で活性を示した のに対し、残基数を減少した誘導体は、濃度を4倍以上にしないと活性を発現しな かった。このように膜電流の誘導活性とカテコールアミン分泌活性が同様の濃度依 存性を示したことは、これら2つの活性が関連することを示唆している。



Fig. 36. Catecholamine Secretion Induced by TS-B-VIa and Elongated Derivatives ([+1], [+2] and [+3]) in 5 μ M. The cells were incubated for 10 min at 37°C with samples in 5 μ M. Catecholamine secretion is shown as a percentage of total cellular catechol-amine content. Data are means±standard deviations from four experiments. *, p < 0.001, significantly different from the control (Cont).



Fig. 37. Catecholamine Secretion Induced by TS-B-VIa and Truncated Derivatives ([-1], [-2], [-3] and [-4]) in 20 μ M. The cells were incubated for 10 min at 37°C with samples in 20 μ M. Catecholamine secretion is shown as a percentage of total cellular catecholamine content. Data are means±standard deviations from four experiments. *, p < 0.001, significantly different from the control (Cont).

6-1-3 Trichosporin-Bのカテコールアミン分泌活性とイオンチャンネル形成活性 同濃度(5μM)の5種のTS-B(TS-B-Ia, IIIa, V, VIa, VIb)(Table 7)について、カテ コールアミン分泌活性を調べた。これらのペプチドは3位、9位、17位においての み残基が異なる、非常に類似した構造を持つにも関わらず、その活性にかなりの 差があることが明らかになった(Fig. 38a)。また、この活性の順番がそれぞれのペ プチドの逆相のHPLCの保持時間の順番(Fig. 38b)と一致していた。この結果はTS-B のカテコールアミン分泌活性が分子の脂溶性に依存することを示唆している。

そこで、5種のTS-Bについて脂溶性の指標である保持比kの対数値 log k'を求めた。⁸¹⁾保持比k'はTS-Bの逆相のHPLCの保持時間 t_R と担体に保持されない物質(NO³)の保持時間 t_0 から、 $k' = (t_R - t_0) / t_0$ として求められる。log k' 値の大きさ、すなわち、脂溶性の大きさを比較すると、TS-B-VIb (0.963) > -VIa (0.946) > -V (0.912) > -IIIa (0.841) > -Ia (0.754) となった。さらに、log k'とカテコールアミン分泌活性のlog値とは一次のよい相関を示した(Fig. 39)。すなわち、カテコールアミン分泌活性はTS分子の脂溶性に依存し、脂溶性が高いものほど、強い活性を示すことが明らかになった。

Table 7. Primary Structures of Trichosporin-Ba)

Position	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	
TS-B-Ia	Ac-Aib	-Ala	-Ser	-Ala	-Aib	-Aib	-Gln	-Aib	-Leu	-Aib	-Gly-	Leu	-Aib	-Pro	-Val	-Aib	-Aib	Gln	-Gln	-Pheol	
TS-B-IIIa	Ac-Aib	-Ala	-Ala	-Ala	-Aib	-Aib	-Gln	-Aib	-Leu	ı-Aib	-Gly	-Leu	-Ait	-Pro	-Val	-Aib	-Aib	-Gln	-Glr	-Pheol	
TS-B-V	Ac-Aib	-Ala	-Ala	-Ala	-Aib	-Aib	-Glr	n-Aib	- Ile	-Ait	-Gly	-Leu	-Ail	o-Pro	o-Va	l-Aib	-Aib	-Gln	n-Glr	n-Pheol	ļ
TS-B-VIa	Ac-Aib	-Ala	-Aib	-Ala	a-Ait	-Aib	-Glr	n-Ait	o- Ile	-Ail	o-Gly	-Lei	I-Ai	b-Pr	o-Va	l-Ait	-Ait	-Glr	n-Gli	n-Pheo	I
TS-B-VIb	Ac-Aib	-Ala	-Ala	-Ala	-Ait	-Aib	-Glr	n-Aib	- Ile	-Ait	-Gly	-Leu	-Ail	o-Pro	o-Va	l-Aib	- Iva	-Glr	n-Gli	n-Pheol	I

a) Aib = α -aminoisobutyric acid, Pheol = phenylalaninol, Iva = isovaline.



Fig.38. Activities of Catecholamine Secretion from Adrenal Chromaffin Cells (a) and HPLC Chromatogram (b) of TS-B-Ia, -IIIa, -V, -VIa, and -VIb. The cells were incubated for 5 min at 37°C with 5 μ M TS-Bs. Catecholamine secretion is shown as a percentage of total cellular catecholamine content. Data are means±standard deviations from four experiments. *, p < 0.001, significantly different from the control (Cont). HPLC conditions are as follows: column, YMC A-413 S-5 120A Ph (6 mm i.d. x 250 mm); flow rate, 0.6 ml/min; mobile phase, MeOH : H₂O = 85 : 5.

次に、この5種のTS-Bについて脂質2分子膜に対する膜電流の誘導活性を調べた。脂質はdiphytanoylphosphatidylcholineを用い、第5章に示した方法で膜電流を測定した。

いずれのTS-BもFig. 40 に示すように、正の電圧の時のみ、電圧依存性の鋭い電 流の上昇が観測された。TS-Bを作用させた膜の一定電圧 (120 mV) におけるコンダ クタンス(G)の対数値をlog k'に対してプロットしたところ、log G-log k'間に一次の よい相関が得られた。この実験は3通りの濃度(50, 75, 100 nM)で行ったが、いずれ の濃度でも同様に一次の相関が得られた(Fig. 41)。 この結果はTS-Bによる膜電流の誘導もその脂溶性の強さに依存し、脂溶性の高いものほど大きな膜電流を誘導することを示している。ここで観測された巨視的な 膜電流は多数のTS-B-チャンネルが同時に開いた時のチャンネル電流であると考え られている。よって、TS-Bのイオンチャンネル形成による膜コンダクタンスはTS-B分子の脂溶性に依存すると考えられる。



Fig. 39. Relationship between Log [catechol-amine-releasing activity (BA)] of TS-Bs and Their Relative Hydrophobicity (log k'). Catecholamine-releasing activity and the k' value were obtained as shown in Fig. 30.



Fig. 40. Current -Voltage (I-V) Curves Induced by 75 nM TS-Bs in Planar Lipid Bilayers. The lipid bilayer membranes were formed from diphytanoylphosphatidylcholine according to the method of Montal and Muellar.⁷⁵⁾ The electrolyte solution was 1M KCl, unbuffered. A triangular voltage wave (100 s / period) was applied to the membranes.

62

TS-Bのカテコールアミンの分泌活性とイオンチャンネル形成活性はともに、分子の脂溶性と一次の相関が認められた。この結果は、カテコールアミン分泌の直接の原因である、細胞内へのCa²⁺流入とイオンチャンネル形成が関連していることを示唆するものである。



Fig. 41. Double-Logarithmic Plots of k' Versus the Conductance (G) of the Membranes at 120 mV with TS-Bs at the Concentration of 50, 75, or 100 nM. The k' values were determined from the retention time of TS-Bs (t) on HPLC using a phenyl column with the mobile phase MeOH-H₂O (85:15) as $k'=(t-t_0)/t_0$, where t_0 is the time for elution of unretained NO³⁻ ion. **.**, TS-B-VIb, •, -VIa, Δ , -V, O, - IIIa, \Box , -Ia.

第2節 Trichosporin-Bのミトコンドリアに対する脱共役活性

Hypelcinおよびalamethicinはラット肝ミトコンドリアに対して脱共役作用を有する⁵⁹⁾(第2章、第7節)。TS-Bもそれらと類似な構造を持つことから、同様に脱共役作用を有することが予測された。

ラット肝ミトコンドリアに対してTS-B-VIbを作用させたところ、その呼吸を促進し、脱共役活性を示した。脱共役剤 2,4-dinitorophenol (2,4-DNP)およびSF6847の 滴定点濃度(それぞれ容量-反応曲線において2900 nMと24 nM)とTS-B-VIbのそ れ(84 nM)との比較から、TS-B-VIbは2,4-DNPの約35倍の活性があり、既知で最強 の脱共役剤であるSF6847と比べても約25%の活性があることがわかった(Fig. 42)。



TS-B-VIbの脱共役活性の特性を調べたところ、以下のような特性を示した。 (1) TS-B-VIbはATPaseの特異的阻害剤であるoligomycinにより抑制されたミトコン ドリアの呼吸を開放した(Fig. 43)。

(2) 無機リン酸を含まない反応液中でTS-B-VIbを作用させ、無機リン酸を加えると ミトコンドリアの呼吸が促進されたが、酢酸やチオシアン酸を加えても活性は促 進しなかった(Fig. 44)。

以上の特性はhypelcinやalamethicinにおいても観測されており、TS-B-VIbの脱共 役作用がこれらのペプタイボールと同様の機構により発現されていることを示唆 している。

他のTS-Bについても脱共役活性を測定し、滴定点濃度を求めた(Table 8)。各TS-Bの滴定点濃度の逆数と保持比k(6-1-3)とを両対数プロットすると一次の相関が得 られた(Fig. 45)。この結果はTS-Bの脱共役活性が、カテコールアミン分泌活性と同 様に、分子の脂溶性に対して正の相関を持つことを示している。



	Concentration (nM)		Concentration (nM)
TS-B-		TS-B-	
Ia	490	IVc	240
IIIa	263	IVd	267
IIIb	312	v	155
IIId	261	VIa	106
IVb	168	VIb	84

Table 8. Concentration of TS-B at Maximum Mitochondrial Respiration.



Fig. 45. Relationship between the log [Reciprocal Concentration] of TS-B at Maximum Respiratory Activity (log BA) and Their Relative Hydrophobicities (log k')

1) Trichosporin (TS) -Bとその誘導体の合成

20残基のペプタイボールTS-B-VIaとTS-B-VIbをフラグメント縮合法を用いて合成した。合成物は天然物と一致した。天然物の合成に用いたフラグメントを活用してTS-B-VIaの誘導体を合成した。合成した天然物と誘導体のアミノ酸配列を下記に示す。

TS-B-VIb	$Ac \circ U \circ A \circ A \circ A \circ U \circ U \circ Q \circ U \circ I \circ U \circ G \circ L \circ U \circ P \circ V \circ U \circ J \circ Q \circ Q \circ Fol$
TS-B-VIa	Ac = U = A = U = A = U = U = U = Q = U = I = U = G = L = U = P = V = U = U = Q = P = I
[Aib ¹⁴] TS-B-VIa	Ac - U - A - U - A - U - U - Q - U - I - U - G - L - U - U - V - U - U - Q - Q - Fo1
des-Aib ^{1, 3} , Ala ^{2, 4} -TS-B-VIa	$Ac \cdot U \cdot U \cdot Q \cdot U \cdot I + U \cdot G \cdot L - U \cdot P \cdot V - U - U \cdot Q \cdot Q \cdot Fo1$
des-Aib ^{1, 3} , Ala ² -TS-B-VIa	Ac - A - U - U - Q - U - I + U - G + L - U - P + V - U + U + Q - Q - Fo1
des-Aib ¹ , Ala ² -TS-B-VIa	Ac - U - A - U - U - Q - U - I - U - G - L - U - P - V - U - U - Q - Q - Fol
des-Aib ¹ -TS-B-VIa	$Ae \cdot A \cdot U \cdot A \cdot U \cdot U \cdot Q \cdot U - I \cdot U \cdot G \cdot L \cdot U \cdot P \cdot V \cdot U - U \cdot Q \cdot Q \cdot Fo1$
Aib-TS-B-VIa	Ac - U - U - A - U - A - U - U - Q - U - I - U - G - L - U - P - V - U - U - Q - Q - Fo1
(Aib) 2-TS-B-VIa	Ac-U-U-V-A-U-A-U-Q-U-I-U-G-L-U-P-V-U-U-Q-Q-Fol
(Aib)3-TS-B-VIa	Ac-U-U-U-U-A-U-A-U-Q-U-I-U-G-L-U-P-V-U-U-Q-Q-Fo1

2) TS-B-VIaとその誘導体の2次構造

TS-B-VIaはそのN-末端が α -helixと310-helixの両方の構造を、3位から12位までは 主に α -helix構造を、13位から20位は主に310-helix構造を有していることをCD、 NMR、を用いて解明した。さらに、TS-B-VIaはPro付近にhelixの折れ曲がりをもつ ことを明らかにした。一方、TS-B-VIaのProをAibで置換した[Aib¹⁴]TS-B-VIaは分子 全体が α -helix構造を取り、直線状であった。N末端側の残基数を変化させた誘導 体のヘリックス含量はいずれもTS-B-VIaのそれに比べて減少した。

3) TS-B-VIaとその誘導体のイオンチャンネル形成特性

TS-B-VIaおよびその誘導体が誘導する膜電流の観測の結果下記のことが明らかになった。

i) TS-B-VIaのPro¹⁴は電圧依存性のイオンチャンネル形成には必須ではないが、 チャンネルの安定性に重要な寄与をしている。

ii) 安定なイオンチャンネルの形成には残基数が20か21に厳密に限定されているが、16から23残基の全ての誘導体にも膜電流を誘導する能力がある。

4) TS-Bのカテコールアミン分泌活性と脱共役活性

TS-Bの脂質二分子膜におけるチャンネル形成能、牛副腎随質細胞からのカテコ ールアミン分泌能、そして、ラット肝ミトコンドリアに対する脱共役活性はとも に、TS-Bの脂溶性の増加に比例して上昇することを明らかにした。この結果は、 TS-Bの生物活性とチャンネル形成活性の発現に、分子の脂溶性が関与した共通の 機構が存在することを示唆している。

謝辞

終わりに臨み、本研究に際して終始ご懇篤なる御指導、御鞭撻を賜りました恩 師、藤多哲朗元京都大学教授(現 摂南大学 教授)に心から感謝の意を表します。

本研究に有益な御指導、御助言を賜りました薬用植物化学講座 富岡清 教授、故 上田伸一助教授、ならびに、同講座 井上謙一郎 助教授(現 岐阜薬科大学教授) に謹んで感謝いたします。

直接の御指導、ご助言を賜りました、薬用植物化学講座助教授 飯田 彰博士に深 く感謝いたします。

カテコールアミン分泌活性試験について御指導いただいた岩手医科大学 立川英 ー 助教授、ならびに、チャンネル電流の測定について御指導いただいた本学化学 研究所 浅見耕司 助教授 に深く感謝いたします。

質量分析測定をしていただいた本学薬学部質量分析室助手 秋元直茂 博士、なら びに、元素分析の労をとられた本学有機微量元素分析総合施設の各氏に感謝いた します。

さらに、実験に協力して頂いた 奥田真弘 博士、神原武志 修士、Neoh Lian-Pin 修士をはじめ薬用植物化学講座の諸氏に合わせて感謝いたします。

実験の部

3章に関する実験

融点はすべて柳本微量融点測定器で測定し未補正値である。旋光度はJASCO DIP-181 digital polarimeter、CDはJASCO J-720 spectropolarimeterを用いて測定した。HPLCには、 Shimadzu LC-6A systemを使用した。EI-MSはJEOL O1-SG、FAB-MSはJEOL HX-110または VG AutoSpec-Tを用いて測定した。FAB-MS測定にはマトリックスとしてglycerol-thioglycerol または*m*-nitrobenzyl alcohol-glycerolを用いた。ESI-MSはAPI-III (Perkin Elmer Sciex)を用いて 測定した。ESI-MS測定においては試料は0.1%TFAを含むCH3CN-H2O(1:1)に溶解しMSに5 µ1/minの流速で導入した。MS/MSにはコリジョンガスとしてArを用いた。NMRの測定に は、JEOL JNM-FX 200 (200 MHz)、Bruker AC-300 (300 MHz)、ならびにAM-600 (600 MHz)スペ クトロメ-タ-を使用した。内部標準として、TMS (tetramethylsilane)を用いた。

薄層クロマトグラフィー(TLC)にはKieselgel 60F 254 (Merck)を用い、以下の溶媒系(v/v)で 展開した。Rf1 CHCl3-MeOH (95:5), Rf2 CHCl3-MeOH (9:1), Rf3 CHCl3-MeOH (8:2), Rf4 CHCl3-MeOH (7:3), Rf5 CHCl3-MeOH-H2O (5:4:1). Rf6 CHCl3-MeOH(6:4)。

シリカゲルカラムクロマトグラフィーとゲルろ過カラムクロマトグラフィーには、それ ぞれSilica gel 60 (70-230 mesh, Merck)とSephadex LH-20 (Pharmacia)を用いた。イオン交換樹 脂は、Amberlite IR-120B、IRA-400、を使用した。

反応後の溶媒の乾燥には、特に記載しない限り無水Na2SO4を用いた。 <縮合反応>

特に記載のないかぎり、縮合反応はDCC-HOBt法を用いて、室温下24-72時間行った。反応 混合物は、DCU (dicyclohexylurea)および溶媒を除去したあと操作A法あるいはB法により精 製した。

操作A法: EtOAcに易溶の保護ペプチドの場合、抽出液を1NHCI、5% NaHCO3、飽和食 塩水で洗浄し、Na2SO4上で乾燥させ濃縮した。

操作 B法: EtOAcに難溶の保護ペプチドの場合、粗生成物をMeOHに溶かし同じ溶媒を溶 離液としてSephadex LH-20を用いてゲル濾過クロマトグラフィーに付した。目的物を含む フラクションを集め濃縮した。

<2-ペプチドメチルエステルのアルカリ加水分解>

Z-ペプチドメチルエステルは特に記載のないかぎり、操作C法によりアルカリ加水分解 した。

操作C法: Z-ペプチドメチルエステルは MeOH 中 35 ℃以下で1 N NaOH (2-3等量)を用い て加水分解した。反応液を1 N HCIで中和、MeOHを除いた後、1 N HCIで pH 3 としEtOAcで 抽出した。抽出液を飽和 食塩水で洗浄し、Na2SO4 上で乾燥させ濃縮した。残渣は通常それ 以上の精製をすることなく次の反応に用いた。

<接触還元>

接触還元は特に記載のないかぎり操作D法を用いた。

操作D法:Z基(benzyloxycarbonyl)は、10% Pd /Cを加え、H2 ガスを導入し除去した。触媒 を除去、瀘液を濃縮して得た残渣は、通常それ以上の精製をすることなく次の反応に用い た。

1. 3-1-2 Trichosporin-B-VIaの合成

A. Fragment [1] とその脱Boc体の合成

Z-Gln-Pheol

Z-Gln-OH (103.8 g, 370 mmol), HOBt (50g, 1当量), DCC (82.5g, 1.1当量), を順次 Pheol (56.0 g, 1 当量)のDMF (11)溶液に加え、室温で36時間撹拌した。DCUを濾過後、反応液を濃縮、エーテル中で残渣を砕き、それを数回飽和NaHCO3に懸濁し吸引濾過してHOBtを除き、水洗し、EtOAc で再結晶した。収量 4.60 g (71%). mp 188-190℃. [*a*]p - 38.2° (c = 1.0,

MeOH). Rf3 0.44. EI-MS m/z: 413 (M⁺), 263 (M⁺-Pheol). Anal. Calcd for C22H27N3O5: C, 63.90; H, 6.58; N, 10.16. Found: C, 63.80; H, 6.54; N, 9.98.

H-Gln-Pheol

Z-Gln-Pheol (42.0 g, 108 mmol)をMeOH (1.2 l)に溶かしD法に従って接触還元した。収量 31.4 g (100%). mp. 130-132℃. Rfs 0.50.

Boc-Gln-Gln-Pheol [1]

Boc-Gln-OSu (18.9 g, 55.0 mmol) を H-Gln-Pheol (15.4 g, 1 当量)の DMF (800 ml) 溶液に加 え、室温で72時間撹拌した。反応液を濃縮、残渣を5% NaHCO3中で砕きろ過し残渣を水で洗 浄後乾燥し、MeOH-EtOAcで再結晶した。 収量 18.8 g (57%). mp 218-221 ℃. Rf3 0.25. ESI-MS m/z: 507 (M+H⁺), 357 (507-H⁺-Pheol), 229 (357-Gln). Anal. Calcd for C24H37N5O7: C, 56.79; H, 7.35; N, 13.80. Found: C, 56.77; H, 7.46; N, 13.91.

H-Gln-Gln-Pheol

Boc-Gln-Gln-Pheol [1] (7.46 g, 14.7 mmol)をanisol (3.7 ml)に懸濁し、TFA (15 ml)を加え、20 min 撹拌した。反応液に無水エ-テルを加え、生じた沈殿物を数回、無水エ-テルを加えて洗 浄した。沈殿物をMeOHに溶かし Amberlite IRA-400で処理した。収量 5.64g (94%). Rfs 0.49.

B. Fragment [2] とその脱メチル体の合成

Z-Aib-Aib-OMe

Z-Aib-OH (59.30 g, 250 mmol)、HOBt (33.80g, 1 当量)、DCC (51.60 g, 1 当量)を順次、 TEA(34.7 ml, 1 当量)を含むHCl・H-Aib-OMe (38.40 g, 1 当量)の EtOAc (30 ml) 溶液に加え22 時間撹した。A法に従って精製し残渣はEtOAc より再結晶した。収量 58.94 g (70%). mp 106-110°C. Rf2 0.56. EI-MS m/z: 336 (M⁺). Anal. Calcd for C17H24N2O5: C, 60.70; H, 7.19; N, 8.33. Found: C, 60.77; H, 7.21; N, 8.19.

HCl · H-Aib-Aib-OMe

Z-Aib-Aib-OMe (35.33 g, 105 mmol) を MeOH (265 ml)に溶かし3N HCl (35 ml, 1 当量)を加 えD法に従って接触還元した。収量 26.0 g (100%). Rfs 0.30.

Z-Val-Aib-Aib-OMe

Z-Val-OH (28.5 g, 113.3 mmol)、HOBt (15.3 g, 1 当量)、DCC (23.4 g, 1 当量)を順次、TEA (15.7 ml, 1 当量)を含むHCl・H-Aib-Aib-OMe (27.1 g, 1 当量)の EtOAc (500 ml) 溶液に加え48 時間撹拌した。A法に従って精製し、残渣はシリカゲルカラムクロマトグラフィ-(CHCl3: MeOH=98:2)に付し、Rf20.58のフラクションを集め減圧濃縮し目的物を得た。収量 40.5 g (82%). mp 111-113℃. [α]p = 4.0° (c = 1.0, MeOH). Rf2 0.58. EI-MS m/z: 435 (M⁺), 418 (M⁺-OCH3), 404 (418-Aib), 319 (404-Aib). *Anal.* Calcd for C22H33N3O6: C, 60.67; H, 7.63; N, 9.64. Found: C, 60.50; H, 7.58; N, 9.50.

HCl · H-Val-Aib-Aib-OMe

Z-Val-Aib-Aib-OMe (45.6 g, 104.6 mmol) を、MeOH (200 ml)に溶かし3N HCl (35 ml, 1 当量) を加え、D法に従って接触還した。収量 32.4 g (96%). Rf3 0.32.

Z-Pro-Val-Aib-Aib-OMe [2]

Z-Pro-OH (23.9 g, 7.34mmol)、HOBt (13.0 g, 1 当量)、DCC (19.7 g, 1 当量)を順次、TEA (12.1 ml, 1 当量)を含むHCl・H-Val-Aib-Aib-OMe (29.5 g, 1 当量)の EtOAc(200 ml)溶液 に加 え24時間撹拌した。A法に従って精製した残渣はシリカゲルカラムクロマトグラフィー (CHCl3:MeOH=9:1)により精製した。収量 40.0 g (86%).mp 56-58℃.[α]D - 45.2° (c = 1.0, MeOH). Rf3 0.55. EI-MS m/z:532 (M⁺), 501 (M⁺-OCH₃), 416 (501-Aib), 331 (416-Aib), 232 (331-Val). Anal. Calcd for C27H40N4O7: C, 60.89; H, 7.57; N, 10.52. Found: C, 60.62; H, 7.70; N, 10.42.

Z-Pro-Val-Aib-Aib-OH

上記保護tetrapeptide [2] (32.8 g, 61.5 mmol)を、MeOH (250 ml)に溶かしC法に従ってアルカリ加水分解した。収量31.4 g (98%). Rf6 0.50.

C. Fragment [3] とその脱Z体の合成

Z-Leu-Aib-OMe

Z-Leu-OH (32g, 120 mmol)、HOBt (16.20 g, 1 当量)、DCC (24.76g, 1 当量)を順次、TEA (16.6 ml, 1 当量)を含む HCl・H-Aib-OMe (18.43g, 1 当量)のEtOAc(320 ml)溶液に加え40時 間撹拌した。A法に従って精製し、残渣はシリカゲルクロマトグラフィー (CHCl₃: MeOH=95:5)に付した。収量40.2g (92%). mp 60-65°C. [α]D - 23.0° (c = 1.0, MeOH). Rfi 0.76. EI-MS m/z: 364 (M⁺). Anal. Calcd for C19H28N2O5: C, 62.62; H, 7.74; N, 7.69. Found: C,

62.74; H, 7.63; N, 7.58.

HCl · H-Leu-Aib-OMe

Z-Leu-Aib-OMe (6.00 g, 16.5 mmol)を、90% aq. MeOH (15 ml)に溶かし1N HCl 16.5ml(1当量)を加えD法に従って接触還元した。触媒を瀘去し 濃縮し塩酸塩を得た。収量 4.23g (97%). Rfs 0.45.

Z-Gly-Leu-Aib-OMe

Z-Gly-OH (16.40 g, 78.5 mmol)、HOBt (10.60g, 1 当量)、DCC (16.20 g, 1 当量)を順次、TEA (10.90ml, 1 当量)を含むHCl・H-Leu-Aib-OMe (20.85 g, 1 当量)の EtOAc (100 ml)溶液 に加え 65時間撹拌した。A法に従って精製し、残渣は EtOAc - n-hexaneから再結晶した。収量 30.5 g (91%). mp 129-132°C. [α] D - 34.0° (c = 1.0, MeOH). Rfi 0.37. EI-MS m/z: 421 (M⁺), 390 (M⁺-OCH₃). Anal. Calcd for C21H31N3O6: C, 59.84; H, 7.41; N, 9.97. Found: C, 59.65; H, 7.50; N, 9.67.

Z-Gly-Leu-Aib-OH

Z-Gly-Leu-Aib-OMe (27.08 g, 64 mmol)を、MeOH (150ml)に溶かしC法に従ってアルカリ加水分解した。残渣はEtOAc-n-hexaneより再結晶した。 収量 20.60 g (79%). mp 150-154℃. Rfs 0.56.

Z-Gly-Leu-Aib-OPac [3]

Z-Gly-Leu-Aib-OH (20.00g, 47mnol) とphenacyl bromide (10.80 g, 1 当量)のDMF (96ml)溶液 にTEA (7.5 ml, 1 当量)を加え24時間撹拌した。反応液を濃縮、残渣をEtOAcで抽出した。 EtOAc層を5% NaHCO3、飽和食塩水で順次洗浄、Na2SO4上で乾燥し濃縮した。残渣はシリカ ゲルクロマトグラフィー(CHCl3: MeOH=98:2)を用いて精製した。収量 21.3g (83%). mp 55-58℃. [α]p = 33.0° (c = 1.0, MeOH). Rfi 0.56. ESI-MS m/z: 526 (M+H⁺). Anal. Calcd for C28H35N3O7 · H2O: C, 61.87; H, 6.86; N, 7.73. Found: C, 61.81; H, 7.01; N, 7.55

HBr · H-Gly-Leu-Aib-OPac

Z-Gly-Leu-Aib-OPac [3] (4.80g, 9.13mmol)のAcOH (10 ml) 溶液に30% HBr /AcOH (40ml)を 加え2時間撹拌した。無水エ-テルを加え、生じた沈殿物を集め、無水エ-テルで洗浄、KOH 上 で乾燥した。収量 3.89 g (90%). Rf4 0.40.

D. Fragment [4] とその脱メチル体の合成

Z-Ile-Aib-OMe

Z-Ile-OH (42.50g, 160mmol)、HOBt (21.60 g, 1 当量)、DCC (33.00 g, 1 当量)を順次、TEA (22.2 ml, 1 当量)を含むHCl・H-Aib-OMe (24.60 g, 1 当量)の EtOAc (250 ml) 溶液に加え40時 間撹拌した。A法に従って精製し、残渣はシリカゲルクロマトグラフィ-(CHCl3: MeOH = 95:5)に付した。収量 47.0 g (81%). mp 83-84℃. [α]p - 22.9° (c = 1.0, MeOH). Rfi 0.57. EI-MS m/z: 364 (M⁺), 333 (M⁺-OCH3), 248 (333-Aib). Anal. Calcd for C19H28N2O5: C, 62.62; H,

7.74; N, 7.69. Found: C, 62.59; H, 7.77; N, 7.41.

HCl · H-Ile-Aib-OMe

Z-Ile-Aib-OMe (20.00 g, 55mmol)を、90% aq. MeOH (130ml)に溶かし1N HCl 54.9ml (1 当量) を加えD法に従って接触還元した。触媒を瀘去、濃縮し塩酸塩をえた。収量15.47 g (100%). Rf3 0.35.

Z-Gln-Aib-OMe

Z-Gln-OH (25.2 g, 90mmol)、HOBt (12.20g, 1 当量)、DCC (18.60 g, 1 当量)を順次、TEA (12.5 ml, 1 当量)を含むHCl・H-Aib-OMe (13.8 g, 1 当量)の DMF (130ml) 溶液に加え44時間 撹拌した。A法に従って精製し、残渣は EtOH より再結晶した。 収量 16.10g (47%). mp135-137℃. [α] D = 16.0° (c = 1.0, MeOH). Rf3 0.55. EI-MS m/z: 379 (M⁺), 348 (M⁺-OCH3), 263 (348-Aib). Anal. Calcd for C18H25N3O6: C, 56.98; H, 6.64; N, 11.08. Found: C, 56.73; H, 6.71; N, 10.83.

Z-Gln-Aib-OH

Z-Gln-Aib-OMe (14.42 g,38 mmol)を、MeOH (110ml)に溶かしC法に従ってアルカリ加水分 解した。収量 13.57g (88%). mp 149-151℃. Rfs 0.18.

Z-Gln-Aib-Ile-Aib-OMe [4]

Z-Gln-Aib-OH (9.50 g, 26.00 mmol)、HOBt (3.51mg, 1 当量)、DCC (5.35g, 1 当量) を順次、 TEA (3.60ml, 1 当量)を含むHCl・H-Ile-Aib-OMe (6.94g, 1 当量)の DMF (80ml)溶液 に加え64 時間撹拌した。DCUを濾去、濾液を濃縮後、残渣をシリカゲルクロマトグラフィー(CHCl3: MeOH = 9:1)付した。収量 13.02 g (87%). mp 90-92°C. [α]p - 17.4° (c = 1.0, MeOH). Rf3 0.46. EI-MS m/z: 577 (M⁺), 546 (M⁺-OCH3), 461 (546-Aib). Anal. Calcd for C28H43N5O8: C,

58.22; H, 7.50; N, 12.12. Found: C, 57.98; H, 7.53; N, 12.32.

Z-Gln-Aib-Ile-Aib-OH

Z-Gln-Aib-Ile-Aib-OMe [4] (1.01 g, 1.75 mmol)を、MeOH (10ml)に溶かしC法に従ってアルカリ加水分解した。収量7.58 g (60%). mp. 110-112℃. Rfs 0.56

E. Fragment [5] とその脱メチル体の合成

Z-Ala-Aib-Aib-OMe

Z-Ala-OH (11.20g, 50.3 mmol)、HOBt (6.80g, 1 当量)、DCC (10.38 g, 1 当量)を順次、TEA (7.0ml, 1 当量)を含むHCl・H-Aib-Aib-OMe (12.00 g, 1 当量)の EtOAc (130 ml) 溶液に加え24 時間撹拌した。A法に従って精製し残渣はEtOAc より再結晶した。収量 18.57g (91%). mp 118-121℃. [α] D - 8.1° (c = 1.0, MeOH). Rfs 0.62. ESI-MS m/z: 408 (M+H⁺). Anal. Calcd for C20H29N3O6: C, 58.95; H, 7.17; N, 10.31. Found: C, 59.20; H, 7.33; N, 10.16.

H-Ala-Aib-Aib-OMe

Z-Ala-Aib-Aib-OMe (17.94 g, 44.0mmol) を、10滴のAcOHを含む 90% MeOH (122 ml)に溶か

ш

しD法に従って接触還元した。収量 12.14g(100%). Rfs0.48.

Z-Ala-Aib-OMe 重强 氟双副 1(当量体影量)(I·H-A)(A)(2.38g,1)()の Z-Ala-OH年3.48 g, 15.5 mm創産と DCC (320巻, TEA (2.15 m). DMF (250 m) こ加え24時間 TARKE MILTA RA 0.54 CHCla: MeOB クションを築取減圧濃新問題なロップ浅劇残種「Z-AI系展目標を得た、調整 3.6日の特徴。)、 $[a]_{\rm D} = 30.3^{\circ}$ (c = 1.0, MeOH), R.39534, (Et-MS)(m/z) = 22.0 (M3) = 290 (WE) = 206 (291-。る下行敵さ位日立にあの厄臨の豆大昭文、幻爆宝のこ.2 Aib). 。5 * 本郷や人封のこ、お砂一の務義际쵉び1 は員会けし興口会部山土学学大都京の来勤」 順付 Z-Ala-Aib-OH Z-Ala-Aib-OMe (9.45 g, 29.3-hilling) 保证器4号键的下在罗集面分列随时在分解记忆器器子AB-O读 经减导 た。このジペプチドは EtOAc-n-hexane混合溶媒により再結晶した。収量 7.60 g(84%), mp 181。4832 0864 1441 業事益公る た 育 多 始目の 炒藤 コ 始目の 人 おのこ 、 プ 村 受 多 恒 新 の 五 大 瑞 文 、 C Z-Ala-Alb-Ala-Alb-Alb-OMe 。いならなおれれなり受き回報 (2) A版Aib-OH 科·印刷 (2) 20 finds 的, CHOB的 (402m) F 医量少 老明文直到 670洲 枪, (1) 当量 F は親埃 TEA.(0.45, ml,1当量) 在念证HCL; H-Ala-Aib-Aib-OMe (100, 音流 えた。72時間後、溶液はA法に従って精製し、得られた残渣をBintorの原産運貨費 た。収量 1.31 g (72 %). mp. 220 = 221 °C, [g] $= -24^{\circ}$, (c= 1.0, MeQH), Rf2.0 563 (M+), 447 (M+ - Aib-OCH3), 362 (44)((A)(b), 28 + (44)(34)(2)(2)(6)(291) and 201) A rest (Called for の内理平指会のろ)金人計。いならなおけけな村受き臨軍の豆大路文、C・4、発き共離の会議でもは会事 届27时间NSD8:7C,57154世球(0月8月7N,12.42,目前的中华;1577,92;0日,732,0月中24352.黄生车站 H-Ala-Aib-Ala-Aib-Aib-OMe °947 上記の保護ペンタペプチド (1.60 g, 3.72 mmol) を MeOH (40 ml) 中D法に後い議態還元し、 69.14多見意の事 **类LE**儀 安全市理学会事題、「加藤な見会、「前沿開西手指会毎、自義子支加 て得た。Ac-Aib-OH (150-mg, 1.03 報用司法與東歐特139州臺灣。對臺美大部的自己和#2、州委丁、墨臺小、安備美生美型對米級教養的形式的是AGE-O%在# (44)mg。1 当量)》到ME/研如的溶液体加充的就排露在1948年間依可从 溶媒を減差すまとみと。。残渣はMeohiぞ溶解しがAmberlief表-126を 液素均の変色処理でたき溶媒 を報法し残渣はMECH4をエルタテ引导によ海理時品しまたが報知量要150mを業73年160月前1月1日-176℃、 な実調でにより労難の会事更、お金肤さらの適関本基、J野管や見会、お童貨の人主のこ 条65幕 [α]D+6.2° (c=0.3, MeOH). Rfi Q.46-ESTMS m/2:557 (A+H):525 (557, OCH3 H), 440 (525 - Aib), 355 (440 - Aib), 284 (355 - Ala), 199 (28年 4 函图表128 (1991本)), 284 (act for C23H44N6O8-2H2Q-C* 53.08: H28.02: N-14.86 Found: C. 53 13: H28.09 Ac-Aib-Ala-Aib-Ala-Aib-Aib2OH動2の実相由配むよは適相本基、フセ化多適資の人法のこ1 条25業 上記の保護へキサペプチド (49.6 mg, 0.089 mmol) をC法に従いアルカゲが 反応溶液はAmberlite IR-120で中和した。溶媒を留去し、目的物を得たbrill是46.9 mg (95 %). mp 210-212 °C. Rfs 0.73.

F. Position 14-20のFragment合成

Z-Pro-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol [Position 14-20]

Z-Pro-Val-Aib-Aib-OH (6.85 g, 13.2 mmol)、HOBt (1.78 g, 1 当量)、DCC (2.72 g, 1 当量)を順 次、H-Gln-Gln-Pheol (A) (5.38 g, 1 当量)のDMF (80 ml)溶液に加え24時間撹拌した。B法に 従って精製し、濃縮残渣11.5 gを得た。これを、シリカゲルクロマトグラフィー(CHCl3: MeOH = 9:1) に付し、TLC上R f = 0.28のフラクションを集た。収量 9.10 g (76 %). mp 111-115℃. [α] p-36.1° (c=1.0, MeOH). R f 3 0.33. FAB-MS m/z: 908 (M+H⁺), 629 (908-H-Pheol-Gln), 501 (629-Gln), 416 (501-Aib), 331 (416-Aib), 232 (331-Val). *Anal.* Calcd for C45H65N9O11-H2O: C, 58.36; H, 7.29; N, 13.61. Found: C, 58.13; H, 7.30; N, 13.33.

H-Pro-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol

Z-Pro-Val-Aib-Iva-Gln-Gln-Pheol (707 mg, 0.78 mmol)を、MeOH (8 ml)に溶かしD法に従い接触還元した。収量 565 mg (94%). Rfs 0.35.

G. Position 7-13のFragment合成

Z-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-OPac

Z-Gln-Aib-Ile-Aib-OH (D) (4.65 g, 8.25 mmol), HOBt (mg, 1 当量)、DCC (1.12 g, 1 当量)を 順次、TEA (1.14 ml, 1,当量)を含むHBr・H-Gly-Leu-Aib-OPac (C) (3.89 g, 1 当量)のEtOAc (56 ml) 溶液に加え36時間撹拌した。A法に従って精製し、残渣はシリカゲルクロマトグラフィ - (CHCl3: MeOH=9:1)に付した。収量 2.98 g (48%).[α]D-10.2° (c=1.0, MeOH). mp 105-107℃. Rf3 0.41. FABMS m/z:937 (M+H⁺), 801 (937-H-OPac), 716 (801-Aib), 603 (716-Leu), 546 (603-Gly), 461 (546-Aib), 348 (461-Ile), 263 (348-Aib). *Anal.* Calcd for C47H68N8O12·H2O: C, 59.10; H, 7.39; N, 11.73. Found: C, 58.90; H, 7.18; N, 11.40.

Z-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-OH

上記保護 ヘプタペプチド (position 7-13) (2.04 g, 2.18mmol)の90% AcOH (62 ml)溶液に、Zn 末(6.2 g)を加え、0℃で1時間、室温で2時間撹拌した。Zn末を瀘去、瀘液を濃縮後、残渣を5% citric acidに溶かしEtOAcで抽出した。EtOAc層を飽和食塩水で洗浄、Na2SO4上で乾燥させ濃 縮した。収量1.93 g (91%). mp 145-148℃. Rf3 0.22.

H. Position 7-20のFragment合成

Z-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Pro-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol [Posiiton 7-20]

上記 ヘプタペプチド酸(positions 7-13) (82 mg, 0.10mmol)、HOBt (13.5mg, 1 当量)、DCC (20.60 mg, 1 当量)を順次、脱保護 heptapeptide (positions 14-20) (F) (79 mg, 1 当量)の DMF (1.5 ml) 溶液に加え72時間撹拌した。B法に従って精製し、残渣はシリカゲルクロマトグラ フィ-(CH2Cl2: MeOH=8:2)に付した。収量 88.7mg (56%). mp 148-149 °C. [α]p-12.3° (c=0.1, MeOH). Rf4 0.64. FAB-MS m/z: 1574 (M+H+), 1295 (1574-H-Pheol-Gln), 1167 (1295-Gln),

1082 (1167-Aib), 997 (1082-Aib). Calcd for C76H119N17O19 · H2O: C, 56.67; H, 7.70; N, 14.78 Found: C, 56.80; H, 7.50; N, 14.91.

H-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Pro-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol

上記テトラデカペプチド [Posiiton 7-20] (75.5mg, 47.5 µ mol)を、MeOH (2.5 ml)に溶かし D 法に従って接触還元した。収量 70.4 mg (91%). Rfs 0.83.

I.Trichosporin-B-VIaの合成

Ac-Aib-Ala-Aib-Ala-Aib-Aib-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Pro-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol [trichosporin-B-VIa]

Ac-Aib-Ala-Aib-Ala-Aib-Aib-OH (1 - 6位) (46.0 mg, 1.5 当量), HOBt (11.5 mg, 1.5 当量) と DCC (17.5 mg, 1.5 当量) は順次 H-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Pro-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol (Position 7 - 20) (82.2 mg, 56.5 mmol) の DMF (1.2 ml) 溶液に加え撹拌した。反応溶液は48 時間後B法に従い処理した。残渣 (70.0 mg) は分取 HPLC [conditions: mobile phase, MeOH-H2O (85:15, v/v); flow rate, 7 ml/min; detection, UV (220 nm); column, YMC S-5 120A ODS (20 mm i.d. x 250 mm); column temperature, 40℃] により精製し trichosporin B-VIaを得た。収量 37.7 mg (34%), mp 232-234℃ (nat. 239-242℃⁴⁾), [*α*]D-16.0° (c=0.2, MeOH), Rf4 0.36, ESI-MS:983 (M+2H²⁺), 655 (M+3H³⁺). Amino acid ratios (6 N HCl, 24 h): observed (calcd); Glu 3.10 (3), Ala 1.94 (2), Val 0.99 (1), Gly 1.00 (1), Ile 0.94 (1), Leu 0.99 (1) and Pro 0.93 (1). HR-FABMS, Calcd for C92H153N23O24Na: 1987.136. Found: 1987.148.

2. Trichosporin-B-VIbの合成

J. Fragment [2'] とその脱メチル体の合成

Z-Aib-Iva-OMe

Z-Aib-OH (53.60 g, 226mmol)、HOBt (30.53 g, 1 当量)、DCC (46.63g, 1 当量)を順次、TEA (31.30 ml, 1 当量)を含むHCI・H-Iva-OMe (37.88 g, 1 当量)の EtOAc (350 ml)溶液に加え48時 間撹拌した。A法に従って精製し、残渣はシリカゲルカラムクロマトグラフィー(CHCl3: MeOH = 95:5)に付し、TLCでRf2=0.62のフラクションを集め、減圧濃縮しシロップ状の残 渣 27.37g (36%)を得た。Rf2 0.62. EI-MS m/z: 350 (M⁺), 251 (M⁺-Iva), 192(251-COOCH3). *Anal.* Calcd for C18H26N2O5: C, 61.70; H, 7.48; N, 7.99. Found: C, 61.54; H, 7.65; N, 7.84. ¹H-NMR (200MHz, CDCl3) δ7.4-7.3 (5H, m, φ), δ7.06 (1H, s, Iva-NH), δ5.49(1H, s, Aib-NH), δ5.09(2H, s, φCH2), δ3.73(3H, s, -OMe), δ2.35-2.15(1H, m, Iva βCH2), δ1.90-1.70(1H, m, Iva βCH2), δ1.53(9H, s,), δ0.75(3H, t, *J*=7.3Hz, Iva-γCH3)

HCl · H-Aib-Iva-OMe

Z-Aib-Iva-OMe (1.00 g, 2.90mmol)を、90% aq. MeOH (15 ml)、1N HCl(2.9ml, 1当量)を加え、 D法に従って接触還元した。触媒をろ去、濃縮し塩酸塩を得た。収量 721 mg (98%). Rf2 0.30.

Z-Val-Aib-Iva-OMe

Z-Val-OH (5.58 g, 22.2 mmol)、HOBt (3.00 g, 1 当量)、DCC (4.58 g, 1 当量)を順次、TEA (3.10 ml, 1 当量)を含むHCl・H-Aib-Aib-OMe (5.61g, 1 当量)の EtOAc(20 ml) 溶液に加え48時 間撹拌した。A法に従って精製し、残渣はシリカゲルカラムクロマトグラフィ-(CHCl3: MeOH=98:2)に付し、R£ 0.41のフラクションを集め減圧濃縮しシロップ状の残渣を得た。 収量 8.95g (71%). R£ 0.54. EI-MS m/z: 449 (M⁺), 418 (M⁺-OCH₃), 319 (418-Aib), 291 (390-Val), *Anal.* Calcd for C23H35N3O6: C, 61.45; H, 7.85; N, 9.35. Found: C, 61.35; H, 7.81; N, 9.23. ¹H-NMR (200Mz,CDCl₃) δ 7.5-7.3 (5H, m, ϕ), δ 7.07 (1H, s, Iva-NH), δ 6.58(1H, d, *J*=8.6Hz, Val-NH), δ 5.12(2H, s, ϕ -CH2), δ 3.90(1H, dd, *J*=6.1, 8.0, Val- α CH), δ 2.3-2.0 (2H, m, Iva- β CH2), δ 2.0-1.7 (1H, m, Val- β CH), δ 1.55 (3H, s, Iva or Aib- β CH3), δ 1.54 (3H, s, Iva- γ CH3).

H-Val-Aib-Iva-OMe

Z-Val-Aib-Iva-OMe (3.55g, 7.90mmol) を、90%MeOH (14 ml)に溶かしD法に従って接触還 元しシロップ状生成物を得た。収量 2.32 g (93%). Rf 2 0.34.

Z-Pro-Val-Aib-Iva-OMe [2']

Z-Pro-OH (2.32g, 7.34mmol)、HOBt (0.99 g, 1 当量)、DCC (1.52g, 1 当量)を順次、H-Val-Aib-Iva-OMe (2.32g, 1 当量)の EtOAc(24 ml)溶液 に加え40時間撹拌した。A法に従って精製した 残渣はシリカゲルカラムクロマトグラフィー(CHCl3: MeOH=9:1)に付しシロップ状の残 渣を得た。収量 3.28 g (82%); Rf 2 0.42; El-MS m/z: 546 (M+), 515 (M+-OCH3), 416 (515-Iva), 331 (416-Aib), 232 (331-Val). Anal. Calcd for C28H42N4O7 · 1/2H2O: C, 60.63; H, 7.63; N, 10.10. Found: C, 60.78; H, 7.84; N, 9.93.

Z-Pro-Val-Aib-Iva-OH

上記保護tetrapeptide [2] (3.00 g, 5.66 mmol)を、MeOH (25ml)に溶かしC法に従ってアルカリ加水分解した。収量2.35g (78%); Rfs 0.62.

K. Position 14-20の合成

Z-Pro-Val-Aib-Iva-Gln-Gln-Pheol [Position 14-20]

Z-Pro-Val-Aib-Iva-OH (2.35 g, 4.41 mmol)、HOBt (596mg, 1 当量)、DCC (910 mg, 1 当量)を 順次、H-Gln-Gln-Pheol (A) (1.80 g, 1 当量)のDMF (15 ml)溶液 に加え48時間撹拌した。B法に 従って精製し、濃縮残渣6.42g を得た。これを、ゲル濾過(20 ¢×1230 mm)に付し(B法)、メタ ノールで溶出し255~300mlのフラクションを集め、濃縮残渣2.77gを得た。これを、シリカゲ ルクロマトグラフィー(CHCl₃: MeOH = 9:1) に付し、TLC上Rf3 = 0.28のフラクションを集 めた。収量1.74 g(43%). mp 114-116°C. Rf3 0.28. FAB-MS m/z: 921 (M+H⁺), 643 (921-Pheol-Gln-H), 515 (643-Gln), 416 (515-Aib), 331 (416-Iva), 232 (331-Val). *Anal.* Calcd for C46H67N9O11·H2O: C, 63.06; H, 7.94; N, 14.39. Found: C, 62.88; H, 8.02; N, 14.21.

H-Pro-Val-Aib-Iva-Gln-Gln-Pheol

Z-Pro-Val-Aib-Iva-Gln-Gln-Pheol (100 mg, 0.109 mmol)を、MeOH (1.5 ml)に溶かしD法に従って接触還元した。収量 90 mg (100%). Rfs 0.38.

L. Position 7-20の合成

Z-GIn-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Pro-Val-Aib-Iva-GIn-GIn-Pheol [Position 7-20] Z-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-OH (G) (82 mg, 0.10mmol)、HOBt (13.5mg, 1 当量)、DCC (20.60 mg, 1 当量)を順次、H-Pro-Val-Aib-Iva-Gln-Gln-Pheol (K) (79 mg, 1 当量)の DMF (1.5 ml) に加 え72時間撹拌した。B法に従って精製し、残渣はシリカゲルクロマトグラフィー(CH₂Cl₂: MeOH=8:2)に付した。 収量 88.7mg (56%). mp 148-149 ℃. Rf 4 0.64. FAB-MS m/z : 1593 (M+H⁺), 1309 (1593-Pheol-Gln-H), 1181 (1309-Gln), 1082 (1181-Iva), 997 (1082-Aib), Anal. Calcd for C77H121N17O19 · H₂O: C, 57.55; H, 7.72; N, 14.81. Found: C, 57.40; H, 7.83; N,.15.02.

H-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Pro-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol

上記テトラデカペプチド (75.5mg, 47.5 µ mol)を、MeOH (2.5 ml)に溶かし D法に従って接 触還元した。収量 70.4 mg (91%). Rfs 0.83.

M. Trichosporin-B-VIbの合成

Ac-Aib-Ala-Ala-Ala-Aib-Aib-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Pro-Val-Aib-Iva-Gln-Gln-Pheol [trichosporin-B-VIb]

Ac-Aib-Ala-Ala-Ala-Aib-Aib-OH⁶⁵⁾ (442mg, 2 当量)、HOBt (113 mg, 2 当量)、DCC (172 mg, 2 当量)を順次、H-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Pro-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol (L) (608 mg, 35.3 μ mol)の DMF (5 ml) に加え48時間撹拌した。B法に従って精製し、残渣 (715 mg)は分取 HPLCに付した。[分取条件: mobile phase, CH₃CN-H₂O (6:4, v/v); flow rate, 7 ml/min; detection, UV (220 nm); column, YMC S-5 120A ODS (20 mm i. d. ×250 mm); column temperature, 40°C].

Trichosporin B-VIb: 収量 222 mg (27 %). mp 238-239 °C. [α]_D-14.08° (c = 1.0, MeOH). R*f* 4 0.47. ESI-MS : 983 (M+2H²⁺), 656 (M+3H³⁺). Amino acid ratios (6N HCl, 24 h): Glu 2.65 (3), Ala 2.83 (3), Val 0.91 (1), Gly 1.00 (1), Ile 0.85 (1), Leu 0.93 (1) and Pro 1.06 (1).

[17-L-Iva] trichosporin B-VIb: 収量134 mg(16%). mp. 243-245℃. [α]D-18.54° (c = 1.2,

MeOH). ESI-MS : 983 (M+2H²⁺), 656 (M+3H³⁺). Rf 4 0.47. Amino acid ratios (6N HCl, 24 h): Glu 2.85 (3), Ala 2.33 (3), Val 0.91 (1), Gly 1.00 (1), Ile 0.90 (1), Leu 0.96 (1) and Pro 0.99 (1).

3. [Aib¹⁴]Trichosporin-B-VIaの合成

N. Fragment [2"] とその脱Pac体の合成

Z-Val-Aib-Aib-OH

Z-Val-Aib-Aib-OMe (B) (3.0 g, 7.12 mmol) を MeOH (70 ml) に溶解し、C法に従いアルカリ 加水分解し、Z-Val-Aib-Aib-OHを得た。収量 3.0 g (99%), mp 91-93°C. Rfs 0.24.

Z-Val-Aib-Aib-OPac

上記のトリペプチド酸 (800 mg, 1.90 mmol) とphenacyl bromide (415 mg, 1.1 当量)を TEA (0.29 ml, 1.1 当量)を含む DMF (4 ml)溶解し撹拌する。 12時間後、溶媒を減圧濃縮し、残 渣をEtOAcに溶解し、この溶液を5% NaHCO3 と飽和食塩水で洗浄した。溶液はNa2SO4で 乾燥後濃縮し 残渣 894 mg を得た。 残渣はシリカゲルクロマトグラフィー (CHCl3: MeOH = 95:5) で精製し、テトラペプチドフェナシルエステルを得た。 収量 662 mg (65%). mp 51 - 53 °C. [α] D +5.5° (c=0.4, MeOH). *Rf* 1 0.29. ESI-MS *m/z*: 540 (M + H⁺); 404 (M + H⁺ - OPac); 319 (404 - Aib); 234 (319 - Aib). *Anal*. Calcd for C29H37N3O7: C, 64.55; H, 6.91; N, 7.79. Found: C, 64.48; H, 7.12; N, 8.02.

HBr H-Val-Aib-Aib-OPac

Z-Val-Aib-Aib-OPac (300 mg, 0.556 mmol) を 30% HBr / AcOH (2 ml) で処理した。1.5 時間 後、dry ether を加え、その結果得られた結晶を吸引ろ過し集めた。結晶はdry ether 洗浄し NaOH存在下、減圧で乾燥し、HBr·H-Val-Aib-Aib-OPacを得た。 収量 256 mg (95%). *Rf* 4 0.60.

Z-Aib-Val-Aib-Aib-OPac [2"]

Z-Aib-OH (126 mg, 0.530 mmol), HOBt (72 mg, 1 当量), と DCC (109 mg, 1 当量) を HBr·H-Val-Aib-Aib-OPac (250 mg, 1 当量) の TEA (7.3 μl, 1 当量) を含む DMF溶液に撹拌下加えた。 48 時間後、溶液はA法に従い処理した。残渣はシリカゲルクロマトグラフィー(CHCl3: MeOH = 95:5)で精製し、テトラペプチドフェナシルエステルを得た。収量 209 mg (63 %). mp 44 - 46 °C. [α]_D +3.1°(c=0.3, MeOH). *Rf* 2 0.39. ESI-MS *m*/*z*: 625 (M + H⁺); 489 (M + H⁺ -OPac); 404 (489 - Aib); 319 (404 - Aib). *Anal*. Calcd for C33H44N4O8 · 1/2 H2O: C, 62.54 H, 7.16 N, 8.84. Found: C, 62.28; H, 7.23; N, 8.93.

Z-Aib-Val-Aib-Aib-OH

上記のテトラペプチド [2''] (160 mg, 0.256 mmol) は 90% AcOH (5 ml)に溶解し、氷冷下 Zn粉 (0.5 g) を加えた。溶液は氷冷下1時間撹拌し、更に室温で2時間撹拌した。Zn粉を

濾過し、溶媒を留去した。残渣に5%クエン酸を加え、水層は EtOAcで抽出した。抽出液は飽和食塩水で洗浄後Na2SO4上で乾燥し溶媒留去した。
 残渣はMeOHとetherで再結晶し、
 目的のテトラペプチド酸を得た。
 収量 92 mg (79%). mp 85 - 89 °C. Rf4 = 0.46.

O. Position 14-20の合成

Z-Aib-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol

上記のテトラペプチド酸 (N) (90 mg, 0.178 mmol), HOBt (24 mg, 1 当量), DCC (37 mg, 1 当量) を順次 H-Gln-Gln-Pheol (A) (73 mg, 1 当量) の DMF溶液に撹拌下加えた。12 時間後、 溶液は B法に従い処理した。 濃縮残渣はMeOH と etherから再結晶し目的のヘプタペプチド を得た。収量 125 mg (78%). mp 112 - 113°C. [α] - 18.0°(c=0.3, MeOH). *Rf*4 0.64. FAB-MS *m/z*: 896 (M + H⁺), 745 (M + H⁺ - Pheol - H), 489 (745 - Gln - Gln), 404 (489 - Aib), 220 (404 -Aib - Val). *Anal*. Calcd for: C44H65N9O11 · 1/2 H2O: C,58.39; H, 7.35; N, 13.93. Found: C, 58.40; H, 7.29; N, 13.72.

H-Aib-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol

上記のヘプタペプチド (92 mg, 0.103 mmol) を MeOH 中D法に従い接触還元し、目的物 を得た。収量 71 mg (90 %). Rf 5 0.58.

P. Position 14-20の合成

Z-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Aib-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol

Z-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-OH [3] (G) (76 mg, 0.093 mmol), HOBt (14 mg, 1.1 当量), DCC (21 mg, 1.1 当量) は順次H-Aib-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol (70 mg, 1 当量)のDMF溶液に 加えた。24 時間後、溶液はB法に従い精製し、残渣はMeOH と ether で再結晶した。収量 58 mg (40%). mp 145 - 147°C. [α]p -23.8°(c=0.8, MeOH). *Rf*4 0.54. FAB-MS *m/z*: 1562 (M + H⁺), 1411 (1562- Pheol - H), 1155 (1411 - Gln - Gln), 1070 (1155 - Aib), 985 (1070 - Aib), 886 (985 - Val), 801 (886 - Aib), 716 (801 - Aib), 603 (716 - Leu), 546 (603 - Gly), 461 (546 - Aib), 348 (461 - Ile). *Anal*.. Calcd for C75H119N17O19· H2O: C, 56.98; H, 7.71; N, 15.06;. Found: C, 56.64; H, 7.48; N, 15.23.

H-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Aib-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol

上記のテトラデカペプチド(33 mg, 0.021 mmol)をMeOHに溶解し、D法に従い接触還元した。収量 28 mg (93 %). Rfs 0.58.

Q. [Aib14] Trichosporin B-VIaの合成

Ac-Aib-Ala-Aib-Ala-Aib-Aib-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Aib-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol ([Aib¹⁴]trichosporin-B-VIa])

Ac-Aib-Ala-Aib-Ala-Aib-OH (E) (16 mg, 0.03 mmol), HOBt (4 mg, 1.5 当量), DCC (6.2

mg, 1.5 当量) を順次 H-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Aib-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol (P) (28 mg, 0.02 mmol) の DMF溶液に加えた。48 時間後 溶液はB法に従い処理した。 残渣(30 mg) はHPLC [conditions: mobile phase, MeOH - H2O (87:13, v / v); flow rate, 7 ml/min detector, UV (220 nm); column, YMC S-5 120A ODS (20 mm i. d. x 250 mm); column temperature, 40°C]により精製した。 収量 13 mg (33 %). mp 257 - 260 °C. $[\alpha]_D$ -24.2° (c=0.2, MeOH). amino acid ratios (6 N HCl, 24 h): observed (calcd); Gly 1.0 (1); Gln 3.0 (3); Ala 2.0 (2); Val 0.94 (1); Ile 0.94 (1); Leu 0.99 (1). FAB-MS: (see Fig. 11). HR-FABMS, Calcd for C91H154N23O24: 1953.154. Found: 1953.152.

4. [+3]trichosporin-B-VIaの合成

Z-Aib-Aib-Aib-OMe

Z-Aib-OH (1.40 g, 5.9 mmol), HOBt (877 mg, l.1 当量)とDCC (1.34 g, l.1 当量)は順次 TEA (0.82 ml, 1.1 当量)を含むHCl·H-Aib-Aib-OMe (B) (1.41 g, 1 当量)のDMF (15 ml)溶液に加えた。12 時間後、溶液はA法に従って精製し、得られた残渣をEtOAcより再結晶した。収量 1.26 g (50%). mp 147 - 149℃. Rf2 0.35. ESI-MSMS m/z: 421 (M + H⁺), 305 (M + H⁺ - Aib-OMe - H). *Anal.* Calcd for C21H31N3O6: C, 59.84; H, 7.41; N, 9.97. Found: C, 59.84; H, 7.41; N, 9.97.

H-Aib-Aib-Aib-OMe

上記のトリペプチド (400 mg, 0.95 mmol) を MeOH 中D法に従い接触還元し、目的物を 得た。収量 271 mg (94%). Rf 5 0.57.

Ac-Aib-Aib-Aib-OMe

H-Aib-Aib-Aib-OMe (245 mg, 0.85 mmol)に無水酢酸(1ml)とピリジン(1ml)を加え、放置した。3時間後溶液に氷を加え、留去した。残渣をEtOAcより再結晶した。収量 258 mg (92%). mp 183 - 185 ℃. Rf2 0.40. ESI-MSMS m/z: 329 (M + H⁺), 213 (M + H⁺ - Aib-OMe - H). *Anal.* Calcd for C15H27N3O5: C, 54.70; H, 8.26; N, 12.76. Found: C, 54.63; H, 8.14; N, 12.62. **Ac-Aib-Aib-OH**

Ac-Aib-Aib-OMe (214 mg, 0.65 mmol) を MeOH (6.5 ml) に溶解し、アルカリ加水分解 した。反応溶液はAmberlite IR-120で中和した。収量 91 mg (93%). Rfs 0.44.

Z-Aib-Ala-Aib-Ala-Aib-OMe

H-Ala-Aib-Ala-Aib-Aib-OMe (E) (200 mg, 0.47 mmol)のDMF溶液に、Z-Aib-OH (121 mg, 1.1 当量), HOBt (69 mg, 1.1 当量) と DCC (105 mg, 1.1 当量) を順次加え12 時間撹拌した。溶媒 留去後、残渣をMeOHに溶かし、その溶液を強塩基性陽イオン交換樹脂IRA-400で処理し た。溶媒を留去し、残渣をシリカゲルクロマトグラフィー(CHCl3: H2O = 98:2)で精製し た。収量 208 mg (69%). mp 86 - 89℃. Rf2 0.37. ESI-MSMS m/z: 649 (M+ H⁺), 532 (M + H⁺ - Aib-OMe - H), 447 (532 - Aib), 376 (447 - Ala). Anal. Calcd for

C31H48N6O9-1/2H2O: C, 56.61; H, 7.51; N, 12.78. Found: C, 56.65; H, 7.54; N, 12.93.

H-Aib-Ala-Aib-Ala-Aib-OMe

上記のヘキサペプチド (441 mg, 0.68 mmol) を MeOH 中D法に従い接触還元し、目的物を 得た。収量 307 mg (99%). Rf 5 0.46.

Ac-Aib-Aib-Aib-Aib-Ala-Aib-Ala-Aib-Aib-OMe [Position 1-9]

H-Aib-Ala-Aib-Ala-Aib-Aib-OMe (60 mg, 0.12 mmol)のDMF溶液に、Ac-Aib-Aib-Aib-OH (40 mg, 1.1 当量), HOBt (17 mg, 1.1 当量) と DCC (27 mg, 1.1 当量) を順次加え48 時間撹拌した。 溶媒留去後、残渣をMeOHに溶かし、その溶液をIRA-400で処理した。溶媒を留去し、残 渣をシリカゲルクロマトグラフィー(CHCl3:H2O=9:1)で精製した。収量 58 mg (61 %). mp 285 - 286 °C. Rf3 0.42. ESI-MSMS m/z: 812 (M + H⁺), 695 (M + H⁺ - Aib-OMe - H), 610 (695 - Aib), 539 (610 - Ala), 454 (539 - Aib), 383 (454 - Ala). *Anal.* Calcd for C37H65N9O11: C, 54.73; H, 8.07; N, 15.52. Found: C, 54.71; H, 8.11; N, 15.43.

Ac-Aib-Aib-Aib-Aib-Ala-Aib-Ala-Aib-OH

上記のナノペプチド(30 mg, 33 µ mol) を MeOH (0.46 ml) に溶解し、アルカリ加水分解 た。反応溶液はAmberlite IR-120で中和した。収量 28 mg (97%). Rfs 0.38.

Ac-Aib-Aib-Aib-Aib-Ala-Aib-Ala-Aib-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Aib-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol ([+3]trichosporin-B-VIa)

H-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Pro-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol (H) (33 mg, 23 μ mol)の DMF溶液に、Ac-Aib-Aib-Aib-Aib-Ala-Aib-Ala-Aib-Aib-OH (28 mg, 1.4 当量), HOBt (4.4 mg, 1.4 当量), DCC (6.7 mg, 1.4 当量)を順次加えた。48 時間後溶液はB法に従い処理した。 残渣(32 mg) はHPLC [conditions: mobile phase, MeOH - H2O (88:12, v / v); flow rate, 7 ml/min detector, UV (220 nm); column, YMC S-5 120A ODS (20 mm i. d. x 250 mm); column temperature, 40°C]により精製した。収量 23 mg (45%), mp 277 - 278 °C, Rf4 0.69, amino acid ratios (6 N HCl, 24 h): observed (calcd); Gly 1.0 (1); Gln 2.80 (3); Ala 1.74 (2); Val 0.93 (1); Ile 0.90 (1); Leu 0.94 (1); Pro 0.90 (1). ESI-MS: 741 ([M + 3H]³⁺), 1111 ([M + 2H]²⁺). HR-FABMS, Calcd for C104H175N26O27: 2220.312. Found: 2220.317.

5. [+2]trichosporin-B-VIaの合成

Ac-Aib-Aib-Aib-Ala-Aib-Ala-Aib-Aib-OMe

H-Ala-Aib-Ala-Aib-Aib-OMe (E) (124 mg, 0.29 mmol)のDMF溶液に、Ac-Aib-Aib-Aib-OH (91 mg, 1 当量), HOBt (39 mg, 1 当量) と DCC (60 mg, 1 当量) を順次加え12 時間撹拌した。溶媒 留去後、残渣をEtOAcで洗浄し、溶媒を留去し、残渣をシリカゲルクロマトグラフィー

(CHCl3:H2O=9:1)で精製した。収量 102 mg (48%). mp 289 - 291 °C. Rf3 0.42. ESI-MSMS m/z:727 (M + H⁺), 610 (M + H⁺ - Aib-OMe - H), 525 (610 - Aib), 454 (525 - Ala), 369 (454 - Aib), 298 (369 - Ala). Anal. Calcd for C33H58N8O10:C, 54.53; H, 8.04; N, 15.42. Found: C, 54.41; H, 7.81; N, 15.37.

Ac-Aib-Aib-Aib-Ala-Aib-Ala-Aib-OH

上記のオクタペプチド(68 mg, 95 µ mol) を MeOH - CHCl3 (95:5), (0.4 ml) に溶解し、ア ルカリ加水分解した。反応溶液はAmberlite IR-120で中和した。溶媒留去後得られた結晶は EtOAcで再結晶した。収量 45 mg (67%). *Rfs* 0.40.

Ac-Aib-Aib-Aib-Ala-Aib-Aib-Aib-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Aib-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol [[+2]trichosporin-B-VIa]

H-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Pro-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol (H) (37 mg, 26 µ mol)の DMF 溶液に、Ac-Aib-Aib-Aib-Ala-Aib-Ala-Aib-OH (28 mg, 1.5 当量), HOBt (5.2 mg, 1.5 当量), DCC (8.0 mg, 1.5 当量)を順次加えた。36時間後溶液はB法に従い処理した。残渣(32 mg) はHPLC [conditions: mobile phase, MeOH - H2O (88:12, v / v); flow rate, 7 ml/min detector, UV (220 nm); column, YMC S-5 120A ODS (20 mm i. d. x 250 mm); column temperature, 40°C]によ り精製した。収量 21 mg (38 %), mp 267 - 269 °C, Rf4 0.49, amino acid ratios (6 N HCl, 24 h): observed (calcd); Gly 1.0 (1); Gln 3.11 (3); Ala 1.90 (2); Val 0.97 (1); Ile 0.98 (1); Leu 0.97 (1); Pro 1.08 (1). ESI-MS: 712 ([M + 3H]³⁺), 1068 ([M + 2H]²⁺). HR-FABMS, Calcd for C100H168N25O26: 2135.259. Found: 2135.266.

6. [+1]trichosporin-B-VIaの合成

Ac-Aib-Aib-Ala-Aib-Ala-Aib-OMe

H-Aib-Ala-Aib-Ala-Aib-Aib-OMe (307 mg, 0.60 mmol)のDMF(5 ml)溶液に、Ac-Aib-OH (87 mg, 1 当量), HOBt (81 mg, 1 当量) と DCC (123 mg, 1 当量) を順次加え48 時間撹拌した。溶 媒留去後、残渣をIRA-400とIRA-120で処理した。溶媒を留去し、残渣をシリカゲルクロマ トグラフィー(CHCl3:H2O=9:1)で精製した。収量 224 mg (48%). mp 276 - 278℃. Rfs 0.52. ESI-MSMS m/z:642 (M + H⁺), 525 (M + H⁺ - Aib-OMe - H), 440 (525 - Aib), 369 (440 -Ala), 284 (369 - Aib), 213 (284 - Ala). *Anal.* Calcd for C29H51N7O9: C, 54.28; H, 8.01; N, 15.28. Found: C, 54.11; H, 7.90; N, 15.49.

Ac-Aib-Aib-Ala-Aib-Ala-Aib-OH

上記のヘプタペプチド(60 mg, 93 µ mol)を MeOH (1 ml) に溶解し、アルカリ加水分解した。反応溶液はAmberlite IR-120で中和した。収量 57 mg (97%). Rfs 0.36.

Ac-Aib-Aib-Ala-Aib-Ala-Aib-Aib-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Aib-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol [[+1]trichosporin-B-VIa]

H-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Pro-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol (H) (52 mg, 36 µ mol)の DMF 溶液に、Ac-Aib-Aib-Ala-Aib-Ala-Aib-Aib-OH (34 mg, 1.5 当量), HOBt (7.3 mg, 1.5 当量), DCC (11 mg, 1.5 当量)を順次加えた。48 時間後溶液はB法に従い処理した。残渣(50 mg) は HPLC [conditions: mobile phase, MeOH - H2O (88:12, v / v); flow rate, 7 ml/min detector, UV (220 nm); column, YMC S-5 120A ODS (20 mm i. d. x 250 mm); column temperature, 40°C]により精製 した。収量 27 mg (37 %). mp 252 - 254 °C. Rf4 0.51. amino acid ratios (6 N HCl, 24 h): observed (calcd); Gly 1.0 (1); Gln 2.89 (3); Ala 1.88 (2); Val 0.96 (1); Ile 0.96 (1); Leu 0.97 (1); Pro 0.95 (1). ESI-MS: 684 ([M + 3H]³⁺), 1025 ([M + 2H]²⁺). HR-FABMS, Calcd for C96H161N24O25: 2050.206. Found: 2050.201.

7. [-1]trichosporin-B-VIaの合成

Ac-Ala-Aib-Ala-Aib-Aib-OMe

H-Ala-Aib-Ala-Aib-Aib-OMe (E) (100 mg, 0.23 mmol)に無水酢酸(0.5 ml)とピリジン(0.2ml) を加え、放置した。3時間後溶液に氷を加え、溶媒を減圧留去した。残渣をシリカゲルク ロマトグラフィー(CHCl3:H2O=9:1)で精製した。収量 87 mg (79%). mp 216 - 219 ℃. Rfs 0.41. ESI-MSMS m/z: 472 (M+H⁺), 355 (M + H⁺ - Aib-OMe - H), 270 (355 - Aib), 199 (270 -Ala). *Anal.* Calcd for C21H37N5O7: C, 53.49; H, 7.91; N, 14.85. Found: C, 53.41; H, 8.07; N, 14.66.

Ac-Ala-Aib-Ala-Aib-Aib-OH

上記のペンタペプチド(243 mg, 515 µ mol) を MeOH (3 ml) に溶解し、アルカリ加水分解 した。反応溶液はAmberlite IR-120で中和した。収量 230 mg (97%). Rfs 0.37.

Ac-Ala-Aib-Ala-Aib-Aib-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Aib-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol [[-1]trichosporin-B-VIa]

H-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Pro-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol (H) (80 mg, 56 µ mol)の DMF 溶液に、上記のAc-Ala-Aib-Ala-Aib-Aib-OH (51 mg, 2 当量), HOBt (15 mg, 2 当量), DCC (23 mg, 2 当量)を順次加えた。64 時間後 溶液はB法に従い処理した。残渣(66 mg) はHPLC [conditions: mobile phase, MeOH - H2O (85:15, v / v); flow rate, 7 ml/min detector, UV (220 nm); column, YMC S-5 120A ODS (20 mm i. d. x 250 mm); column temperature, 40°C]により精製した。 収量 42 mg (39 %). mp 238 - 240 °C. Rf4 0.55. amino acid ratios (6 N HCl, 24 h): observed (calcd); Gly 1.0 (1); Gln 3.10 (3); Ala 1.80 (2); Val 0.94 (1); Ile 0.92 (1); Leu 0.98 (1); Pro 1.30 (1). ESI-MS: 627 ([M + 3H]³⁺), 940 ([M + 2H]²⁺). HR-FABMS, Calcd for C88H147N22O23: 1880.101. Found: 1880.095.

8. [-2]trichosporin-B-VIaの合成

Ac-Aib-Ala-Aib-Aib-OMe

H-Ala-Aib-Aib-OMe (E) (400 mg, 1.46 mmol)のDMF(5 ml)溶液に、Ac-Aib-OH (21 mg, 1 当 量), HOBt (217 mg, 1.1 当量) と DCC (331 mg, 1.1 当量) を順次加え24 時間撹拌した。溶媒留 去後、残渣をEtOAcで再結晶した。収量 512 mg (87%). mp 185 - 187 ℃. Rf3 0.61. ESI-MSMS m/z:401 (M + H⁺), 284 (M + H⁺ - Aib-OMe - H), 199 (525 - Aib). *Anal.* Calcd for C18H32N4O6: C, 53.99; H, 8.05; N, 13.99. Found: C, 53.94; H, 7.86; N, 13.90. **Ac-Aib-Ala-Aib-OH**

上記のテトラペプチド(400 mg, 1.0 mmol) を MeOH (6 ml) に溶解し、アルカリ加水分解 した。反応溶液はAmberlite IR-120で中和した。収量 344 mg (93%). Rfs 0.36. Ac-Aib-Ala-Aib-Aib-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Aib-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol [[-2]trichosporin-B-VIa]

H-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Pro-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol (H) (70 mg, 49 µ mol)の DMF(1 ml)溶液に、上記のAc-Aib-Ala-Aib-Aib-OH (39 mg, 2 当量), HOBt (13 mg, 2 当量), DCC (20 mg, 2 当量)を順次加えた。72 時間後溶液はB法に従い処理した。残渣(55 mg) は HPLC [conditions: mobile phase, MeOH - H2O (83:17, v / v); flow rate, 7 ml/min detector, UV (220 nm); column, YMC S-5 120A ODS (20 mm i. d. x 250 mm); column temperature, 40°C]により精製 した。収量 31 mg (35 %). mp 224 - 226 °C. Rf4 0.43. amino acid ratios (6 N HCl, 24 h): observed (calcd); Gly 1.0 (1); Gln 3.21 (3); Ala 0.98 (1); Val 0.94 (1); Ile 0.94 (1); Leu 0.98 (1); Pro 1.31 (1). ESI-MS: 603 ([M + 3H]³⁺), 905 ([M + 2H]²⁺). HR-FABMS, Calcd for C85H142N21O22: 1809.064. Found: 1809.055.

9. [-3]trichosporin-B-VIaの合成

Ac-Ala-Aib-Aib-OMe

H-Ala-Aib-Aib-OMe (E) (200 mg, 0.73 mmol)に無水酢酸(1.5 ml)とピリジン(1.5 ml)を加え、 放置した。3時間後溶液に氷を加え、溶媒を減圧留去した。残渣をシリカゲルクロマトグ ラフィー(CHCl3:H2O=9:1)で精製した。収量 133 mg (58%). mp 95 - 97 ℃. Rf3 0.54. ESI-MSMS m/z: 316 (M + H⁺). 199 (M + H⁺ - Aib-OMe - H). 114 (199 - Aib). Anal. Calcd for C14H25N3O5: C, 53.32; H, 7.99; N, 13.32. Found: C, 52.93; H, 8.23; N, 13.21. Ac-Ala-Aib-Aib-OH

上記のトリペプチド(100 mg, 0.32 mmol) を MeOH (1.9 ml) に溶解し、1N NaOH (0.63 ml, 2当量)を加え室温でアルカリ加水分解した。反応溶液はAmberlite IR-120で中和した。収量 93 mg (97%). *Rfs* 0.29.

4章に関する実験

Ac-Ala-Aib-Aib-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Aib-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol [[-3]trichosporin-B-VIa]

H-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Pro-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Gln-Pheol (H) (70 mg, 49 µ mol)の DMF(0.6 ml)溶液に、上記のAc-Ala-Aib-Aib-OH (25 mg, 2 当量), HOBt (13 mg, 2 当量), DCC (20 mg, 2 当量)を順次加えた。24 時間後溶液はB法に従い処理した。残渣はHPLC [conditions: mobile phase, MeOH - H2O (82:18, v / v); flow rate, 7 ml/min detector, UV (220 nm); column, YMC S-5 120A ODS (20 mm i. d. x 250 mm); column temperature, 40°C]により精製した。 収量 46 mg (53 %), mp 224 - 228 °C, Rf4 0.42, amino acid ratios (6 N HCl, 24 h): observed (calcd); Gly 1.0 (1); Gln 3.20 (3); Ala 0.99 (1); Val 0.94 (1); Ile 0.94 (1); Leu 0.95 (1); Pro 1.20 (1). ESI-MS: 575 ([M + 3H]³⁺), 862 ([M + 2H]²⁺). HR-FABMS, Calcd for C81H135N20O21: 1724.011. Found: 1724.014.

10. [-4]trichosporin-B-VIaの合成

Ac-Aib-Aib-OMe

H-Aib-Aib-OMe (B) (200 mg, 0.99 mmol)に無水酢酸(1 ml)とピリジン(1 ml)を加え、放置した。3時間後溶液に氷を加え、溶媒を減圧留去した。残渣をシリカゲルクロマトグラフィー(CHCl3:H2O=9:1)で精製した。収量 188 mg (78%). mp 99 - 103 °C. Rf2 0.31. ESI-MSMS m/z: 245 (M + H⁺), 128 (M + H⁺ - Aib-OMe - H). *Anal.* Calcd for C11H20N2O4: C, 54.08; H, 8.25; N, 11.47. Found: C, 54.05; H, 8.23; N, 13.53.

Ac-Aib-Aib-OH

上記のジペプチド(97 mg, 0.4 mmol) を MeOH (2.4 ml) に溶解し、1N NaOH (0.8 ml, 2当量) を加え室温でアルカリ加水分解した。反応溶液はAmberlite IR-120で中和した。収量 82 mg (89%). *Rfs* 0.32.

Ac-Aib-Aib-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Aib-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol

[-4]trichosporin-B-VIa]

H-Gln-Aib-Ile-Aib-Gly-Leu-Aib-Pro-Val-Aib-Aib-Gln-Gln-Pheol (H) (55 mg, 38 µ mol)の DMF(0.6 ml)溶液に、上記のAc-Aib-Aib-OH (18 mg, 2 当量), HOBt (10 mg, 2 当量), DCC (16 mg, 2 当量)を順次加えた。24 時間後溶液はB法に従い処理した。残渣はHPLC [conditions: mobile phase, MeOH - H2O (80:20, v / v); flow rate, 7 ml/min detector, UV (220 nm); column, YMC S-5 120A ODS (20 mm i. d. x 250 mm); column temperature, 40°C]により精製した。 収量 28 mg (45%). mp 213- 218°C. Rf4 0.42. amino acid ratios (6 N HCl, 24 h): observed (calcd); Gly 1.0 (1); Gln 2.9 (3); Val 0.93 (1); Ile 0.93 (1); Leu 0.95 (1); Pro 1.22 (1). ESI-MS: 552 ([M + 3H]³⁺), 827 ([M + 2H]²⁺). HR-FABMS, Calcd for C78H130N19O20: 1652.974. Found: 1652.976. CD 測定は 23 °C で JASCO J-720 スペクトロメーターを用い、セルは光路長 1 mm のも のを用いた。NMR 測定に用いた試料はCD3OHに溶解した。内部標準としてTMS を用いた。 すべての¹H-NMR スペクトルは Bruker AM-600 (600 MHz) スペクトロメーターを用いて測 定した。測定にはBruker標準プログラムを用いた。DQF-COSY スペクトルメーターを用いて測 定した。測定にはBruker標準プログラムを用いた。DQF-COSY スペクトル は位相検波方 式で測定し、常時、溶媒の OH共鳴は選択的に照射し飽和させた。マトリックスの大きさ は 512の n-値 に対して 2048 のデータポイントをとった。そして各 n に対して 32 回の積 算を行った。NOESYスペクトルも位相検波方式で測定した。検出時間以外は溶媒の OH 共鳴は選択的に照射し飽和させた。マトリックスは 512の n-値 に対して 2048 のデータポ イントをとった。そして各 n に対して 64 回の積算を行った。DQF-COSY と NOESYのデ ータマトリックスの n と n 方向に対する window 関数は スクエアサインベル 関数を用い た。スペクトル幅 6000 Hz、緩和時間は 2.4 sに設定した。NOESY 測定の混合時間は 300 ms に設定し 10%の random variationをつけた。スペクトルは対称化していない。

巨視的な電流ー電圧特性の測定

脂質溶液としてlecithin: cholesterol (4:1)の1% n-decane溶液を調整した。この脂質溶液を 側面に lmmの小孔を持つ円筒形のテフロン製ポットに前塗りした。このポットをバスに入 れ1M KCl電解液でバスとポット内部を満たした。小孔に脂質溶液を小筆で塗付し、脂質 2分子膜を形成した。バスの電解質の方にペプチド試料のエタノール溶液を加えた。電極 はAg/AgCl電極を用いた。電流-電圧特性は膜間に0.01 Hzの三角波の交流電圧をKIKUSUI MODEL 459 Function Generator を用いて加た。その時の膜電流を試料を加えた電解質側が 正の電圧となるようにして記録した。記録はTEAC DR-F2a Digital Recorderを用いた。

シングルチャンネルレベルの実験

脂質溶液としてdiphytanoylphosphatidylcholine (Avanti Polar Lipids)のhexane溶液(10 mg/ml) を用いた。厚さ25 µmのテフロンシートに針で約100µmの小孔をあけ、その小孔に0.5% hexadecane in hexaneを前塗りした。このテフロンシートを2つのハーフセルはさみ、小孔 でのみつながった2つのコンパートメントを作った。この2つのコンパートメントにシー トの小孔よりも液面が下になるように1M KCl水溶液を少量加えた。それぞれの液面に脂 質溶液を2µ1ずつを加え、液面に脂質の単分子膜を形成した。コンパートメントの液面よ り下からシリンジで1M KCl水溶液を加えることにより、液面を片方ずつ上げて、単分子 膜を小孔上で張り合わせ、2分子膜を形成した⁷⁵⁾。膜形成後、一方のコンパートメント にペプチドのエタノール溶液を加え、マグネティクスタラーで撹拌し均一となった後に、 膜間に直流電圧を加え、そのときの膜電流を測定した。膜電流の記録は巨視的な電流一電 圧特性の測定と同様の方法で行った。

第1節

牛副腎随質細胞の調整

副腎周囲の脂肪を除いた後、灌流をするために、皮質部に剃刀で10数条の切れ目をいれた。静脈より、Ca²⁺を含まないRinger A^{a)}で37℃、10 min 灌流した。灌流後、皮質部を取り除き、スライサーを用いて、できるだけ薄い随質切片を作成した。切片は氷冷した Ringer A に集めた。集めた切片はRinger A で 3 回洗った。断片をフラスコへ移し、Ca²⁺. free digestion-medium Ringer (Ringer B^b) 液15 mlを加え、酸素気流下 37℃で15 min、振とう した(Predigestion)。振とう後、フラスコの内容物をナイロンストッキング2枚を重ねた細 胞ろ過器で濾過した。ろ液は捨て、ストッキング上に残った未消化の断片を再び、フラス コに入れ、そこに新しいRinger Bを45 ml 加えた。40 min 酸素気流下、振とうした(1st degestion)。振とう後、濾過し、濾液を遠心管に集めた。未消化の断片はフラスコに入れ、 Ca²⁺を含むdigestion-medium Ringer (Ringer C^c)液40 mlを加え、酸素気流下37℃で40 min、 振とうした(2nd degestion)。振とう後、濾過し、残渣をRinger A で洗った。1st degestionと 2nd degestionで得られたろ液をあわせ、遠心管に集めた。集められた細胞浮遊液を冷却遠 心器を用いて、100 rpm、2 ℃ で2min 遠心した。上澄みは捨て、沈渣の細胞にRinger Aを40 ml加えた。ピペッティングを繰り返し、細胞を浮遊させ、再び遠心した。この操作を 2 回 繰り返した。最後にCa²⁺を含むRinger D^d)に細胞を浮遊させ、遠心し細胞を集めた。

^{a)} Ringer A: Ca²⁺(-) KRP (2.4 l); 154 mM NaCl (21.6 g), 5.6 mM KCl, 1.6 mM MgSO4, 10 mM Glucose (4.32 g), 3 mM Na-P buffer (pH 7.4) (0.3 M, 24 ml).
^{b)} Ringer B: Ringer A 170 ml にBSA 850 mg溶解し, その中の60 mlにコラゲナーゼ32 mg, トリ プシンインヒビター 4 mg を溶解させる。
^{c)} Ringer C: Ringer B に2.2 mMのCaCl2を加える。

^{d)} Ringer D: Ringer A に2.2 mMのCaCl2を加える。

細胞培養

以下は無菌操作で行った。分離直後の細胞を10倍濃度の抗生物質を含む培養液^{e)}を加え、 ピペッティングを約20回行い、1200 rps で2min 遠心した。上澄みを捨て、通常の培養液 で同様の操作を3回繰り返した。沈渣に培養液を加え1~2×10⁶ cell/mlになるように調整 した(ストライザー板を用いて細胞数を数える)。細胞浮遊液を4mlずつ直径5.5 cmのシ ャーレに入れ、細胞が均一に広がるように、dishを上下左右に動かした。この細胞を炭酸 ガスインキュベーターで4日間培養した。培養液は毎日交換した。

e) 培養液: イーグルMEM(日水) 9.4 gに蒸留水を加え、11にする。121℃で15 min 高圧滅 菌する。室温に戻し、7% NaHCO3でpH 7.3にする。Gln 292 mg, ファンギソン(三共) 0.3 γ/ml, ストレプトマイシン100 µg/ml, ペニシリン100 units/ml を加える。

反応と定量

培養細胞をKRH buffer^①で2回洗い、37℃で10 minプレインキュベートした。培養細胞 に反応液(検体のメタノール溶液を加えたKRH buffer)を1 ml加え、37℃で5~10 minイ ンキュベートする。インキュベート後反応液のみをを試験管中の0.5N過塩素酸水溶液に あける。この溶液を3000rpmで遠心し変性したタンパク質を除いた。上澄みを12.5% Al2SO4, 2M Tris-HCl Buffer (pH 7.8)1 ml の溶液にあけ、激しく撹拌した。氷冷下、5N NaOH 600µ1を加え直ちに激しく撹拌した。3000 rpmで10 min遠心した。上澄みを捨て、 沈渣を1M H3PO4 2.5 ml に溶解した。この溶液に4M 酢酸ナトリウムを加え撹拌後、3000 rpmで10 min遠心した。この上澄み1 ml に蒸留水 0.5 ml を混合後、エチレンジアミン0.25 ml を加え、50℃で 60 min インキュベートする。この溶液の蛍光光度を励起波長420 nmで 測定する蛍光波長はアドレナリンとノルアドレナリンの蛍光強度が一致する波長を選ぶ。 蛍光光度の測定にはHITACHI 650-10s蛍光光度計を用いた。活性は10%細胞内総カテコー ルアミンの蛍光強度との比較により行った。活性の基準となる10%細胞内総カテコー ルアミン量は以下のように測定した:培養細胞の入ったdishの一つに 0.4N 過塩素酸1 ml を加 えた。細胞をゴムベラでつぶし、その溶液から100µ1を0.5N過塩素酸水溶液に加えた。 この溶液を検体溶液と同様に処理した。

^{f)} KRH buffer: 125 mM NaCl, 4.8 mM KCl, 2.6 mM CaCl2, 1.2 mM MgSO4, 25 mM HEPESに30 min O2 を吹き込んだものに10 mM Glucose (4.32 g), 3 mM Na-P buffer (pH 7.4) (0.3 M, 24 ml).を加えたもの。

第2節

ラット肝ミトコンドリアの調整

ラット肝ミトコンドリアはD.K.Mayerらの方法で単離した⁸²⁾。ミトコンドリア中のタンパ クはビュレット法を用いて定量した。

脱共役活性の測定

脱共役活性の測定には、Clark酸素電極を用いた。ラット肝ミトコンドリアは25℃, pH 7.4

の200 mM sucrose, 2 mM MgCl₂, 1 mM EDTA, 10 mM リン酸カリウムを含む水溶液に懸濁させた。呼吸基質であるロテノン(3μ g)と10 mM コハク酸を含む溶液に、ミトコンドリアの 懸濁液(0.7 mg protein/ml)と試料のEtOH溶液を順次添加し測定した。反応溶液の総量は 2.53 ml、酸素消費量はnatoms oxygen/min/mg mitochondrial protein で示した。リン酸の影 響を調べる試験においては、リン酸緩衝液の代わりにTris-Cl bufferを用いた。

論文目録

本研究の内容は以下の論文に発表した。

Fungal Metabolites. XVII. Synthesis and NMR Study of Ion Channel-Forming Peptides, Trichosporin B-VIa and Its Derivative

Chemical & Pharmaceutical Bulletin, 42, 1258-1263 (1994).

Fungal Metabolites. Part XX. Effect of Proline Residue on the Structure of Ion-Channel-Forming Peptide, Trichosporin B-VIa

Chemical & Pharmaceutical Bulletin, 43, 1119-1124 (1995)

Roles of Prorine Residue in Peptaibol, Trichosporin B-VIa, for Its Channel-Forming-Property and Catecholamine-Releasing-Activity

Biochimica et Biophysica Acta, in press.

Effect of Lipophilicity of Trichosporin-Bs on Ion-Channel Formation and Catecholamine-Releasing Activity

Biological & Pharmaceutical Bulletin, 18, 640-642 (1995).

Ion-Channel-Forming and Catecholamine-Releasing Activities of Elongated and Truncated Analogues of Trichosporin-B

Journal of the Chemical Society, Chemical Communications, 1995, 2203-2204 (1995).

Fungal Metabolites. X. The Effect of Peptide Antibiotics, Trichosporin-Bs, on the Respiratory Activity of Mitochondria

Biological & Pharmaceutical Bulletin, 17, 482-485 (1994).

- 引用文献
- a) Noda M., Shimizu S, Tanabe T, Takai, T, Kayano T, Ikeda T., Takahaslli H., Nakayama H., Kanaoka Y, Minamino J.N, Kangawa K, Matsuo H., Rsftery M A., Hirose T., Inayama S., Hayashida H., Miyata T., Numa S., Neture, 312, 121-127 (1984). b) Noda M., Ikeda T., Kayano T., Suzuki H., Takeshima H., Kurasaki M., Takahashi H., Numa S., Nature, 320, 188-192 (1986). c) Kayano, T., Noda M, Flockerzi V., Takahashi H., Numa S., FEBS Lett., 228, 187-194 (1988).d) Trimmer J S. Cooperman S.S., Tomiko S.S., Zhou J., Crean S.M., Boyle M.B., Kallen R.G., Sheng Z., Barchi R.L., Sigworth F.J., Goodman R.H., Agnew W.S., Mandel G., Neuron, 3, 33-49 (1989). a) Tempel B.L., Papazian D.M., Schwarz T.L., Jan Y.N., Jan L.Y., Science, 237, 770-775 2) (1987). b) Tempel B.L., Jan Y.N., Jan L.Y., Nature, 332, 837-839 (1988) a) Mori Y., Friedrich T., Kim M.-S., Mikami A., Nakai J., Ruth P., Bosse E., Hofmann F., 3) Flockerzi V., Furuichi T., Mikoshiba K., Imoto K., Tanabe T., Numa, S., Nature, 350, 398-402 (1991). a) Melittin: Habermann E., Science, 177, 314-322 (1972); Tosteson M.T., Tosteson D.C., 4) Biophys. J., 36, 109-116 (1981). b) Bombolitin: Argiolas A., Pisano J.J., J. Biol. Chem., 260, 1437-1444 (1985). c) Mastoparan: Hirai Y., Yasuhara T., Yoshida H., Nakajima T., Fujino M., Kitada C., Chem. Pharm. Bull., 27, 1942-1944 (1979). d)Magainin: Zasloff M., Proc. Natl. Acad. Sci. USA., 84, 5449-5453 (1987). e) Pardaxin: Primor N., Zlotkin E., Toxicon, 19, 573-578 (1975); Lazarovici P., Primor N., Loew L.M., J. Biol. Chem., 261, 16704-16713 (1986). f) Cecropin: Boman H.G., Faye I., Hofsten V.P., Kockum K., Lee J.Y., Xanthopoulos K.G., Dev. Comp. Immunol., 9, 551-558 (1985); Christensen B., Fink J., Merrifield R.B., Mauzerall D., Proc. Natl. Acad. Sci. USA., 85, 5072-5076 (1988). g) Gramicidin: Sarges R., Witkop B., J. Am. Chem. Soc., 87, 2011-2020 (1965). h) d-Toxin (haemolysin): Fitton J.E., Dell A., Shaw W.V., FEBS Lett., 115, 209-215 (1980).Brückner H., Przybylski M., J. Chromatogr., 296, 263 - 275 (1984). 5) 6) a) Fujita T., Iida A., Uesato S., Takaishi Y., Shingu T., Saito M., Morita M., J. Antibiot., 41, 814-818 (1988). b) Iida A., Okuda M., Uesato S., Takaishi Y., Shingu T., Morita M., Fujita T., J. Chem. Soc., Perkin Trans. 1, 1990, 3249-3255. c) Iida J., Iida A., Takahashi Y., Takaishi Y., Nagaoka Y., Fujita T., J. Chem. Soc., Perkin Trans. 1, 1993, 357-365. Eur. J. Biochem., 138, 5 (1984); ibid, 138, 9 (1984). 7) a) Fujita T., Takaishi Y., Shiromoto T., J. Chem. Soc. Chem. Commun., 1979, 413-414. b) Fujita T., Takaishi Y., Moritoki H., Ogawa T., Tokimoto K., Chem Pharm. Bull., 32, 1822-1828 (1984). c) Matsuura K., Yesilada A., Iida A., Takaishi Y., Kanai M., Fujita T., J. Chem. Soc., Perkin Trans. 1, 1993, 381-387. d) Matsuura K., Shima O., Takeda Y., Takaishi Y., Nagaoka Y., Fujita T., Chem. Pharm. Bull., 42 (5), 1063-1069 (1994). e) Matsuura K., Yesilada A., Iida A., Nagaoka Y., Takaishi Y., Fujita T., Chem. Pharm. Bull., 41 (11), 1063-1069 (1994). 9) a) Meyer C.E., Reusser F., Experientia, 23, 85-86 (1967). b)Pandey R.C., Cook J.C., Jr., Reinhart K. L., Jr., J. Am. Chem. Soc., 99, 8469-8483

(1977).

- a) Jung G., König W.A., Leibfritz D., Ooka T., Janko K., Boheim G., Biochim. Biophys. Acta., 433, 164-181 (1976).
 - b) Katz E., Aydin M., Lucht N., Konig W.A., Ooka T., Jung G., Liebigs Ann. Chem., 1041-1062 (1985).
- Rebuffat S., Conraux L., Massias M., Aubin-Guette C., Bodo B., Int. J. Peptide Protein Res., 41, 74-84 (1993).
- Brükner H., Reinecke C., Kripp T., Kieb M., Proceedings of the Fourth International Mycological Congress, 224 (1990).
- 13) Brükner H., Przybylski M., Chromatographia, 19, 188-199 (1984).
- 14) Wada S., Nishimura T., Iida A., Toyama N., Fujita T., *Tetrahedron Lett.*, 35, 3095-3098 (1994).
- 15) Huang Q., Tezuka Y., Kikuchi T., Nishi A., Tubaki K., Tanaka K., *Chem. Pharm. Bull.*, **43** 223-229 (1995).
- 16) a) Bodo B., Rebuffat S., Hajji M.E., Davoust D., J. Am. Chem. Soc., 107, 6011 6017 (1985).
 - b) El Hajji M., Rebuffat S., Lecommandeur D., Bodo B., Int. J. Pepide Protein Res., 29, 207-215 (1987).
 - c) Rebuffat S., Hajji M. E., Hennig P., Davoust D., Bodo B., Int. J. Pepide Protein Res., 34, 200-210 (1989).
- 17) Rebuffat S., Prigent Y., Auvin-Guette C., Bodo B., Eur. J. Biochem, 201, 661-674 (1991).
- Auvin-Guette C., Rebuffat S., Vuidepot I., Massias M., Bodo B., J. Chem. Soc. Perkin Trans. 1, 249-255 (1993).
- a) Grigoriev P., Schlegel R., Dornberger K., Gräfe U., Biochim. Biophys. Acta, 1237, 1-5 (1995).

b) Dornberger K., Ihn W., Ritzau M., Gräfe U, Schlegel B., Fleck W.F., J. Antibiot., 48, 977-989 (1995).

20) a) Brükner H., König W.A., Greiner M., Jung G., Angew. Chem. Int. Ed. Engl., 18, 476-477 (1979).

b) Irmscher G., Bovermann G., Boheim G., Jung G., Biochim. Biophys. Acta, 507, 470-484 (1978).

- Iida A., Sanekata M., Fujita T., Tanaka H., Enoki A., Fuse G., Kanai M., Rudewicz P.J., Tachikawa E., Chem. Pharm. Bull., 42, 1070-1075 (1994).
- 22) Reinhart K.L., Jr., Gaudioso L.A., Moore M.L., Pandey R.C., Cook J.C., Jr., Barber M., Sedgwick R.D., Bordoli R,S., Tyler A.N., Green B.N., J. Am. Chem. Soc., 103, 6517-6520 (1981).
- 23) a) Pandey R.C., Meng H., Cook J.C., Jr., Reinhart K.L., Jr., J. Am. Chem. Soc., 99, 5203-5205 (1977).
 - b) Pandey R.C., Cook J.C., Jr., Reinhart K.L., Jr., J. Antibiot., 31, 241-243 (1978).
- 24) a) Pandey R.C., Cook J.C., Jr., Reinhart K.L., Jr., J. Am. Chem. Soc., 99, 5205-5206 (1977).
 - b) Reinhart K.L., Jr., Gaudioso L.A., Moore M.L., Pandey R.C., Cook J.C., Jr., Barber M., Sedgwick R.D., Bordoli R.S., Tyler A.N., Green B.N., J. Am. Chem. Soc., 103, 6517-6520 (1981).
- 25) Rebuffat S., Gouland C., Bodo B., J. Chem. Soc., Perkin Trans. 1, 1995, 1849-1855.
- 26) Iida A., Sanekata M., Wada S., Fujita T., Tanaka H., Enoki A., Fuse G., Kanai M., Asami K, Chem. Pharm. Bull., 43, 392-397 (1995).
- 27) Wada S., Iida A., Akimoto N., Kanai M., Toyama N., Fujita T., Chem. Pharm. Bull., 43, 910-915 (1995).
- 28) Auvin-Guette C., Rebuffat S., Prigent Y., Bodo B., J. Am. Chem. Soc., 114, 2170 (1992).

- 29) a) Fujita T., Takaishi Y., Okamura A., J. Chem. Soc., Chem. Commun., 585-587 (1981).
 b) 三原, 飯田, 秋元, 藤多, 高石, 井上, 久志, 第 36 回天然有機化合物討論会講演 要旨集 (広島), 713-720 (1994).
- 30) a) Isogai A., Suzuki A., Higashikawa S., Komiyama S., Tamura S., Agric. Biol. Chem., 44, 3029-3031 and 3033-3035 (1980).
 - b) Sato M., Beppu T., Arima K., ibid., 44, 3037-3040 (1980).
 - c) Mori Y., Tsuda M., Suzuki M., Fukushima K., Arai T., J. Chem. Soc. Chem. Comm., 1982, 94-98.
- Gupta S., Krasnoff S.B., Roberts D.W., Renwick J.A.A., J. Am. Chem. Soc., 113, 707-709,(1991).
- 32) Kumazawa S., Kanda M., Aoyama H., Utagawa M., Kondo J., Sakamoto S., Ohtani H., Miyakawa T., Chiga I., Hayase T., Hino T., Takao T., Shimonishi Y., J. Antibiot., 47, 1136-1144 (1994).
- 33) 生稲,嶋崎,矢野,好田,斎藤,第36回天然有機化合物討論会講演要旨集(広島), 792-798 (1994).
- 34) Burgess A.W., Leach S.J., Biopolymers, 12, 2599-2605 (1973).
- 35) a)Karle I.L., Balaram P., *Biochemistry*, 29, 6747-6756 (1990).
 b)Toniolo C., Benedotti E., *Trends.Bioehem. Sei.*, 16, 350 353 (1991).
- 36) Fox R.O., Jr., Richards F.M., Nature (London), 300, 325-330 (1982).
- 37) Esposito G., Carver J.A., Boyd J., Campbell I.D., Biochemistry, 26: 1043-1050 (1987).
- 38) Iida A., Uesato S., Shingu T., Nagaoka Y., Kuroda Y., Fujita T., J. Chem. Soc., Perkin Trans. 1, 1993, 375-379.
- Rebuffat S., Conraux L., Massias M., Aubin-Guette C., Bodo B., Int. J. Peptide Protein Res., 41, 74-84 (1993).
- 40) LeBars M., Bachet B., Mornon J.P., Z Kristallogr 185:588 (1988) (abstract)(1988).
- 41) Karle I.L., Flippen-Andersen J., Sukumar M., Balaram P., Proc Natl Acad Sci, USA 84, 5087-5091 (1987).
- 42) Schwarz G., Savko P., Jung G., Biochim. Biophys. Acta., 728, 419 -428 (1983).
- Franklin J.C., Ellena J.F., Jayasinghe S., Kelsh L.P., Cafiso D.S., *Biochemistry*, 33, 4036-4045 (1994)
- 44) Mueller R.U., Rudin D.O., Nature (London), 217, 713-719 (1968).
- 45) a) Latorre R., Alvarez O., *Physiol. Rev.*, 61, 77-150 (1981).
 b) Sansom M.S.P., *Prog. Biophys. Mol. Biol.*, 55, 139-236 (1991).
- 46) Boheim G., Hanke W., Jung G., Biophys. Struct. Mech., 9, 181-191 (1983).
- 47) Sansom M.S.P., Eur. Biophys. J., 22, 105-124 (1993).
- 48) Fraternali F., *Biopolymers*, **30**, 1083-1099 (1990).
- 49) Schollkopf U., Top. Curr. Chem., 109, 65 (1983).
- 50) Williams K.A., Deber C. M., Biochemistry, 30, 8919-8923, (1991).
- 51) Molle G., Duclohier H., Dugast J.Y., Spach G., Biopolymers, 28, 273-283 (1989).
- Hall J.E., Vodyanoy I., Balasubramanian T.M., Marshall G.R., *Biophys. J.*, 45, 233 -247 (1984).
- 53) Molle G., Dugast J.Y., Duclohier H., Spach G., *Biochim. Biophys. Acta.*, **938**, 310-314 (1988).
- 54) Molle G., Duclohier H., Dugast J.Y., Spach G., Biopolymers, 28, 273-283 (1989).
- 55) Molle G., Duclohier H., Julien S., Spach G. Biochim. Biophys. Acta., 1064, 365-369 (1991).
- 56) Duclohier H., Molle G., Dugast J.Y., Spach G., Biophys. J., 63, 868-873 (1992).
- 57) Irmscher G., Jung G., Eur. J. Biochem., 80, 165-174 (1977).
- a) Johns L., Maddock S.W., Besch H.R., Jr., J. Biol. Chem., 255, 9971-9980 (1980).
 b) Ritov V.B., Murzakhmetova M.K., Trerdislova I.L., Menshikova E.V., Butylin A.A., Arakian T.Y., Yakovenko L.V., Biochim. Biophys. Acta., 1148, 257-262 (1993).

b) Sethi R., Dhalla K. S., Shah K. R., Dhalla N. S., Mol. Cell. Biochem., 119 185-193 (1993).

- 59) a) Takaishi Y., Terada H., Fujita T., Experientia, 36, 550-552 (1980).
 - b) Mathew M.K., Nagaraj R., Balaram P., Biochem. Biophys. Res. Commun., 98, 548 (1981)
 - c) Das M. K., Raghothama S., Balaram P., Biochemistry, 25, 7110 (1986).
- a) Artalejo A.R., Montiel C., Sanchez-Garcia P., Uceda G., Guantes J.M., Garcia A.G., Biochem. Biophys. Res. Commun., 169, 1204-1210 (1990).
 b) Exercise D.L. Lener M.C., Garcia Sancho L., Garcia A.G., EEPS Lett. 283, 80, 02
 - b) Fonteriz R.I., Lopez M.G., Garcia-Sancho J., Garcia A.G., FEBS Lett., 283, 89-92 (1991).
- Tachikawa E., Takahashi S., Furumachi K., Kashimoto T., Iida A., Nagaoka Y., Fujita T., Takaishi Y., Mol. Pharmacol., 40, 790-797 (1991).
- 62) Huang Q., Tezuka Y., Kikuchi T., Momose Y., Eur. J. Pharmacol., 271, R5-R6 (1994)
- Schirmbock M., Lorito M., Wang Y.L., Hayes C.K., Arisanatac I., Scala F., Harman G.E., Kubicek C.P., Appl. Environ. Microbiol. 60, 4364-4370, (1994).
- Tachikawa E., Kashimoto T., Iida A., Nagaoka Y., Fujita T., Takaishi Y., J. Pharmacobio-Dyn., 15, s-10 (1992).
- 65) A. Iida, S. Yoshimatsu, M. Sanekata, T. Fujita, Chem. Pharm. Bull., 38, 2997-3003 (1990).
- 66) König W., Geiger R., Chem. Ber., 103, 2024 (1970).
- 67) Anderson G.W., Zimmerman J.E., Callahan F.M., J. Am. Chem. Soc., 86, 1839 (1964).
- 68) Doty, P., Proc. Natl. Acad. Sci., 55, 1175 (1966).
- 69) Marion D., Wüthrich K., Biochem. Biophys. Res. Commun. 113, 967 (1983).
- 70) Kumar A., Wagner G., Ernst R., J. Am. Chem. Soc., 103, 3654 (1981).
- 71) Wagner G., Wüthrich K., J. Mol. Biol., 155, 347 (1982).
- 72) Pardi A., Billeter M., Wüthrich K., J. Mol. Biol., 180, 741-751 (1984).
- 73) Wüthrich K., Billeter M., Braun W., J. Mol. Biol., 180, 715 740 (1984).
- 74) Englander S.W., Kallenbach N., Q. Rev. Biophys. 16, 521 655 (1984).
- 75) Montal M., Mueller P., Proc. Natl. Acad. Sci., U.S.A., 69, 3561 3566 (1972).
- 76) Roy G., J. Membrane Biol., 24, 71-85 (1975).
- 77) Hall J.E., Vodyanoy I., Balasubramanian T.M., Marshall G.R., *Biophys. J.*, 45, 233-247 (1984)
- 78) Baumann G., Mueller P, J. Supramolec. Struct., 2, 538-557 (1974).
- 79) Boheim G., J. Membrane Biol., 19, 277-303 (1974).
- 80) Sansom M.S.P., Prog. Biophys. Mol. Biol., 55, 139-235 (1991).
- 81) Terada H., Quant. Struct.-Act. Relant., 5, 81 88 (1986).
- 82) Myers D.K., Slater E.C., Biochem. J., 67, 558 (1957).