

ゲノム解読  
Genome Sequencing

株式会社 生物技研 半田 佳宏

研究成果概要

次世代シーケンサーの発達により、モデル生物に限らず非モデル生物のゲノム配列を解読することが比較的容易になった。本年度は、ある魚類と陸上植物のゲノム配列を明らかにするため、イルミナ社製の次世代シーケンサーを用いて膨大な塩基情報を取得した。その後、京都大学化学研究所スーパーコンピュータシステムを利用し、ALLPATHS-LG や SOAPdenovo を用いてゲノムアセンブルを行った。

発表論文(謝辞あり)

・なし

発表論文(謝辞なし)

・なし