

平成30年度 京都大学化学研究所 スーパーコンピュータシステム 利用報告書

次世代シーケンシングデータの解析
Analysis of next-generation sequencing data

京都大学 化学研究所 バイオインフォマティクスセンター 数理生物情報研究領域 森 智弥

研究成果概要

本年度は具体的な計算機実験を行っていない。今後、大量の次世代シーケンスデータ解析の必要が生じた場合に、改めて利用する予定である。

発表論文(謝辞あり)

該当なし

発表論文(謝辞なし)

該当なし