

令和 元年度 京都大学化学研究所 スーパーコンピュータシステム 利用報告書

バイオインフォマティクス実習
Bioinformatics Training

京都大学理学研究科 生物科学専攻 生物物理学系 理論分子生物学分科 緒方研究室
チョウ ルイシヤン

研究成果概要

In this year, I finished exercise of transcriptome analysis on Mimivirus and also did analysis on Medusavirus transcriptome by using the Supercomputer system in Kyoto university. I mainly did research on basic process which includes quality control, reads alignment and counting, clustering viral genes by K-means and motif finding. In the future, I will keep doing the analysis of Medusavirus transcriptome.