坂田 和樹

高密度リポタンパク質(HDL)は末梢組織の余剰なコレステロールを肝臓へと運ぶことでコレステロールの恒常性の維持に貢献しており、血中 HDL 濃度の減少は冠動脈疾患の発症リスクを増大させる。ATP-binding cassette A1 (ABCA1) はヒトに 48 ある ABC タンパク質の一つで、ATP の結合・加水分解のエネルギーを利用して HDL の前駆体である新生 HDL を産生する。新生 HDL は血中脂質受容体であるアポリポタンパク質 A-I (apoA-I) が数百分子の脂質を取り囲んだディスク状の構造を持つ。コレステロールは新生 HDL の主要な脂質成分であるが、コレステロールが ABCA1 の輸送基質であるかどうかは明らかになっていない。ABC タンパク質の ATP 加水分解活性は輸送基質によって誘導されることが知られており、精製した ABC タンパク質を人工脂質粒子であるリポソームに再構成して ATP 加水分解活性を解析することで輸送基質を探索することができる。そこで本研究では、ABCA1 によるコレステロール認識機構を明らかにすることを目的として精製 ABCA1 を用いた生化学的解析を行った。

第一章では、コレステロールがヒト ABCA1 の ATP 加水分解活性に与える影響を解析し た。まず精製 ABCA1 の ATP 加水分解活性測定系の最適化を目指し、lauryl maltose neopentyl glycol を用いて界面活性剤を限りなく排除した状態で ABCA1 を精製する手法を確立した。 次いで、コレステロールが ABCA1 の脂質膜への再構成に与える影響を排除するため、 ABCA1 を人工脂質粒子(リポソーム)に再構成した後にメチルβシクロデキストリン(MβCD) を用いてコレステロールをリポソームに添加する方法を用いて解析を行った。精製した ABCA1 を 1,2-ジオレオイルホスファチジルセリン(DOPS)からなるリポソームに再構成 し、コレステロールをリポソームに添加したところ、ATP 加水分解活性の V_{\max} の上昇がみ られた。このことから、コレステロールは ABCA1 の ATP 加水分解の速度を上昇させるこ とが示された。様々な脂質の影響を評価した結果、このコレステロールによる活性上昇には 負電荷脂質が必要であることが明らかになった。哺乳類細胞内で最も豊富な負電荷脂質は ホスファチジルセリン(PS)であるため、PS に着目して研究を進めた。ABCA1 の ATP 加 水分解活性は DOPS 濃度依存的に上昇し、コレステロールによる活性上昇は DOPS だけで なく脳由来 PS 混合物、 生理的に豊富な 1-パルミトイル-2-オレオイルホスファチジルセリン (POPS) など、幅広い PS 種で確認された。次いで ATP 加水分解活性の上昇が実際の輸送 を反映しているかを検討した。POPS を BHK/ABCA1 細胞に添加すると apoA-I に対するコ レステロール排出量が上昇したことから、PS はコレステロールの輸送活性を上昇させるこ とが確認された。以上から、ABCA1 はコレステロールを輸送基質として認識すること、PS が ABCA1 による ATP 加水分解活性およびコレステロール排出活性を制御することが示唆

された。

第二章では ABCA1 によるステロール認識の詳細を明らかにするため、第一章で構築した ATP 加水分解活性測定系を用いて様々なステロールによる影響を解析した。 MβCD を用いてステロールを DOPS リポソームと混合したところ、複数のステロールがコレステロールと同程度リポソームに挿入できることが分かった。次いでこれらのステロールが ABCA1 の ATP 加水分解活性に与える影響を測定したところ、デスモステロールとチモステロールはコレステロールと同程度(約 2 倍)活性を誘導した。一方で、7-デヒドロコレステロールとラソステロールは約 1.2 倍の活性誘導に留まり、スティグマステロールとブラジカステロールは ATP 加水分解活性を上昇させなかった。また、コレステロール齢送体と考えられている ABCG1 と ABCG4 のステロールに対する応答は ABCA1 と大きく異なり、用いた全てのステロールでコレステロールと同等以上に ATP 加水分解活性を上昇させた。以上から、ABCA1 はコレステロールの側鎖と環構造を認識すること、基質として植物ステロールよりもコレステロールを好むこと、そして ABCA1 と ABCG1, ABCG4 ではコレステロール認識機構が異なっている可能性が示唆された。

本研究によって ABCA1 がコレステロールを輸送基質として認識すること、ABCA1 による認識にはコレステロールの側鎖と環構造の両方が重要であることが示唆された。これらは ABCA1 による HDL 産生機構を明らかにするための重要な知見である。