

平成 28 年度 京都大学化学研究所 スーパーコンピュータシステム 利用報告書

ヒト腸内菌叢のメタゲノム解析

Metagenomic analysis of human intestinal microbiota

東京工業大学 生命理工学院 山田研究室

上田 敦史

研究成果概要

本研究では、京都大学化学研究所スーパーコンピュータシステムを利用し、次世代シーケンサーによるディープシーケンシングのデータのアセンブルを行った。現在、遺伝子予測、機能アサインメントを行っている。

発表論文(謝辞あり)

なし

発表論文(謝辞なし)

なし